

Supplemental content:

Figure S1. Distribution of collagen fibers at proximal and distal ear wound sides and uninjured regions in <i>Acomys</i>	1
Figure S2. Spatial correlation overview of all <i>Acomys</i> tomo-seq samples.....	2
Figure S3. Expression of cellular marker genes across the regenerating <i>Acomys</i> ear pinna at different time points after punch injury	3
Figure S4. Total number of reads per sample in <i>Acomys</i>	4
Figure S5. Tomo-seq reveals distinct molecular differences between proximal and distal areas after ear punch injury	6
Figure S6. Tomo-seq reveals differences in the distribution of cell types, dermal structures and matrisome genes between proximal and distal areas after ear punch injury	8
Figure S7. A comparative approach with <i>Mus musculus</i> and <i>Meriones unguiculatus</i> reveals gene expression differences between regenerating and non-regenerating rodents	10
Figure S8. SpinyMine, a platform for exploring <i>Acomys</i> tomo-seq data	11
Table S1. Correlation between the biological replicates used for tomo-seq per time point.....	12
Table S2. Table of cell type-specific marker genes with literature resources	12
Table S3. Table of muscle genes (Reactome muscle contraction database R-HSA-397014.3) removed from further analysis	13
Table S4. Significant genes between proximal and distal areas of uninjured and injured ears at all timepoints for <i>Acomys</i> , <i>M. unguiculatus</i> and <i>M. musculus</i> (Related to figure 5a and S8d)	0
Table S5. Significant genes from differential gene expression analysis of matrisome genes in all timepoints in <i>Acomys</i> (Related to figure S6b).....	4
Table S6. Top 500 differentially expressed genes between proximal/distal areas within the context of wounding for all species against the corresponding uninjured control tissue at 1 and 10 dpi for <i>Acomys</i> , <i>M. unguiculatus</i> and <i>M. musculus</i> (Related to figure 6b and S8f).....	9
Table S7. Sequences of oligonucleotide primers used for <i>in situ</i> hybridization experiments ..	42

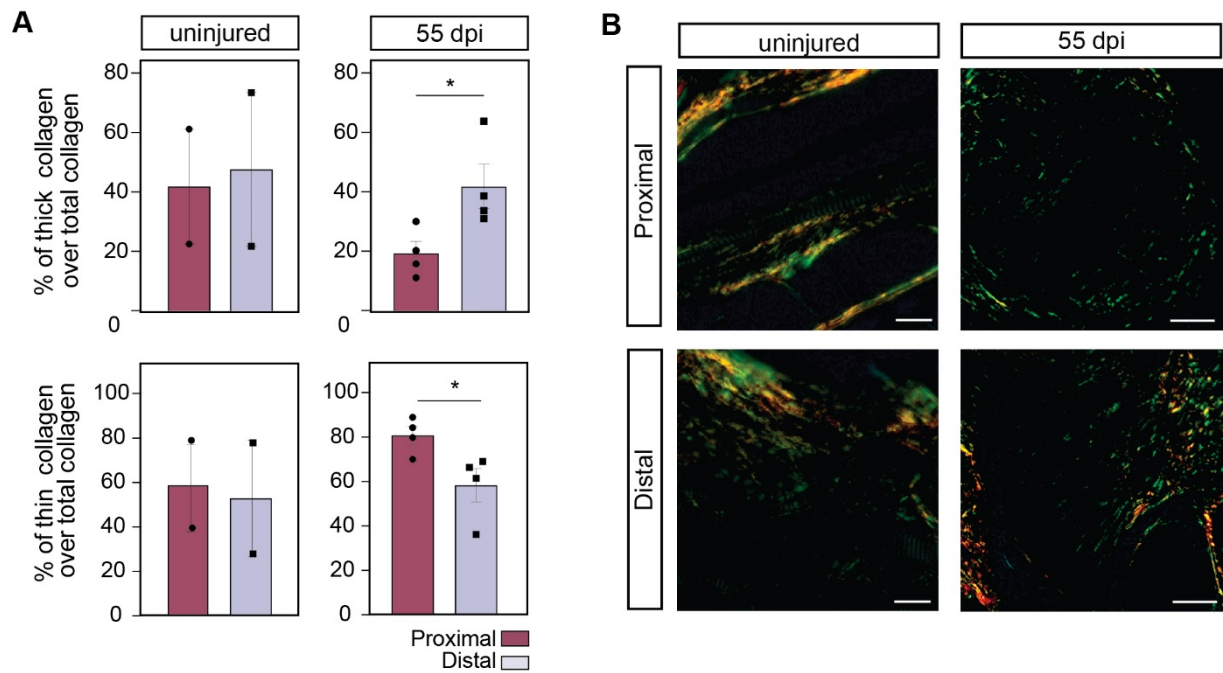


Figure S1. Distribution of collagen fibers at proximal and distal ear wound sides and uninjured regions in *Acomys*

(A) Barplots representing the percentage of thick or thin fibres after staining of proximal and distal tissue (uninjured and 55 dpi) with Picrosirius Red followed by polarized light microscopy. The area of thick (yellow to red) and thin (green) collagen fibers was measured and expressed as percentage of the total collagen area. (B) Representative images of proximal and distal regions quantified in (A). uninjured $n=2$ and 55 dpi $n=4$. Data area expressed as mean $\pm$ s.e.m., two-tailed unpaired t -test, scale bar, 100 μ m.

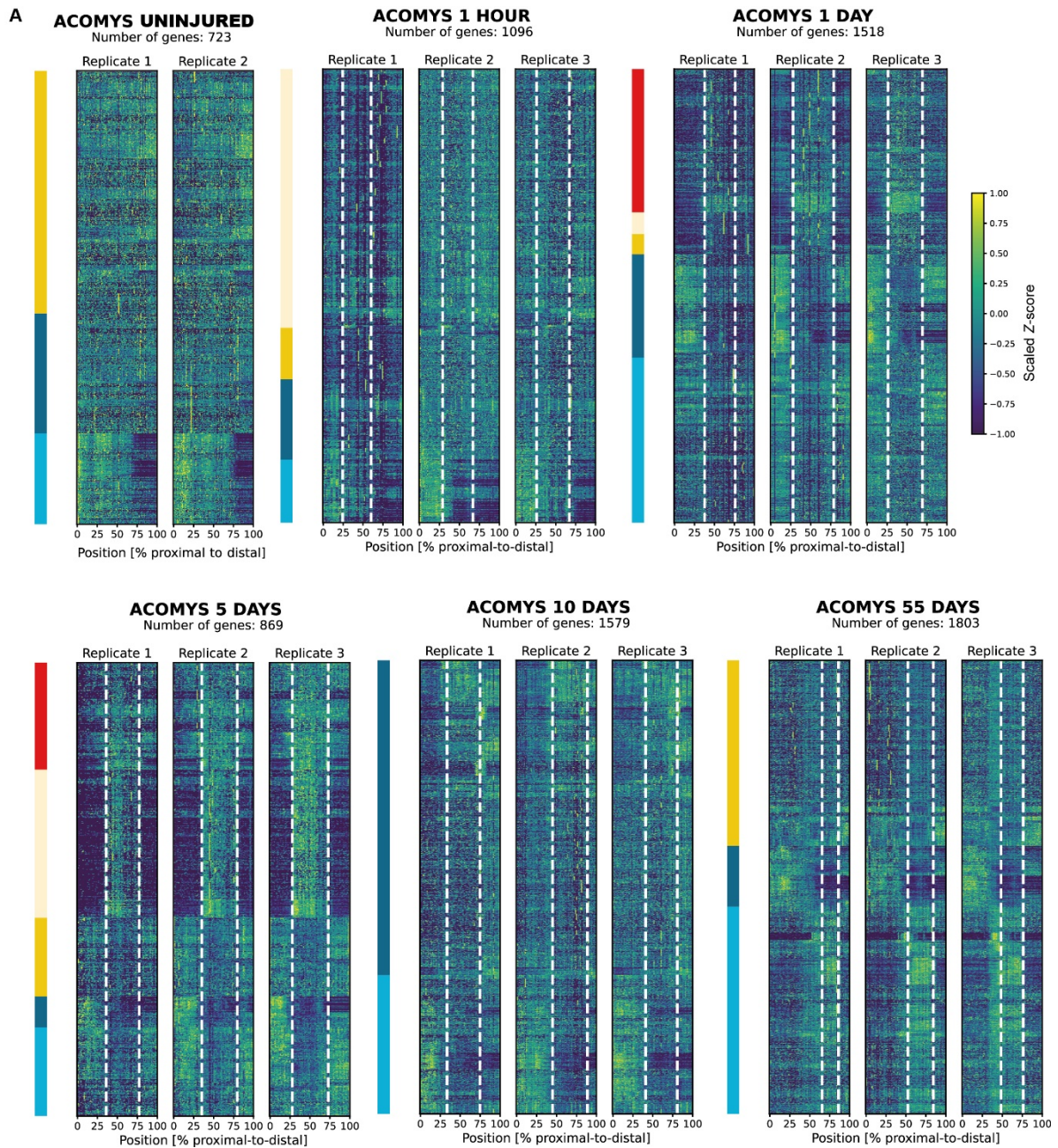


Figure S2. Spatial correlation overview of all *Acomys* tomo-seq samples

Heat maps visualising gene expression for two or three biological replicates for each time point for all significant genes, p val < 0.05 in at least one out of the three replicates. Each line corresponds to one gene, each row to one section. X-axis: 0 is most proximal, 100 is most distal. Dotted lines indicate the open ear punch area. Yellow indicates relative high expression; blue indicates relative low expression.

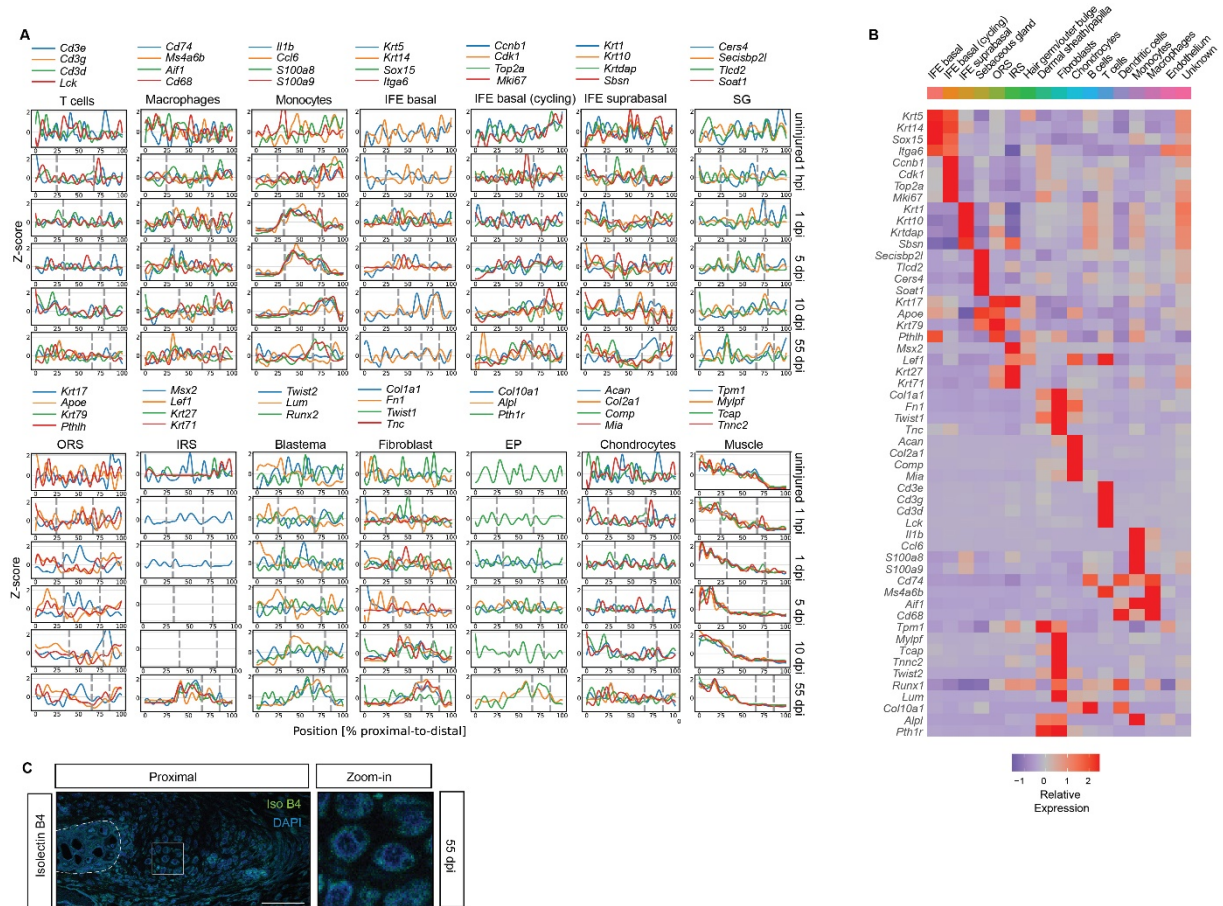


Figure S3. Expression of cellular marker genes across the regenerating *Acomys* ear pinna at different time points after punch injury

(A) Line plots plotting z-scores of cell type-specific markers gene expression (derived from tomo-seq data) across the ear tissue (X-axis: 0 is most proximal, 100 is most distal) for the uninjured timepoint and 1, 10 and 55 dpi. Dotted lines mark the open punch area.

(B) Heatmap (red high, blue low) showing expression of cellular markers for distinct cell types in an scRNA-seq dataset from *Acomys* punched ears (proximal region at 15 dpi) (Tomasso et al., 2023).

(C) Immunohistochemical staining of Isolectin B4 (green) and DNA (blue) in the proximal region at 55 dpi, visualizing cells with a chondrocyte-like appearance; right panel: zoom-in; scale bar: 100 μ m. EP: epiphysial plate, IFE: interfollicular epidermis, IRS: inner root sheath, ORS: outer root sheath.

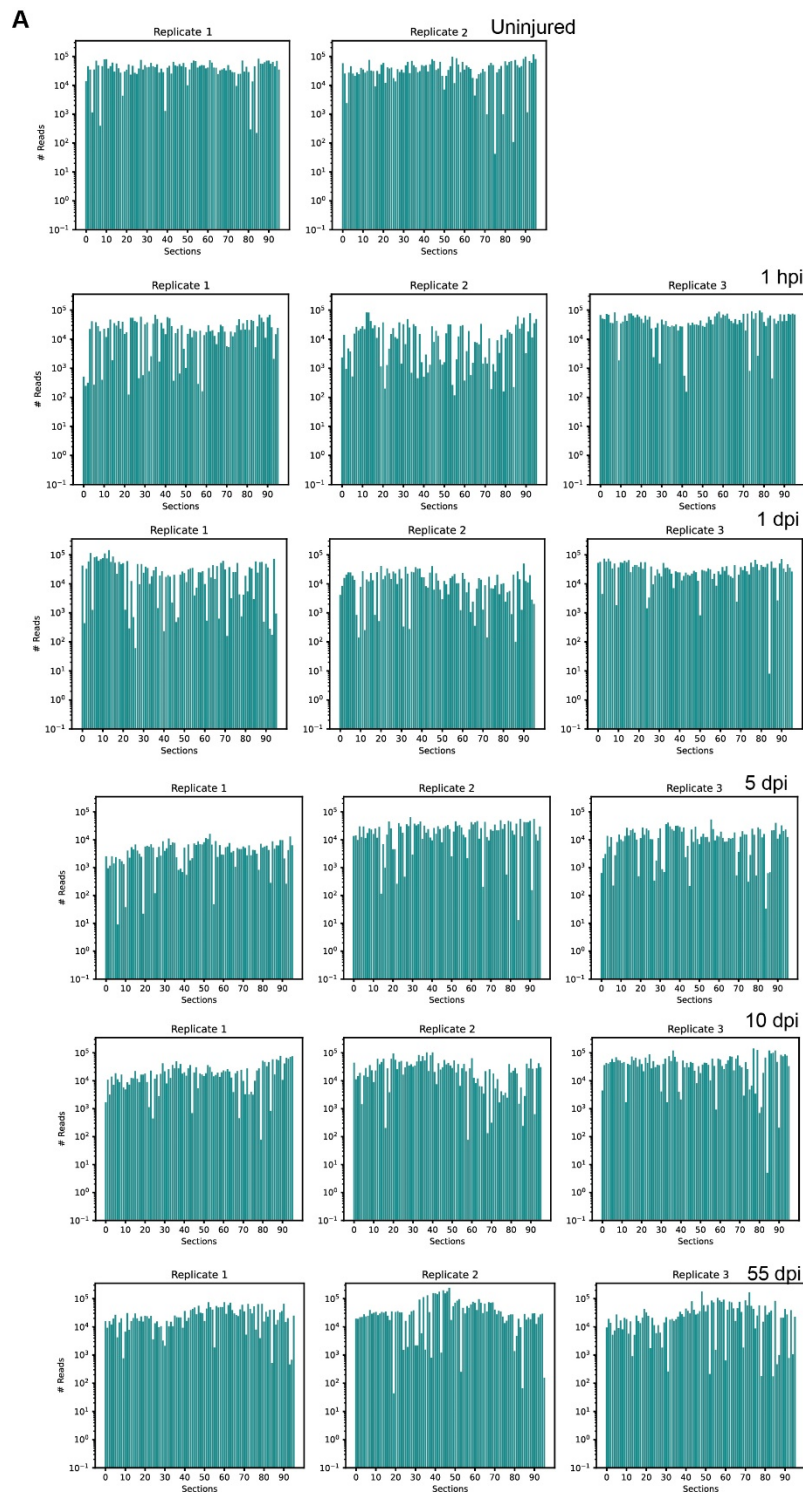


Figure S4. Total number of reads per sample in *Acomys*
 Total number of reads derived from each section for all *Acomys* replicates and timepoints.

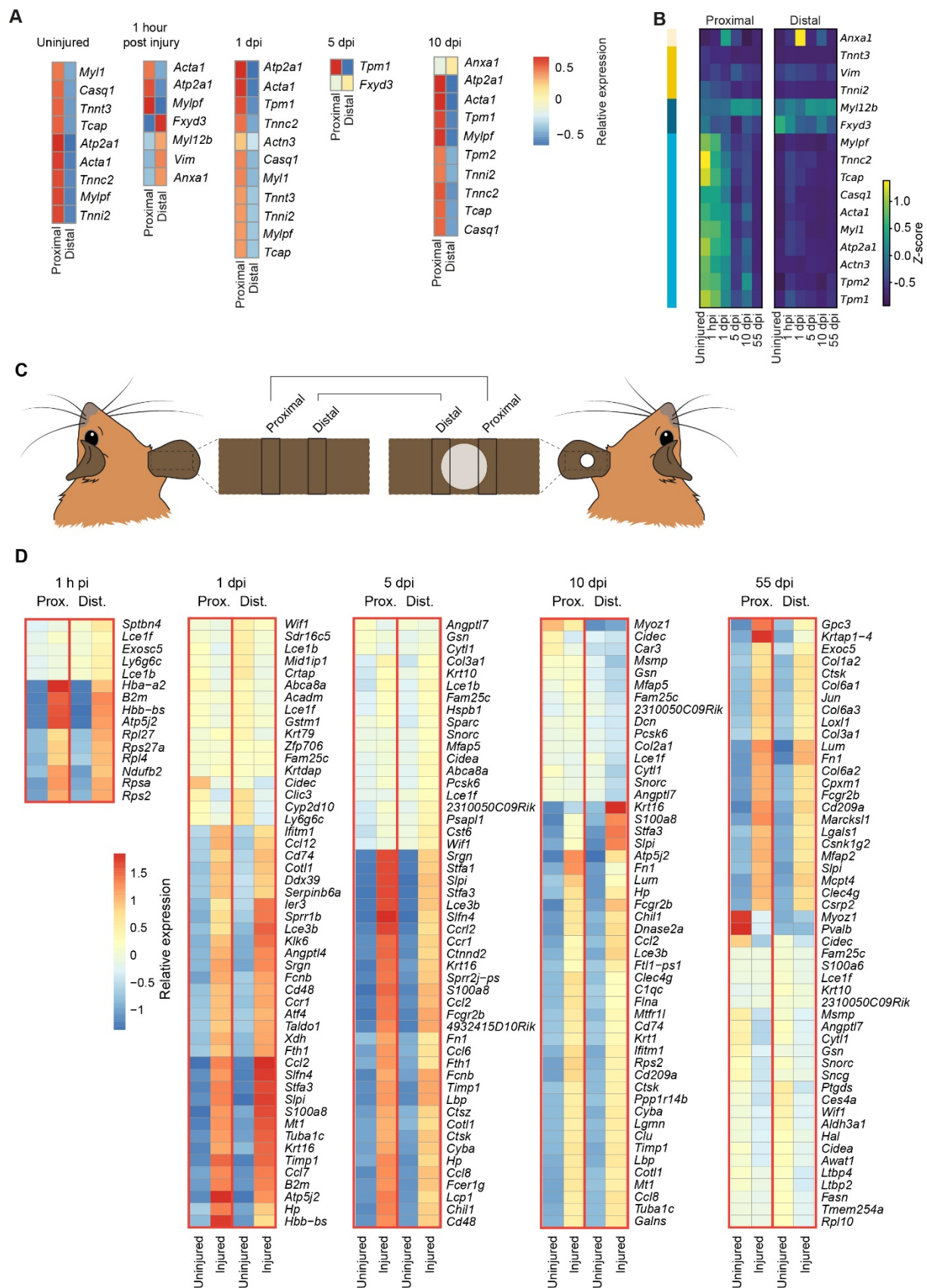


Figure S5. Tomo-seq reveals distinct molecular differences between proximal and distal areas after ear punch injury

(A) Paired within-sample comparison using only genes listed in the reactome muscle contraction database (R-HSA-397014.3), per time point, proximal versus distal (p val <0.1 , $\log_2$ fold change >1). The color indicates the averaged normalized expression per region, red high, blue low. See also Table S3. (B) Heat map visualizing the relative expression of genes from A. Yellow indicates relative high expression, blue indicates relative low expression; $n=3$. (C) Schematic representation of the tissue regions used for the paired within-sample comparison.

(D) Paired within-sample comparison per time point, proximal versus distal. The top 50 differentially expressed genes are shown ($\text{padj} <0.1$, $\log_2$ fold change >1). The color indicates the averaged normalized expression per region, red high, blue low; $n=3$.

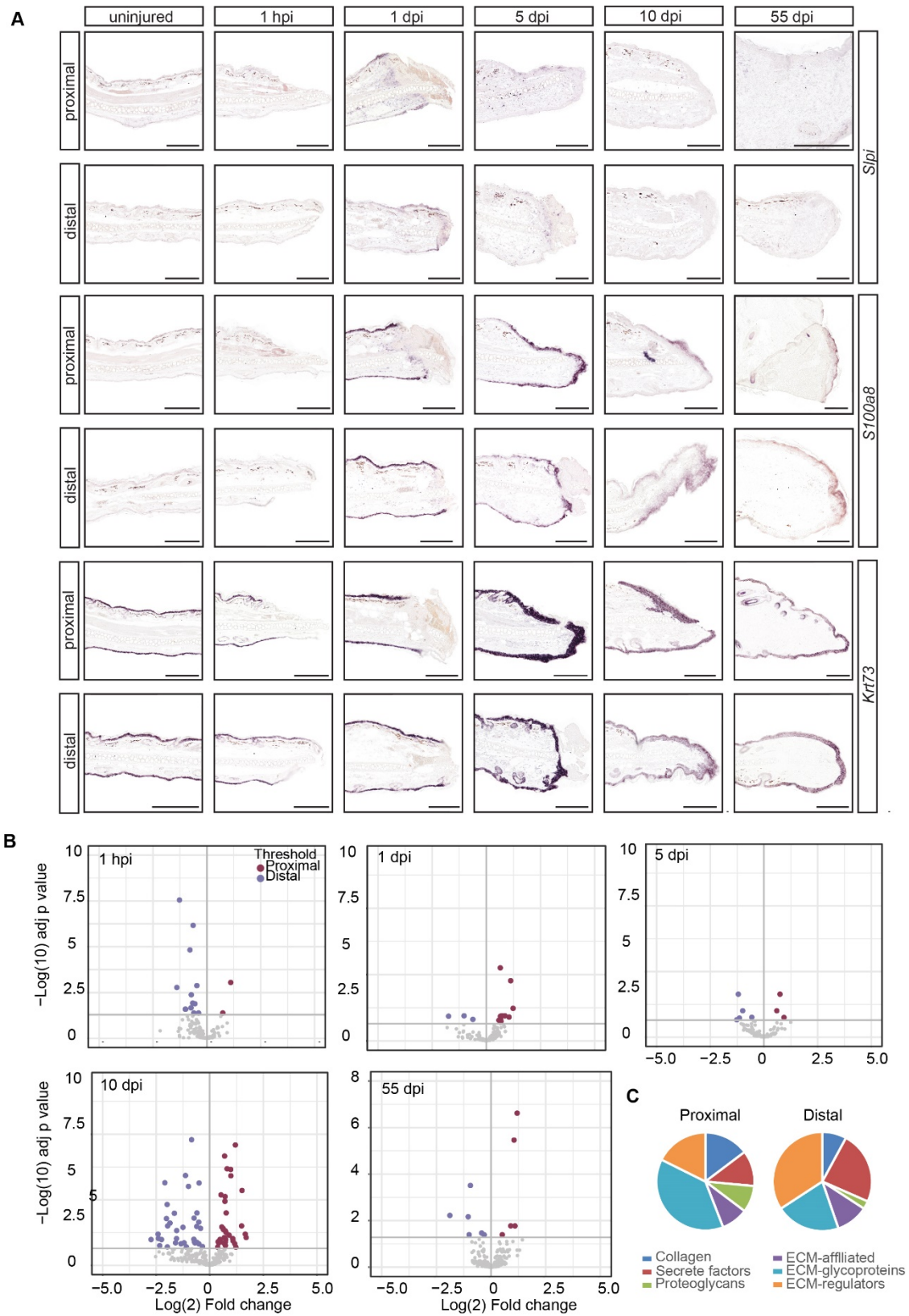


Figure S6. Tomo-seq reveals differences in the distribution of cell types, dermal structures and matrisome genes between proximal and distal areas after ear punch injury

(A) *In situ* hybridization against *Slpi* and *S100a8* (indicating monocytes) and *Krt73* mRNAs (indicating hair follicles) in proximal and distal sections from *Acomys* ear punch wounds at different time points after injury. Accumulation of monocytes at the proximal wound site is visible at 1 dpi.

(B) Differential gene expression analysis of matrisome genes between proximal and distal ear regions at different time points after injury, visualized with volcano plots. Matrisome genes were extracted using a publicly available collection of curated ECM genes (Shao et al., 2023).

(C) Pie chart of proximal and distal region at 10 dpi of six matrisome categories.

Shao, X., Gomez, C.D., Kapoor, N., Considine, J.M., Grams, C., Gao Y., & Naba, A. (2023). MatrisomeDB 2.0: 2023 updates to the ECM-protein knowledge database. *Nucleic Acid Research* 51(D1), D1519-D1530.

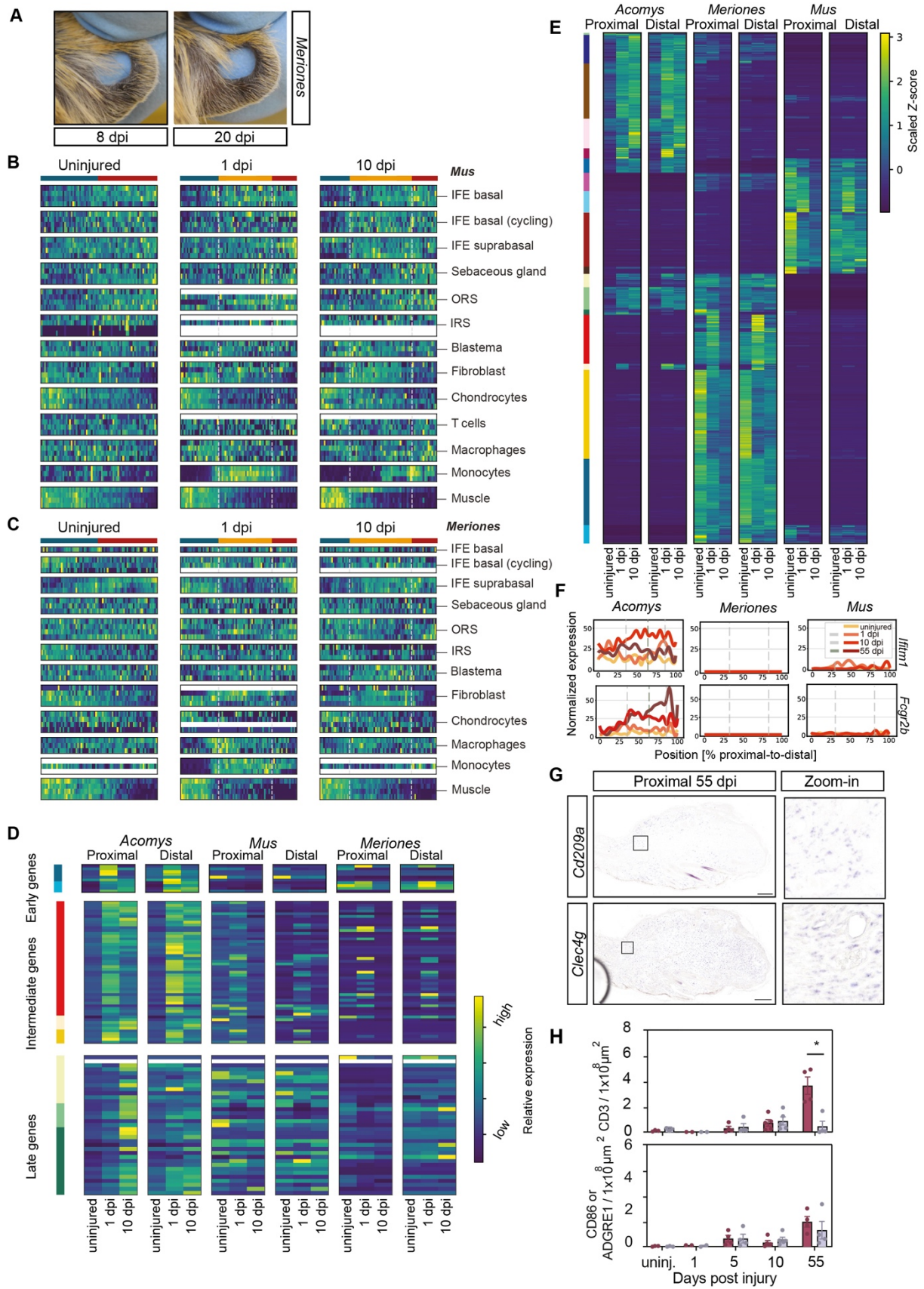


Figure S7. A comparative approach with *Mus musculus* and *Meriones unguiculatus* reveals gene expression differences between regenerating and non-regenerating rodents

(A) Ear punches in *M. unguiculatus* at 8 and 20 days post injury. Note that these ear punches do not regenerate.

(B) Heat map showing the average proximal–distal expression pattern of various cell type-specific markers in uninjured tissue and at 1 and 10 dpi in *M. musculus*. n=3 for all time points. The white dotted lines indicate the open ear punch area. Yellow indicates relative high expression, blue indicates relative low expression.

(C) Heat map showing the average proximal–distal expression pattern of various cell type-specific marker genes in uninjured tissue and at 1 and 10 dpi in *M. unguiculatus*. n=3 for all time points. The white dotted lines indicate the open ear punch area. Yellow indicates relative high expression, blue indicates relative low expression.

(D) Heat map showing significant genes identified with differential gene expression analysis between proximal and distal areas of injured ears (Figure 5a) against the corresponding uninjured control tissue (log2 fold change > 1 and p adj. < 0.1), at 1 and 10 dpi for *Acomys*, *M. unguiculatus* and *M. musculus*. Yellow indicates relative high expression, blue indicates relative low expression. Three clusters based on similar expression are presented, early genes, intermediate genes and late genes.

(E) Heat map containing the top 500 differentially expressed genes between proximal/distal areas within the context of wounding for all species against the corresponding uninjured control tissue (log2 fold change > 1 and p adj. < 0.1) at 1 and 10 dpi for *Acomys*, *M. unguiculatus* and *M. musculus*. Yellow indicates relative high expression, blue indicates relative low expression.

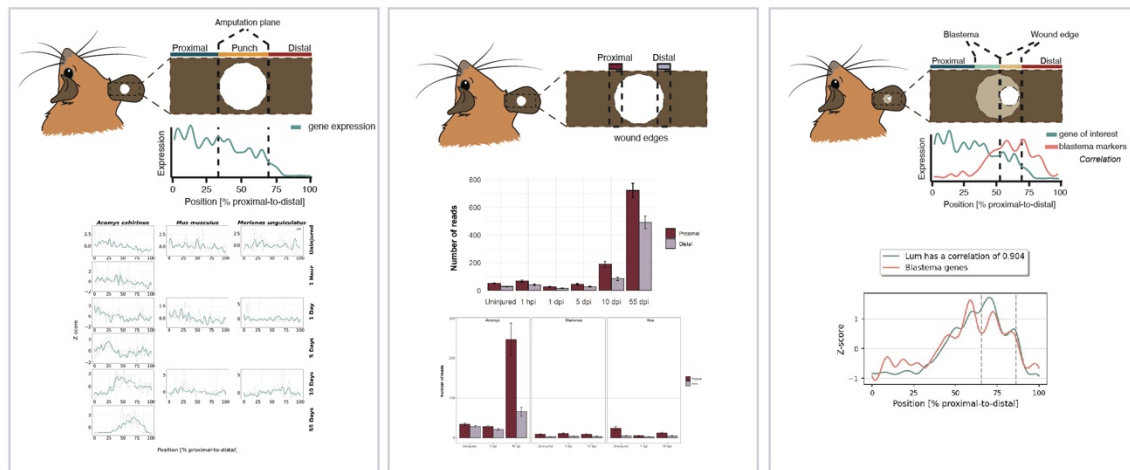
(F) Line plot with the normalized expression of *Iftim1* and *Fcgr2b* at the uninjured timepoint and at 1, 10 and 55 dpi in *Acomys*, *M. unguiculatus* and *M. musculus*.

(G) *In situ* hybridization against *Cd209a* and *Clec4g* mRNA in the proximal regenerating area at 55dpi; zoom-ins are shown in the right panels. Scale bar, 100 μ m.

(H) Proximal and distal *Acomys* ear sections stained with a CD3 antibody (indicating T cells) and an ADGRE1/CD86 antibody (indicating macrophages); uninjured n=3, 1 dpi n=2, 5 dpi n=4, 10 dpi n=5, 55 dpi n=4

A

SpinyMine - A platform for exploring gene expression patterns in spiny mice (*Acomys*).



B

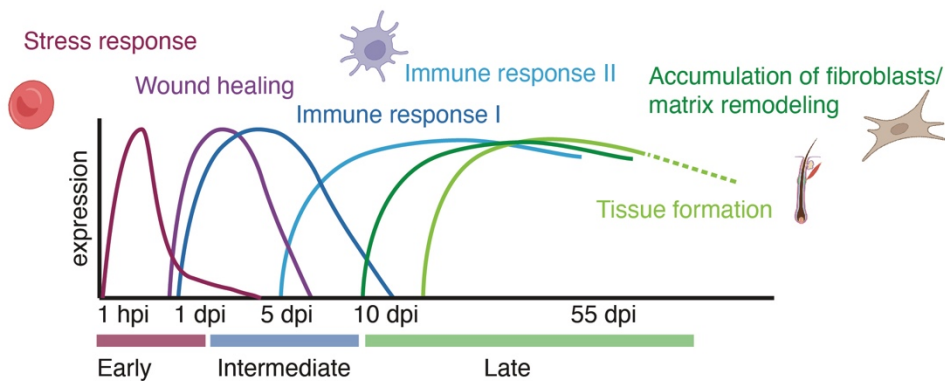


Figure S8. SpinyMine, a platform for exploring *Acomys* tomo-seq data

(A) Visualization of *Acomys*, *M. musculus* and *M. unguiculatus* tomo-seq data. Shown are examples of line plots of expression of a single gene across the ear (left) and bar plots of gene expression in proximal and distal ear sections (middle). The right panel shows correlation of expression of a single gene with cell type-specific markers, such as blastema markers. (B) Summary of cellular events during regeneration of the spiny mouse ear (model).

Table S1. Correlation between the biological replicates used for tomo-seq per time point

Time point	Rep1xRep2	Rep1xRep3	Rep2xRep3
1 hpi	0,94	0,95	0,93
1 dpi	0,93	0,94	0,94
5 dpi	0,98	0,91	0,91
10 dpi	0,91	0,91	0,96
55 dpi	0,98	0,91	0,91
uninjured	0,99		

Table S2. Table of cell type-specific marker genes with literature resources

Gene	Cell type	Literature	Gene	Cell type	Literature
<i>Krt5</i>	IFE basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd3e</i>	T-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt14</i>	IFE basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd3g</i>	T-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Sox15</i>	IFE basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd3d</i>	T-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Itga6</i>	IFE basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Lck</i>	T-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Ccnb1</i>	IFE basal cycling	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Batf3</i>	Dendritic cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Cdk1</i>	IFE basal cycling	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Ccr7</i>	Dendritic cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Top2a</i>	IFE basal cycling	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Ccl17</i>	Dendritic cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Mki67</i>	IFE basal cycling	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd40</i>	Dendritic cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt1</i>	IFE super basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd74</i>	Macrophages	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt10</i>	IFE super basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Ms4a6b</i>	Macrophages	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt10</i>	IFE super basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Aif1</i>	Macrophages	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Sbsn</i>	IFE super basal	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd68</i>	Macrophages	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Cidea</i>	SG inner	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Il1b</i>	Monocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Plin2</i>	SG inner	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Ccl6</i>	Monocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Elovl6</i>	SG inner	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>S100a8</i>	Monocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Gk5</i>	SG inner	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>S100a9</i>	Monocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Cers4</i>	SG Outer	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Pecam1</i>	Endothelium	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Secisbp2l</i>	SG Outer	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Vwf</i>	Endothelium	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Tlcl2</i>	SG Outer	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Plvap</i>	Endothelium	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Soat1</i>	SG Outer	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Emcn</i>	Endothelium	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt17</i>	ORS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Tpm1</i>	Muscle	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Apoe</i>	ORS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Mylpf</i>	Muscle	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt79</i>	ORS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Tcap</i>	Muscle	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Pthlh</i>	ORS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Tnnc2</i>	Muscle	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Msx2</i>	IRS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Twist2</i>	Blastema	(Leigh et al., 2018)

<i>Lef1</i>	IRS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Runx1</i>	Blastema	(Leigh et al., 2018)
<i>Krt27</i>	IRS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Lum</i>	Blastema	(Leigh et al., 2018)
<i>Krt71</i>	IRS	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Col10a1</i>	EP	(Hissnauer et al., 2010)
<i>Id1</i>	Hair germ	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Alpl</i>	EP	(Hissnauer et al., 2010)
<i>Id3</i>	Hair germ	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Pth1r</i>	EP	(Hissnauer et al., 2010)
<i>Lgr5</i>	Hair germ	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd79a</i>	B-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Krt15</i>	Hair germ	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Cd79b</i>	B-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Ramp1</i>	Dermal sheath	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Fcmr</i>	B-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Acta2</i>	Dermal sheath	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Fcrla</i>	B-cells	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Tagln</i>	Dermal sheath	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Acan</i>	Chondrocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Mylk</i>	Dermal sheath	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Col2a1</i>	Chondrocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Col1a1</i>	Fibroblast	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Comp</i>	Chondrocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Fn1</i>	Fibroblast	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Mia</i>	Chondrocytes	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)
<i>Twist1</i>	Fibroblast	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)	<i>Tnc</i>	Fibroblast	(Joost et al, 2020, Tomasso et al., 2023)

Table S3. Table of muscle genes (Reactome muscle contraction database R-HSA-397014.3) removed from further analysis

Genes	<i>Atp1a1</i>	<i>Kcne4</i>	<i>Tnnt1</i>	<i>Atp2b4</i>
<i>Calm1</i>	<i>Atp1a4</i>	<i>Kcne5</i>	<i>Tnni1</i>	<i>Atp2b2</i>
<i>Cav3</i>	<i>Atp1a3</i>	<i>Kcne3</i>	<i>Tnni2</i>	<i>Atp2b3</i>
<i>Trim72</i>	<i>Atp1b3</i>	<i>Kcne1</i>	<i>Tnnc1</i>	<i>Atp2b1</i>
<i>Dysf</i>	<i>Atp1b2</i>	<i>Kcne2</i>	<i>Tnnc2</i>	<i>Abcc9</i>
<i>Actg2</i>	<i>Atp1b1</i>	<i>Kcnq1</i>	<i>Ttn</i>	<i>Kcnj11</i>
<i>Acta2</i>	<i>Ahcyl1</i>	<i>Scn2b</i>	<i>Vim</i>	<i>Casq1</i>
<i>Myh11</i>	<i>Slc8a1</i>	<i>Scn3b</i>	<i>Actn3</i>	<i>Casq2</i>
<i>Tpm4</i>	<i>Slc8a3</i>	<i>Scn4b</i>	<i>Actn2</i>	<i>Ryr1</i>
<i>Tpm1</i>	<i>Slc8a2</i>	<i>Scn1b</i>	<i>Tcap</i>	<i>Ryr2</i>
<i>Tpm3</i>	<i>Kcnk9</i>	<i>Scn11a</i>	<i>Des</i>	<i>Ryr3</i>
<i>Tpm2</i>	<i>Kcnk2</i>	<i>Scn7a</i>	<i>Mybpc2</i>	<i>Trdn</i>
<i>Cald1</i>	<i>Kcnk12</i>	<i>Scn8a</i>	<i>Mybpc1</i>	<i>Fkbp1b</i>
<i>Lmod1</i>	<i>Kcnk13</i>	<i>Scn1a</i>	<i>Mybpc3</i>	<i>Asph</i>
<i>Itga1</i>	<i>Kcnk7</i>	<i>Scn4a</i>	<i>Myh8</i>	<i>Clic2</i>
<i>Vcl</i>	<i>Kcnk16</i>	<i>Scn2a</i>	<i>Myh3</i>	<i>Orai2</i>
<i>Sorbs1</i>	<i>Kcnk5</i>	<i>Scn9a</i>	<i>Myh6</i>	<i>Orai1</i>
<i>Sorbs3</i>	<i>Kcnk17</i>	<i>Scn3a</i>	<i>Myl1</i>	<i>Stim1</i>
<i>Tln1</i>	<i>Kcnk18</i>	<i>Scn10a</i>	<i>Myl3</i>	<i>Trpc1</i>
<i>Itgb5</i>	<i>Kcnk10</i>	<i>Scn5a</i>	<i>Myl2</i>	<i>Prkaca</i>
<i>Pxn</i>	<i>Kcnk4</i>	<i>Fgf14</i>	<i>Myl4</i>	<i>Nos1</i>
<i>Myl9</i>	<i>Kcnk6</i>	<i>Fgf13</i>	<i>Dmd</i>	<i>Dmpk</i>
<i>Myl6</i>	<i>Kcnk1</i>	<i>Fgf11</i>	<i>Tpm4</i>	<i>Itpr1</i>
<i>Myl5</i>	<i>Kcnk3</i>	<i>Fgf12</i>	<i>Tpm1</i>	<i>Itpr3</i>
<i>Myl6b</i>	<i>Kcnk15</i>	<i>Rangrf</i>	<i>Tpm3</i>	<i>Itpr2</i>
<i>Myl10</i>	<i>Kcnj4</i>	<i>Kcnip2</i>	<i>Tpm2</i>	<i>Tnni3</i>
<i>Myl12a</i>	<i>Kcnj2</i>	<i>Kcnip1</i>	<i>Acta1</i>	<i>Fxyd6</i>
<i>Myl7</i>	<i>Kcnj12</i>	<i>Kcnip3</i>	<i>Actc1</i>	<i>Fxyd4</i>
<i>Myl12b</i>	<i>Kcnj14</i>	<i>Kcnip4</i>	<i>Tmod2</i>	<i>Fxyd2</i>
<i>Mylpf</i>	<i>Nppa</i>	<i>Kcnd1</i>	<i>Tmod4</i>	<i>Fxyd7</i>
<i>Mylk</i>	<i>Npr1</i>	<i>Kcnd2</i>	<i>Tmod3</i>	<i>Fxyd3</i>
<i>Pak1</i>	<i>Corin</i>	<i>Kcnd3</i>	<i>Tmod1</i>	<i>Fxyd1</i>

<i>Pak2</i>	<i>Npr2</i>	<i>Kcnh2</i>	<i>Neb</i>	<i>Atp1a2</i>
<i>Gucy1b2</i>	<i>Nppc</i>	<i>Myh8</i>	<i>Tnnt3</i>	
<i>Gucy1b1</i>	<i>Nkx2-5</i>	<i>Myh3</i>	<i>Tnnt2</i>	
<i>Gucy1a2</i>	<i>Gata4</i>	<i>Myh6</i>	<i>Tnnt1</i>	
<i>Gucy1a1</i>	<i>Hipk2</i>	<i>Myl1</i>	<i>Tnni3</i>	
<i>Anxa2</i>	<i>Hipk1</i>	<i>Myl3</i>	<i>Tnni1</i>	
<i>Anxa6</i>	<i>Wwtr1</i>	<i>Myl2</i>	<i>Tnni2</i>	
<i>Anxa1</i>	<i>Kat2b</i>	<i>Myl4</i>	<i>Tnnc1</i>	
<i>Atp2a3</i>	<i>Tbx5</i>	<i>Dmd</i>	<i>Tnnc2</i>	
<i>Atp2a1</i>	<i>Cacng4</i>	<i>Acta1</i>	<i>Ttn</i>	
<i>Atp2a2</i>	<i>Cacng7</i>	<i>Actc1</i>	<i>Vim</i>	
<i>Pln</i>	<i>Cacng6</i>	<i>Tmod2</i>	<i>Actn3</i>	
<i>Sri</i>	<i>Cacng8</i>	<i>Tmod4</i>	<i>Actn2</i>	
<i>Camk2g</i>	<i>Cacnb2</i>	<i>Tmod3</i>	<i>Tcap</i>	
<i>Camk2d</i>	<i>Cacnb1</i>	<i>Tmod1</i>	<i>Des</i>	
<i>Camk2b</i>	<i>Cacna1c</i>	<i>Neb</i>	<i>Mybpc2</i>	
<i>Camk2a</i>	<i>Cacna2d2</i>	<i>Tnnt3</i>	<i>Mybpc1</i>	
<i>Sln</i>	<i>Akap9</i>	<i>Tnnt2</i>	<i>Mybpc3</i>	

Table S4. Significant genes between proximal and distal areas of uninjured and injured ears at all timepoints for *Acomys*, *M. unguiculatus* and *M. musculus* (Related to figure 5a and S8d)

	h c l	prox mer _1dpi	prox mer _10d pi	prox mer _unin j	dist mer _1dpi	dist mer _10dpi	dist mer _uninj	prox mus _1dpi	prox mus _10d pi	prox mus _unin j	dist mus _1dpi	dist mus _10dpi	dist mus _uninj	dist aco _1hpi	dist aco _10dpi	dist aco _1dpi	dist aco _55dpi	dist aco _5dpi	dist aco _uninj ured	prox aco _1hpi	prox aco _10d pi	prox aco _1dpi	prox aco _55d pi	prox aco _5dpi	prox aco _unin jured
<i>Alas2</i>	1	50,1	12,9	17,9	30,0	11,3	13,1	2,2	0,6	4,4	3,9	3,0	0,9	71,2	3,5	18,2	2,1	60,9	2,2	122,9	1,0	52,0	1,1	121,7	1,6
<i>Arf4</i>	5	8,8	7,2	19,5	8,6	5,7	8,2	41,7	48,0	49,6	50,2	53,9	44,7	29,7	15,2	23,4	40,0	30,4	7,4	25,0	19,3	14,8	58,6	48,7	5,6
<i>Atp5j2</i>	0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	117,5	62,2	120,5	87,0	115,3	122,0	255,3	175,5	236,2	121,3	190,2	5,9	334,0	302,4	338,4	151,7	206,9	8,0
<i>B2m</i>	0	554,2	229,6	367,0	517,9	291,7	231,2	60,4	36,0	68,4	46,4	37,4	46,6	721,4	307,8	436,1	198,5	304,4	20,0	773,6	433,2	372,6	196,8	426,0	21,7
<i>B4galt2</i>	5	0,0	2,6	6,5	0,0	0,0	0,0	3,3	1,9	5,0	0,0	3,7	4,7	38,6	21,1	15,6	25,2	30,4	6,7	23,0	24,4	10,4	36,7	36,5	4,8
<i>C3</i>	4	103,2	33,5	81,2	62,1	23,8	47,5	15,4	2,5	19,5	5,8	2,2	6,5	14,8	19,9	18,2	9,8	30,4	3,0	11,5	30,4	16,3	11,3	66,9	3,2
<i>Ccl19</i>	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	20,8	30,4	46,7	8,4	38,0	4,5	36,5	38,6	80,2	13,5	30,4	6,4
<i>Ccl2</i>	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	520,4	36,3	50,9	745,9	89,1	55,9	92,0	99,5	519,1	63,1	471,8	11,9	17,3	57,8	296,9	57,0	766,7	7,2
<i>Ccl6</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	98,8	11,0	21,3	56,0	16,5	17,7	255,3	261,0	436,1	131,2	1187,0	100,2	172,8	205,0	194,4	202,4	2142,0	71,6
<i>Ccl7</i>	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	22,0	0,6	1,3	29,0	1,5	0,9	29,7	12,9	77,9	33,7	60,9	0,7	5,8	15,2	62,3	34,4	115,6	1,6
<i>Ccr1</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	9,9	0,3	1,3	9,7	1,5	0,0	11,9	22,2	41,5	2,8	83,7	1,5	3,8	9,1	29,7	3,4	164,3	1,6
<i>Ccl2</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,4	0,0	0,6	3,9	1,5	0,0	5,9	15,2	28,6	0,7	76,1	0,7	7,7	4,1	16,3	0,6	206,9	0,8
<i>Cd2</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,9	3,0	12,9	18,2	2,8	38,0	0,7	1,9	6,1	10,4	2,8	109,5	0,8
<i>Cd209a</i>	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,2	0,3	0,6	0,0	0,0	0,0	29,7	62,0	18,2	111,5	167,4	10,4	28,8	89,3	23,7	152,3	182,6	5,6
<i>Cd248</i>	6	2,9	7,2	24,4	2,1	3,4	6,6	7,7	5,7	17,0	1,9	4,5	13,0	59,4	26,9	18,2	48,4	38,0	8,2	51,8	50,7	23,7	61,5	36,5	8,0
<i>Cd48</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,2	1,9	3,1	0,0	3,7	2,8	47,5	50,3	103,8	29,5	235,9	9,6	30,7	47,7	77,2	42,9	383,4	8,0
<i>Cdh11</i>	7	0,0	0,5	0,0	0,0	1,1	0,0	3,3	7,6	3,1	5,8	5,2	3,7	5,9	3,5	2,6	14,0	7,6	1,5	3,8	6,1	1,5	25,4	18,3	1,6
<i>Cfl1</i>	5	11,8	3,6	13,0	10,7	3,4	4,9	120,8	54,6	42,1	158,4	85,4	50,3	29,7	22,2	15,6	68,7	83,7	10,4	26,9	26,4	13,4	104,9	127,8	7,2
<i>Chil1</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	39,5	11,7	17,0	94,7	33,7	11,2	41,6	108,8	75,3	18,9	312,0	13,4	19,2	101,5	72,7	18,0	529,4	8,0
<i>Clec4g</i>	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	83,1	139,3	31,1	256,0	441,3	34,1	55,7	231,3	29,7	332,1	334,7	29,8
<i>Clu</i>	3	20,6	16,0	47,1	19,3	11,3	29,5	43,9	27,5	138,8	48,3	49,4	149,9	56,4	93,6	51,9	9,1	159,8	14,1	49,9	94,4	44,5	5,1	176,5	13,7
<i>Col12a1</i>	5	0,0	2,1	0,0	0,0	1,1	0,0	11,0	39,5	17,6	15,5	38,9	17,7	53,4	14,0	20,8	45,6	60,9	8,9	38,4	25,4	11,9	62,6	42,6	8,0
<i>Col1a2</i>	6	73,7	192,0	370,2	53,5	120,3	134,4	668,7	517,0	901,6	684,0	539,9	684,5	469,0	65,5	137,6	375,9	106,5	54,9	403,1	191,8	115,8	355,8	140,0	74,8
<i>Col6a2</i>	7	11,8	17,0	40,6	10,7	13,6	11,5	64,8	104,5	123,7	63,8	91,4	126,7	204,8	58,5	41,5	312,8	152,2	44,5	111,3	130,9	31,2	407,7	170,4	29,8
<i>Col6a3</i>	6	0,0	1,5	1,6	0,0	1,1	0,0	28,5	26,8	86,6	23,2	25,5	39,1	103,9	22,2	38,9	62,4	38,0	12,6	65,3	51,7	25,2	89,7	48,7	11,3

Copb1	5	14,7	7,2	24,4	10,7	7,9	9,8	20,9	16,4	30,1	29,0	27,7	32,6	53,4	26,9	26,0	56,8	60,9	12,6	36,5	28,4	10,4	69,9	73,0	8,0
Coro1a	4	120,9	20,1	30,9	102,7	19,3	23,0	41,7	10,1	11,9	42,5	22,5	12,1	11,9	19,9	26,0	6,3	53,3	3,0	7,7	16,2	25,2	6,8	97,4	2,4
Cotl1	4	87,0	8,8	24,4	57,8	7,9	9,8	47,2	13,6	17,6	30,9	33,7	19,6	139,5	184,9	202,5	72,2	410,9	34,1	111,3	199,9	176,6	90,2	572,0	23,3
Cpxm1	7	0,0	0,5	0,0	0,0	0,0	0,0	6,6	4,4	4,4	5,8	5,2	5,6	14,8	8,2	5,2	38,6	22,8	4,5	5,8	13,2	5,9	53,6	30,4	2,4
Csnk1g2	5	4,4	6,7	22,7	6,4	4,5	9,8	3,3	1,6	1,3	1,9	3,0	4,7	68,3	50,3	36,3	69,4	76,1	7,4	53,8	71,0	32,7	94,2	79,1	8,8
Csrnp1	4	10,3	0,0	3,2	10,7	0,0	0,0	4,4	0,3	0,6	5,8	2,2	0,0	8,9	10,5	20,8	0,7	38,0	0,7	3,8	3,0	13,4	1,1	97,4	0,8
Csrp2	5	4,4	5,7	16,2	2,1	3,4	4,9	4,4	12,0	4,4	3,9	9,7	5,6	8,9	11,7	2,6	41,4	15,2	3,7	7,7	66,0	4,5	46,8	24,3	3,2
Ctnnd2	4	2,9	0,5	3,2	8,6	0,0	1,6	3,3	0,3	5,0	7,7	4,5	4,7	5,9	9,4	15,6	0,7	38,0	0,0	1,9	1,0	5,9	0,6	79,1	0,0
Ddx55	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,2	1,3	2,5	7,7	3,0	3,7	11,9	11,7	10,4	4,9	53,3	2,2	5,8	5,1	7,4	7,3	85,2	2,4
Dgat2	1	2,9	4,6	11,4	4,3	5,7	9,8	58,2	42,6	148,8	52,2	56,2	128,5	139,5	29,3	44,1	24,5	38,0	26,0	88,3	38,6	60,9	21,4	54,8	38,6
Dnase2a	3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	9,9	6,3	10,0	9,7	9,7	11,2	47,5	85,4	38,9	37,2	129,4	7,4	34,6	69,0	32,7	50,8	152,1	4,0
Ecrg4	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,4	3,8	13,8	3,9	3,7	7,5	121,7	15,2	41,5	33,0	22,8	18,6	147,8	33,5	56,4	27,6	48,7	33,8
Fcgr2b	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	6,6	1,9	5,7	3,9	3,0	2,8	35,6	165,0	62,3	68,0	616,3	10,4	26,9	111,6	60,9	94,7	845,8	5,6
Fkbp11	4	0,0	1,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,4	6,0	2,5	5,8	6,0	3,7	14,8	15,2	18,2	9,8	60,9	3,7	7,7	12,2	14,8	15,2	133,9	1,6
Fn1	5	47,2	13,4	42,2	21,4	10,2	13,1	15,4	11,4	43,3	13,5	9,7	12,1	249,4	229,4	160,9	758,2	441,3	41,6	230,4	751,8	124,7	748,9	845,8	53,9
Fth1	4	418,6	126,1	368,6	380,9	149,8	185,3	248,1	57,8	168,9	235,7	139,3	135,0	285,0	250,4	516,5	91,2	662,0	48,2	307,1	220,2	359,2	111,1	1241,4	57,1
Gabarap	7	11,8	7,2	24,4	8,6	6,8	8,2	266,8	185,0	416,9	233,8	344,4	553,2	8,9	2,3	2,6	23,8	15,2	2,2	5,8	2,0	1,5	33,8	12,2	0,8
Glipr1	4	1,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,2	2,2	0,0	1,9	3,0	0,0	23,7	38,6	54,5	35,8	91,3	5,9	26,9	70,0	34,1	41,2	152,1	8,0
Gpc3	7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,2	1,9	2,5	3,9	2,2	4,7	20,8	3,5	10,4	22,4	15,2	4,5	7,7	4,1	1,5	64,8	12,2	0,8
Gpx7	6	0,0	4,1	4,9	0,0	3,4	1,6	0,0	1,9	2,5	0,0	3,0	1,9	29,7	12,9	15,6	22,4	22,8	4,5	26,9	22,3	11,9	32,1	24,3	4,8
Hba-a2	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	157,3	9,4	46,7	4,9	53,3	4,5	299,5	4,1	121,7	6,2	213,0	5,6
Hbb-bs	1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2167,1	151,0	628,1	63,1	890,2	54,2	2647,2	1313,6	102,6	3012,2	85,3	
Hp	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	88,9	6,3	35,8	27,1	9,7	13,0	32,7	73,7	88,2	3,5	182,6	5,2	30,7	82,2	118,7	2,3	328,6	10,5
Ifitm1	3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	1,3	1,3	15,5	8,2	1,9	86,1	117,0	96,0	49,1	159,8	15,6	65,3	160,3	106,9	76,1	158,2	16,9
Itgb2	4	57,5	6,2	6,5	34,2	5,7	6,6	31,8	7,3	6,9	27,1	11,2	6,5	3,0	14,0	15,6	3,5	53,3	3,7	7,7	9,1	11,9	6,2	133,9	3,2
Jun	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	175,7	100,1	168,3	193,2	199,9	181,6	454,2	244,6	293,3	577,2	722,9	119,5	547,1	326,7	194,4	708,8	906,7	100,6
Junb	4	5,9	0,5	3,2	6,4	1,1	0,0	37,3	8,8	17,6	44,4	22,5	20,5	17,8	11,7	38,9	4,2	38,0	2,2	13,4	6,1	20,8	3,9	97,4	1,6
Kdelr2	5	2,9	4,6	8,1	2,1	2,3	4,9	26,4	17,4	32,0	29,0	24,7	26,1	29,7	11,7	7,8	26,0	22,8	4,5	15,4	21,3	10,4	35,0	30,4	4,8
Kdelr3	6	17,7	26,3	26,0	15,0	26,1	14,8	1,1	3,5	5,0	0,0	3,7	4,7	38,6	15,2	10,4	47,7	22,8	6,7	36,5	34,5	8,9	62,0	24,3	5,6

Krt16	4	16,2	0,0	0,0	8,6	0,0	0,0	205,3	12,9	6,3	535,3	167,0	5,6	23,7	174,4	140,2	4,9	175,0	6,7	7,7	10,1	83,1	2,8	328,6	1,6
L1td1	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	17,8	14,0	36,3	1,4	68,5	1,5	7,7	2,0	14,8	1,7	109,5	0,0
Lce3b	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,9	5,2	0,0	3,0	32,8	54,5	14,7	121,7	0,7	1,9	18,3	19,3	13,5	261,7	0,8
Lcp1	4	104,7	10,3	14,6	49,2	11,3	8,2	65,9	14,2	20,7	67,6	37,4	19,6	23,7	30,4	41,5	9,1	137,0	5,2	19,2	15,2	28,2	10,7	267,7	4,8
Lgals1	5	168,0	120,5	167,3	89,9	162,3	86,9	150,4	170,8	188,4	88,9	178,2	159,3	98,0	50,3	36,3	133,3	144,6	20,0	69,1	88,3	29,7	191,2	176,5	28,2
Lum	7	1,5	13,4	19,5	2,1	11,3	6,6	16,5	28,7	45,2	13,5	24,7	23,3	365,1	296,1	116,8	1033,1	608,7	42,3	389,7	572,3	118,7	1220,3	785,0	82,9
Mfap2	6	0,0	13,9	26,0	4,3	10,2	11,5	6,6	24,9	26,4	1,9	24,7	37,3	29,7	8,2	10,4	44,9	15,2	5,2	26,9	42,6	10,4	71,6	18,3	6,4
Mgl2	3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	6,6	1,9	10,0	1,9	1,5	7,5	20,8	32,8	13,0	24,5	91,3	5,9	15,4	41,6	25,2	32,1	97,4	5,6
Mrpl32	5	36,8	17,5	47,1	27,8	19,3	21,3	46,1	37,9	72,8	56,0	73,4	85,7	44,5	10,5	15,6	58,2	45,7	8,2	32,6	10,1	16,3	85,1	60,9	4,8
Mrpl42	7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	6,6	4,1	8,2	5,8	6,0	5,6	8,9	2,3	0,0	22,4	7,6	1,5	5,8	1,0	1,5	31,0	12,2	1,6
Mt1	2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	149,3	27,8	50,9	260,9	50,2	62,4	26,7	37,5	181,7	17,5	98,9	5,2	11,5	41,6	112,8	26,5	127,8	2,4
Nckap1l	4	14,7	4,1	8,1	17,1	5,7	6,6	5,5	1,9	3,1	5,8	3,7	1,9	11,9	23,4	15,6	8,4	45,7	3,0	11,5	23,3	14,8	11,3	66,9	2,4
Ndrp2	1	4,4	6,2	24,4	2,1	2,3	8,2	19,8	5,7	22,0	5,8	6,7	14,9	50,5	8,2	18,2	9,8	15,2	9,6	86,4	26,4	41,6	12,4	24,3	19,3
Nme4	5	29,5	20,6	35,7	19,3	28,4	18,0	13,2	8,5	6,3	9,7	17,2	9,3	26,7	16,4	2,6	26,7	60,9	5,9	19,2	28,4	10,4	54,7	73,0	6,4
Ppp4c	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	15,4	13,9	18,8	29,0	28,5	23,3	38,6	24,6	23,4	42,8	60,9	11,9	28,8	28,4	16,3	66,5	54,8	6,4
Pstpip1	4	50,1	5,7	17,9	38,5	4,5	6,6	8,8	1,9	3,8	7,7	4,5	5,6	20,8	28,1	46,7	4,9	106,5	7,4	15,4	16,2	37,1	8,5	170,4	6,4
Ptpre	4	8,8	1,0	3,2	4,3	0,0	0,0	4,4	1,3	2,5	1,9	3,0	2,8	8,9	14,0	18,2	2,8	45,7	1,5	5,8	4,1	11,9	2,3	97,4	1,6
Rcn3	7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	18,7	20,8	40,8	11,6	20,2	47,5	8,9	7,0	5,2	21,0	15,2	3,0	9,6	14,2	4,5	30,5	18,3	3,2
Rgs2	4	151,8	29,9	103,9	143,4	30,6	41,0	20,9	5,4	20,7	34,8	15,7	13,0	14,8	18,7	26,0	4,2	53,3	3,7	23,0	11,2	14,8	6,8	133,9	4,8
Rpl4	3	1885,2	1044,6	2884,0	2200,0	1422,1	1819,8	1107,8	568,5	1222,4	1621,2	1196,6	1719,2	1588,2	923,4	988,9	752,6	1575,1	233,8	1222,8	1215,5	871,3	790,0	1643,0	148,0
Rps2	0	458,4	256,9	524,5	468,7	348,4	308,2	98,8	59,0	90,4	115,9	122,1	150,9	472,0	237,6	210,2	155,7	258,7	41,6	418,5	360,2	274,6	203,6	267,7	30,6
Rpsa	0	538,0	323,3	527,8	502,9	471,0	434,5	27,4	14,8	131,8	30,9	28,5	197,4	834,2	423,7	368,6	199,9	403,3	64,6	842,7	588,5	331,0	218,8	371,2	54,7
S100a8	4	53,1	0,5	17,9	77,0	4,5	6,6	252,5	3,2	20,1	400,0	253,8	1,9	198,9	735,0	1077,2	149,4	2290,3	52,0	76,8	192,8	632,3	128,6	3882,3	23,3
Sat1	4	431,9	101,4	240,3	438,7	169,1	103,3	138,3	101,6	406,2	287,9	255,3	520,6	26,7	18,7	46,7	9,1	60,9	5,2	25,0	14,2	26,7	14,1	164,3	4,8
Serpinb6a	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	60,4	24,9	60,9	52,2	47,2	49,4	50,5	78,4	88,2	21,0	190,2	15,6	34,6	62,9	86,1	20,9	346,9	10,5
Slc2a3	4	7,4	0,0	0,0	4,3	0,0	0,0	8,8	0,0	0,0	13,5	1,5	0,0	0,0	9,4	18,2	0,7	38,0	0,0	1,9	2,0	10,4	0,6	127,8	0,8
Slfn4	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	8,9	48,0	192,1	7,7	312,0	2,2	9,6	16,2	102,4	13,0	949,3	3,2
Slpi	4	100,2	9,8	13,0	51,4	11,3	11,5	46,1	1,9	1,9	77,3	30,7	1,9	26,7	169,7	308,9	58,2	532,6	3,7	19,2	46,7	190,0	66,5	1162,3	7,2
Sprr1b	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38,4	11,7	12,6	119,8	139,3	5,6	38,6	85,4	186,9	58,9	182,6	14,8	15,4	33,5	87,6	49,6	419,9	8,8

<i>Spr2j-ps</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	5,9	16,4	33,7	2,1	91,3	2,2	0,0	3,0	8,9	0,6	158,2	0,8
<i>Srgn</i>	4	56,0	2,1	4,9	47,1	2,3	3,3	62,6	3,5	7,5	81,2	30,7	3,7	8,9	65,5	93,4	9,1	243,5	3,0	9,6	12,2	66,8	12,4	572,0	4,0
<i>Stfa1</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	41,7	6,0	6,3	56,0	55,4	2,8	5,9	70,2	23,4	14,0	190,2	2,2	3,8	17,2	17,8	11,3	462,5	2,4
<i>Stfa3</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	11,0	5,7	1,3	17,4	21,0	1,9	35,6	230,6	327,0	73,6	593,5	7,4	15,4	54,8	212,3	58,6	1296,1	7,2
<i>Taldo1</i>	4	8,8	6,2	27,6	10,7	3,4	8,2	22,0	6,0	15,7	23,2	11,2	16,8	14,8	23,4	51,9	6,3	68,5	3,7	11,5	11,2	35,6	7,9	170,4	3,2
<i>Tcfl5</i>	5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,5	2,5	0,0	3,7	2,8	62,3	48,0	15,6	62,4	83,7	17,8	30,7	44,6	11,9	92,5	54,8	9,7
<i>Timp1</i>	2	60,4	5,7	8,1	44,9	6,8	1,6	35,1	5,4	3,1	54,1	10,5	1,9	32,7	59,7	244,0	21,7	289,1	5,2	19,2	60,9	209,3	25,4	310,3	6,4
<i>Twist2</i>	7	2,9	2,6	4,9	4,3	2,3	1,6	7,7	4,1	5,7	7,7	4,5	5,6	26,7	4,7	5,2	30,9	30,4	5,9	13,4	10,1	5,9	64,8	18,3	5,6
<i>Xdh</i>	4	7,4	1,0	1,6	4,3	0,0	0,0	5,5	1,3	3,1	5,8	3,7	1,9	26,7	28,1	59,7	8,4	60,9	3,0	34,6	34,5	47,5	13,5	103,4	3,2
<i>Zfp330</i>	4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	3,3	1,6	6,9	3,9	3,0	10,2	3,0	5,9	13,0	2,1	22,8	0,0	0,0	1,0	4,5	2,8	48,7	0,0

Table S5. Significant genes from differential gene expression analysis of matrisome genes in all timepoints in *Acomys* (Related to figure S6b)

Gene s	log2Fold Change- 1hpi	pa dj- 1h pi	Mea n valu e dist al- 1hpi	Mea n valu e prox imal- 1hpi	log2Fold Change- 1dpi	pa dj- 1d pi	Mea n valu e dist al- 1d pi	Mea n valu e prox imal- 1dpi	log2Fold Change- 5dpi	pa dj- 5d pi	Mea n valu e dist al- 5dpi	Mea n valu e prox imal- 5dpi	log2Fold Change- 10dpi	pa dj- 10 d pi	Mea n valu e dist al- 10d pi	Mea n valu e prox imal- 10dpi	log2Fold Change- 55dpi	pa dj- 55 d pi	Mea n valu e dist al- 55d pi	Mea n valu e prox imal- 55dpi	Matrix- des	mat rix- nu mb er
S100 a4	-0,6	0	481 99,7	810, 6	-0,1	0, 8	32 70, 7	9387 ,2	-0,1	0, 8	789 5,3	7325 ,6	-0,6	0	135 45, 9	8277 ,9	-0,1	0, 8	793 1,5	6318 ,3	secret ed- factor s	2
Igfbp 2	-0,8	0	462 28,4	652, 2	-0,1	0, 7	98 1,2	2325 ,3	-1	0	147 5,4	680, 7	-0,3	0	369 0,4	2668 ,8	0,4	0, 4	209 2,6	2430 ,5	ECM- glyco	4
Thbs 4	1,1	0	149 0,5	88,4	0,8	0, 1	55, 6	300, 2	0,2	0, 8	90, 8	106, 4	1,5	0	65, 6	197	0	1	119 ,8	117, 8	ECM- glyco	4
Post n	-0,5	0	211 30,9	388, 9	0,1	0, 7	27 2,6	868, 6	-0,7	0, 1	541	302	0,8	0	967	1655 ,6	-0,2	0, 4	327 0,5	2940 ,1	ECM- glyco	4
Coch	-1,4	0	211 5,5	23,9	-0,2	0, 8	95, 4	273, 1	-0,4	0, 8	124 ,8	106, 4	-0,1	0, 8	458 ,9	393, 9	0,5	0, 5	75, 9	101, 3	ECM- glyco	4
S100 a16	-0,7	0	485 6	72,7	-0,1	0, 9	22 3,7	612, 7	-0,2	0, 8	230 ,8	193, 6	-0,4	0, 1	704 ,7	489, 8	0,3	0, 3	452 ,3	521, 8	secret ed- factor s	2
Ctsl	-0,7	0	757 2,5	135, 3	-0,1	0, 7	36 0	944, 9	0,1	0, 8	907 ,9	993, 3	-0,6	0	156 7,9	1032 ,7	-0,3	0, 3	107 8,3	879, 5	ECM- reg	1
Col6 a2	-0,6	0	166 11,5	268, 8	-0,1	0, 8	18 8,5	497	-0,2	0, 7	786 ,9	597, 7	0,5	0, 1	137 6,7	2296 ,2	0,2	0, 7	752 1,4	7956 ,2	Colleg an	3
Col6 a1	-0,7	0	389 4,4	56,6	-0,2	0, 8	62, 5	164, 9	-0,9	0, 3	132 ,4	74,4	0,7	0	237 ,6	401	0	1	146 1,4	1429 ,9	Colleg an	3
Gpc3	-1	0	187 5,1	23,5	-1,1	0, 2	39, 7	56,6	-0,6		71, 9	48,9	-0,4	0, 5	101 ,1	78,1	1,1	0	541 ,7	1265 ,9	ECM- affli	5
Serpi nb1a	-1	0	189 9,1	23,9	0,7		22, 7	123	0,1	0, 9	155 ,1	161, 7	-0,6	0, 1	180 ,3	117, 1	-0,5	0, 3	128 ,3	88,1	ECM- reg	1
Mfap 4	0,7	0	531 2,8	210, 8	0,7	0, 1	75	346, 9	-0,3		68, 1	61,7	0,7	0, 1	136 ,6	230, 7	0,1	0, 9	398 ,3	453, 5	ECM- glyco	4
Lgal s7	-0,4	0	621 90,8	1111 ,1	0,6	0	19 54, 5	8019 ,1	-0,2	0, 7	454 3,5	3935	-0,2	0, 2	745 4,5	6267 ,4	0,1	0, 9	774 7,5	7159 ,3	ECM- affli	5
Sdc1	-0,6	0	632 2,5	102, 6	-0,3	0, 2	30 7,8	740, 6	-0,1	0, 9	363 ,2	342, 5	-0,7	0	111 9,9	690, 3	-0,1	0, 7	950 ,1	836, 6	ECM- affli	5
Ccl8	-0,7	0, 2	228 3,8	29,9	1,1	0	14 8,8	895, 7	0	0, 9	133 1,7	1323	-0,7	0	183 2,9	1068 ,2	0	1	830 ,3	773, 8	secret ed- factor s	2

Podn	0,1	0,9	567,3,4	189,6	1,2	0	13,4	905,5	0,5	0,5	230,8	240,4	0,7	0	475,3	727,5	0	1	595,7	537,2	protoglycans	6
C1qc	-0,2	0,5	106,97,7	237,5	0,9	0	168,1	750,5	-0,2	0,6	129,3,8	1021	-0,1	0,7	293,1	3245,5	-0,1	0,8	195,9,2	1689,7	ECM-affli	5
Ccl6	-0,3	0,3	208,42,5	413,3	-1	0	1907,9	3218,5	0,5	0,2	593,1,9	7500	-1	0	608,0,5	3579,1	0,5	0	315,7,4	3952,8	secreted-factors	2
Angptl7	0,2	0,4	149,28,7	462,1	0,7	0	165,8	743,1	-0,7	0,3	117,3	65,9	0,7	0	314,1	539,4	-0,9	0	315,6	155,2	secreted-factors	2
Tnc	-0,3		96,2	4,6	-1,7	0	52,2	51,7	-1,2		56,7	25,5	1	0,1	98,3	214,7	-0,6	0,3	680,1	424,9	ECM-glyco	4
Mfap5	0,1	0,9	290,16	731,9	0,7	0	740,5	2871,5	-0,6	0,1	783,1	442,4	1	0	128,9,3	2613,8	-0,3	0,2	276,2,5	2028,7	ECM-glyco	4
Efemp1	-0,3	0,3	475,9,9	96,7	1	0	84	477,4	-0,5	0,2	628	429,7	0,1	0,7	106,8	1125	0,2	0,8	460,7	524	ECM-glyco	4
Ctsk	-0,1	0,9	217,56	519,2	0,7	0	1028,9	4079,7	-0,2	0,3	713,4,9	5653,7	-0,5	0	850,0,7	6336,6	-0,1	0,7	962,2,4	8161	ECM-reg	1
S100a8	-1,3	0	162,02,8	180	-0,6	0	4717,6	1047,7,3	0,3	0,3	11406,1	1356,2,1	-2,6	0	171,65,2	3362,6	-0,3	0,6	358,6	2509,7	secreted-factor	2
Lum	0,1	0,9	296,17	933,5	0,6	0	516,7	1983,3	0,2	0,6	304,1,6	2765,2	0,5	0	690,0	1000,2,7	0,2	0,6	248,52,5	2382,9	protoglycans	6
Vwa5a	0,1	0,9	154,33,5	441,9	0,7	0	496,3	2000,5	-0,2	0,5	201,6,4	1410,2	0,4	0	340,0,8	4319,1	0,2	0,6	374,1,3	4030,9	ECM-glyco	4
Pcolce	0,1	0,8	127,17	336,5	0,6	0	316,9	1380,4	-0,3	0,6	522,1	370,1	0,7	0	106,5,3	1767,4	0	1	192,2,1	1766,7	ECM-glyco	4
Stfa3	-0,9	0,1	281,2,7	42,8	-0,3	0,5	1429,8	3516,2	0,7	0	293,1,9	4554	-2,4	0	538,3,9	952,9	-0,5	0,5	177,0,2	1145,9	ECM-reg	1
Wif1	-0,3	0,2	166,35,5	359	-0,3	0,4	232,8	519,2	-1,2	0	541	206,3	-0,4	0,1	109,2,6	810,9	-0,5	0,1	599,1	418,3	secreted-factor	2
Fn1	0,1	0,9	201,93,4	554,6	0	1	697,3	2071,8	0,6	0	220,5,6	2943,8	1,2	0	537,3	1314,5,3	-0,1	0,8	182,44	1461,6,9	ECM-glyco	4
Cst3	0	0,9	688,01,8	1594,4	0,4	0,1	1483,2	4972,9	-0,6	0	437,3,3	2680,1	0,2	0,3	538,3,9	6084,6	-0,3	0	670,4,6	5191,1	ECM-reg	1
Stfa1	-0,2		649,1	12,4	0,1	0,9	90,9	310	0,9	0	923,1	1625,1	-2,1	0	167,1,7	305,2	-0,3	0,8	337,5	226,8	ECM-reg	1
Col12a1	-0,2	0,8	420,7	97,6	-0,4	0,4	84	184,5	-1,1	0	314	140,4	0,3	0,3	341,4	450,7	0,3	0,7	108,6,8	1218,5	Collegan	3

Vit	-0,3	0,4	466,3,7	95,7	-0,2	0,8	87,4	196,8	-1,3	0	192,9	74,4	0,4	0,3	153	220	-0,4	0,6	124,9	85,9	ECM-glyco	4
S100a9	-1,3	0,4	408,7	6,4	-0,6	0,2	571,2	1213,1	0,6	0,1	1335,4	2069,6	-3,6	0	2401,1	241,3	-0,6	0,6	303,8	194,8	secreted-factor s	2
Srgn	-0,1	0,9	961,6	23,5	-0,1	0,8	414,5	1099,9	0,8	0,1	1191,7	1988,8	-3	0	1540,6	227,1	0,1	0,9	226,1	240	protoglycans	6
Cstb	-0,4	0,1	966,4	185,5	0,2	0,5	274,8	878,4	0	1	1029	993,3	-0,9	0	2354,6	1307,8	-0,1	0,8	1530,6	1366	ECM-reg	1
Sparc	0	0,9	105390,3	2661,8	0,3	0,1	2306,5	7357,2	-0,4	0,1	2345,5	1569,8	0,7	0	4755,7	7834,3	-0,1	0,9	10736,2	9460,9	ECM-glyco	4
Col3a1	-0,2	0,6	186500,4	4742,8	0,5	0,1	2840,3	9625,9	0	1	5232	4520	0,8	0	11841,4	22764,6	0,1	0,7	39706,2	40420,6	Collegan	3
Col1a2	0,1	0,9	38054,9	964,8	0,1	0,7	600,8	1924,2	-0,4	0,5	559,9	482,8	1	0	1543,3	3359,1	-0,3	0,2	9038,5	6938	Collegan	3
Anxa1	-0,5	0,1	8822,6	180,9	-0,3	0,5	758,6	1806,1	0,1	0,8	609,1	629,6	-1,1	0	1510,6	676,1	0	1	931,5	997,3	ECM-affli	5
Mfap2	0,2	0,9	2476,1	68,6	0,4	0,5	50	189,5	-0,3		56,7	51	1,5	0	199,4	734,6	0,4	0,1	1076,7	1399,1	ECM-glyco	4
Serpfnf1	0,1	0,9	16899,9	365,9	0,2	0,6	377	1028,5	-0,3	0,4	802	555,2	0,7	0	980,6	1652	0,2	0,4	1709,5	1709,5	ECM-reg	1
Mmp3	-1,1		168,3	2,8	-1	0,1	343	506,9	-0,1	0,9	90,8	85,1	-2	0	295	65,7	0		13,5	15,4	ECM-reg	1
Lamb3	-0,6	0,4	841,4	14,3	-0,4		36,3	96	0,2		49,2	63,8	-1,7	0	349,6	111,8	0,3	0,8	79,3	92,5	ECM-glyco	4
Rptn	-1		168,3	2,3	-0,2		10,2	27,1	0,8	0,2	105,9	185,1	-2	0	297,7	83,4	-0,5	0,7	151,9	105,7	secreted-factor s	2
Ctsb	-0,1	0,9	5889,7	145,9	0,5	0,2	392,9	1545,3	0	1	836,1	878,5	-0,5	0	2130,6	1424,9	0	1	1046,3	958,8	ECM-reg	1
Cxcl5	-0,7		24	1,4	-0,9	0,4	46,6	91	0,5		56,7	95,7	-1,9	0	101,1	24,8	-0,9		18,6	6,6	secreted-factor s	2
Ctse	-0,4		96,2	4,1	-0,7		42	81,2	1,2	0,1	94,6	210,6	-2	0	150,2	44,4	0,6	0,7	11,8	23,1	ECM-reg	1
Htra1	0,1	0,9	11226,6	283,5	0,3	0,4	279,4	959,6	-0,2	0,8	465,3	425,4	0,6	0	1322,1	1884,5	0,3	0,6	1579,5	1894,4	ECM-reg	1
Spon2	-0,8	0,2	1105,8	16,1	0		20,4	59,1	-1,3		34	10,6	-1,3	0	232,2	90,5	0,5	0,7	50,6	68,2	ECM-glyco	4
Adams2	0	1	5889,7	144,5	-0,1	0,9	140,8	388,8	-0,6	0,4	238,3	146,8	0,6	0	519	782,5	-0,3	0,4	1301,1	980,8	ECM-reg	1

S100a6	-0,2	0,4	824,32,3	1653,3	0	0,9	2417,8	6700,2	-0,4	0,1	11213,1	8414,6	-0,4	0	11696,6	8622,1	-0,1	0,8	5562,1	4679,3	secreted-factors	2
Aebp1	-0,3	0,4	8149,5	151,4	0	0,9	181,7	514,3	-0,2	0,8	325,3	289,3	0,6	0	590	878,4	-0,1	0,8	1161	1019,3	ECM-glyco	4
Lama3	-0,9		240,4	4,1	-0,2		12,5	39,4	-0,4		53	42,5	-1,5	0	166,6	72,8	-0,3	0,9	57,4	48,4	ECM-glyco	4
Tgfb3	-0,2	0,9	5673,4	152,4	0	0,9	215,8	595,5	0,2	0,8	200,5	195,7	0,7	0	819,5	1339,7	0	1	1483,4	1382,5	secreted-factors	2
Col1a1	0,2	0,8	28415	617,2	0,3	0,5	433,8	1496,1	0,3	0,6	484,2	295,7	0,8	0	1092,6	1937,7	-0,1	0,9	4738,6	3897,8	Collegan	3
Cthrc1					-0,7		2,3	0	-0,4		3,8	10,6	1,7	0	21,9	115,3	-0,1	1	222,8	188,2	ECM-glyco	4
Tgfb2	-0,9		216,4	3,2	-0,9	0,5	20,4	36,9	-0,3	0,8	71,9	61,7	-2,4	0	65,6	8,9	0,3	0,9	15,2	18,7	secreted-factors	2
Emilin1	-0,3	0,8	1394,3	27,2	0,3		25	86,1	-0,1	0,9	264,8	229,7	0,9	0	327,8	684,9	-0,1	1	747,6	666	ECM-glyco	4
Scube2	-0,8		48,1	0,9	-0,3		3,4	12,3	-0,1		7,6	17	1,7	0	30	124,2	-1	0	286,9	126,6	secreted-factors	2
Reln	-0,1	0,9	336,6	9,2	-0,6		28,4	59,1	-0,4		34	34	-2,4	0	73,8	16	-0,8	0,5	42,2	23,1	ECM-glyco	4
Fbln2	-0,3	0,8	1129,9	23,9	-0,3	0,8	27,3	66,4	-0,1		34	42,5	1,1	0	114,7	267,9	-0,6	0,2	435,4	287,3	ECM-glyco	4
Adam8	-0,7		192,3	3,7	-0,4		43,2	108,3	1	0,2	60,5	119,1	-1,6	0	81,9	26,6	-0,4		11,8	11	ECM-reg	1
Lgals1	-0,2	0,6	7933,1	166,2	0,2	0,5	148,8	514,3	-0,1	0,9	703,7	636	0,5	0	1158,2	1542	0,4	0,1	3213,1	3739,2	ECM-affli	5
Col19a1	-1,1		120,2	1,4	-1,2	0,2	31,8	49,2	0,3		41,6	61,7	-2,7	0	60,1	3,5	-0,2		5,1	6,6	Collegan	3
Igfbp7	0	1	14471,9	363,2	0,3	0,3	260,1	890,7	0	1	454	389,3	0,5	0	797,6	1162,3	0,2	0,8	2727,1	3018,3	ECM-glyco	4
Fbn2	-0,8		120,2	3,2	-1,3		26,1	29,5	-0,3	0,8	75,7	53,2	-2,3	0	62,8	10,6	0,2	0,9	11,8	18,7	ECM-glyco	4
Clec3b	0,1	0,9	1346,2	34,5	1,3		20,4	147,6	-0,3		34	36,2	1,1	0	101,1	230,7	0,5	0,2	162	241,1	ECM-affli	5
Ctss	-0,6	0,4	1298,1	22,1	0,3	0,7	79,5	283	-0,1	0,9	314	291,4	-0,7	0	437,1	273,3	-0,1	1	212,6	210,2	ECM-reg	1
Ctsf	-0,1	0,9	2355,9	53,9	0,6	0,3	47,7	184,5	-0,8	0,3	147,5	83	0,7	0	213,1	338,9	0,1	1	185,6	193,7	ECM-reg	1
Anxa7	0	1	2644,4	72,7	0,1	0,9	88,6	292,8	-0,2	0,8	185,4	153,1	-0,6	0	434,3	296,3	0	1	258,2	243,3	ECM-affli	5

Hmc n1	0		168, 3	6,9	-0,4	0, 7	32, 9	76,3	0		60, 5	72,3	-1,6	0	76, 5	30,2	0,8	0, 2	81	134, 3	ECM- glyco	4
Plxd c2	-0,7	0, 1	608 2,1	126, 6	0,2	0, 6	14 6,5	543, 8	-0,9	0, 2	306 ,4	182, 9	-0,7	0	611 ,9	392, 2	-0,5	0, 3	356 ,1	245, 5	ECM- affli	5
C1qb	0,1		432, 7	13,3	0,7		20, 4	93,5	-0,1	0, 9	132 ,4	117	0,7	0	207 ,6	335, 4	0	1	65, 8	60,5	ECM- affli	5
Mmp 9	-0,6		96,2	3,7	-0,3		25	61,5	0,2	0, 9	68, 1	83	-1,2	0	207 ,6	106, 5	-0,9	0, 5	54	23,1	ECM- reg	1
Loxl 1	-0,3	0, 3	176 21,1	369, 1	0,5	0, 1	46 7,9	1990 ,6	-0,6	0, 2	995	672, 1	0,4	0	169 0,8	2138 ,2	0,3	0, 2	305 9,5	3436 ,5	ECM- reg	1
Col5 a1	-0,2	0, 9	937, 6	20,3	-0,3		11, 4	32	-0,1		26, 5	34	1,2	0	101 ,1	299, 9	-0,2	0, 6	411 ,8	351, 1	Colleg an	3
Vtn	-0,6		336, 6	6,4	-0,1		32, 9	88,6	0,2	0, 8	132 ,4	140, 4	-1,3	0	114 ,7	53,2	1,3	0, 2	10, 1	35,2	ECM- glyco	4
Ctsz	-0,3	0, 4	519 2,6	95,3	0,4	0, 1	19 9,9	762, 8	0	1	179 3,2	1705 ,9	-0,5	0	259 2,3	1671 ,5	0,1	0, 9	923 ,1	874	ECM- reg	1
Serpi nh1	-0,3	0, 7	245 2,1	46,5	0,6	0, 2	51, 1	221, 5	0,5	0, 6	124 ,8	178, 7	0,7	0	303 ,2	580, 3	0	1	838 ,7	853, 1	ECM- reg	1
Mmp 10	-0,5		168, 3	4,6	-0,7		15, 9	32	0,2		56, 7	76,6	-2,3	0	57, 4	7,1	0		5,1	9,9	ECM- reg	1
Col2 8a1	-1,6		168, 3	0	-0,9		10, 2	12,3	-0,3		41, 6	38,3	-2	0	43, 7	5,3	-0,1		5,1	7,7	Colleg an	3
Col8 a1	0,1	0, 9	536 0,9	142, 2	-0,6		63, 6	128	-0,6		56, 7	36,2	-1,1	0	106 ,5	53,2	-0,2	0, 9	42, 2	31,9	Colleg an	3
Dcn	0,1	0, 9	212 75,2	572, 6	0,3	0, 2	34 1,8	1203 ,2	-0,3	0, 5	100 6,3	744, 5	0,4	0	104 3,5	1362 ,8	0,2	0, 7	293 3	3496	protog lycans	6
S100 a1	0,3	0, 9	100 9,7	46,5	0,3		12, 5	66,4	-0,9		3,8	2,1	1,2	0	204 ,9	528, 8	-0,6	0, 9	367 ,9	213, 5	secret ed- factor s	2
Nid2	-0,3	0, 5	387 0,4	83,3	-0,1	0, 9	78, 4	211, 6	-0,1	0, 9	298 ,9	229, 7	-0,1	0, 8	609 ,1	590, 9	1,2	0	480 ,9	999, 5	ECM- glyco	4
Sfrp 2	-0,8		24	0,9	-0,6		2,3	2,5	-0,9		3,8	2,1	0,4	0, 6	32, 8	65,7	-1,9	0	69, 2	14,3	secret ed- factor s	2
Ada mtsl 4	-0,2	0, 9	132 2,2	29,5	0,2	0, 9	34, 1	115, 6	-0,8		98, 4	57,4	-0,4	0, 5	106 ,5	86,9	0,9	0	116 ,4	217, 9	ECM- reg	1
Vcan	-0,4	0, 8	577	11,5	-0,9		40, 9	68,9	-0,1	0, 9	113 ,5	108, 5	-0,5	0, 4	73, 8	56,8	1,1	0	101 ,3	223, 5	protog lycans	6
Tgfb1	-0,5	0, 1	610 6,1	113, 7	0,4	0, 2	14 3,1	529	-0,5	0, 3	673 ,4	521, 1	-0,3	0, 1	114 7,3	924, 5	-0,4	0	121 5	823, 4	ECM- glyco	4
Serpi nb12	-0,6	0, 4	100 9,7	15,2	-0,1		14, 8	46,8	-1,4		37, 8	8,5	-0,2	0, 8	68, 3	67,4	-1	0	133 ,3	69,3	ECM- reg	1

Table S6. Top 500 differentially expressed genes between proximal/distal areas within the context of wounding for all species against the corresponding uninjured control tissue at 1 and 10 dpi for *Acomys*, *M. unguiculatus* and *M. musculus* (Related to figure 6b and S8f)

	s o m	h c l	bas eMe an	log 2 Fol d Ch an ge	l f c S E	st at	pv alu e	p a dj	dis tac 1	dist ac1 0	dist acn p	dis tgb 1	dist gb1 0	dist gbn p	dist mm 1	dist mm 10	dist mm np	pro xac 1	pro xac 10	pro xac np	pro xgb 1	pro xgb 10	pro xgb np	pro xm 1	prox mm 10	prox mm np
Ctnna1	1 5	1 1	64,0	3,9	0, 2	1 6, 2	0,0	0, 0	19, 6	12, 0	7,4	59 9,2	275 ,8	398, 4	168 ,1	131, 0	271, 0	18, 6	14,9	6,8	602 ,9	253, 3	823, 3	180, 1	94,7	237, 3
Tmsb4x	2 4	0	123, 4	4,6	0, 2	2 3, 7	0,0	0, 0	52, 1	25, 4	24, 1	62 0,6	396 ,1	427, 9	832 ,8	575, 8	570, 0	33, 1	25,7	24,4	619 ,1	352, 1	961, 3	839, 9	355, 1	749, 0
Sidt2	5	1 1	9,7	4,7	0, 6	8, 3	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	72, 8	78, 3	63,9	13, 5	19,5	28,9	0,0	0,0	0,0	97, 3	43,2	71,5	19,8	9,8	25,1
Tapbp	2 6	1 1	11,0	4,9	0, 5	9, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	96, 3	47, 7	77,1	21, 3	19,5	33,5	0,0	0,0	0,0	97, 3	49,4	224, 1	22,0	13,3	33,3
Hsdl2	1 6	1 1	17,5	4,9	0, 5	9, 5	0,0	0, 0	0,0	1,5	1,9	14 7,7	101 ,0	109, 8	42, 5	41,9	32,6	0,0	0,0	1,0	188 ,7	83,9	227, 3	43,9	28,7	27,6
Ywhab	2 4	0	57,2	5,4	0, 3	1 7, 7	0,0	0, 0	13, 0	10, 5	2,8	20 9,7	246 ,3	221, 3	340 ,1	224, 6	357, 6	8,3	9,5	2,9	257 ,9	244, 0	547, 2	285, 5	146, 5	394, 3
Ptbp1	1 5	1 1	10,0	5,5	0, 6	9, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	92, 0	44, 3	41,0	25, 1	40,4	51,2	0,0	0,0	0,0	117 ,9	36,0	110, 4	22,0	24,6	38,9
Acvr2a	2 6	1 1	12,5	5,7	0, 5	1 0, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	66, 3	65, 8	82,0	42, 5	49,4	59,6	0,0	0,0	0,0	63, 4	68,5	183, 5	34,0	24,3	45,8
Ccnk	1 5	1 1	10,7	5,8	0, 5	1 1, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	79, 2	37, 5	45,9	36, 7	33,7	63,3	0,0	0,0	0,0	116 ,4	35,5	134, 8	43,9	21,1	56,5
Atp6v1b2	1 5	1 1	11,8	5,9	0, 5	1 1, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	10 0,6	46, 5	52,5	44, 4	47,2	59,6	0,0	0,0	0,0	145 ,9	36,6	123, 4	40,6	22,4	50,2
Prelp	5	1 1	22,2	5,9	0, 6	1 0, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	17 9,8	113 ,5	124, 6	30, 9	21,7	105, 2	0,0	0,0	0,0	213 ,7	116, 4	201, 4	39,5	19,3	137, 5
Mat2a	1 5	1 1	16,1	6,0	0, 5	1 1, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	16 2,6	55, 6	80,3	67, 6	34,4	82,9	0,0	0,0	0,0	172 ,5	55,1	217, 6	45,0	18,3	72,8
Atf2	1 5	1 1	18,2	6,1	0, 5	1 1, 7	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	12 2,0	69, 2	113, 1	44, 4	43,4	94,1	0,0	0,0	0,0	175 ,4	84,9	261, 4	45,0	24,9	95,4
Cdc42	3 4	0	16,6	6,2	0, 5	1 2, 7	0,0	0, 0	0,0	1,5	0,9	66, 3	38, 6	39,3	131 ,4	124, 3	98,7	2,1	2,7	1,0	84, 0	34,5	95,8	124, 1	82,1	103, 6

Abcd3	2 5	1 1	14,4	6,3	0, 5	1 2, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	64, 2	61, 3	85,3	56, 0	64,4	101, 5	0,0	0,0	0,0	81, 1	71,6	204, 6	49,4	38,8	66,6
Ogdh	2 4	0	11,1	6,3	0, 5	1 2, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	49, 2	35, 2	37,7	59, 9	44,2	68,0	0,0	0,0	0,0	60, 4	34,5	126, 7	93,3	32,8	97,9
Srsf11	1 5	1 1	22,4	6,4	0, 5	1 2, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	15 1,9	96, 5	131, 2	65, 7	53,2	136, 0	0,0	1,4	0,0	206 ,4	97,8	298, 8	57,1	35,4	116, 1
Foxo3	2 5	1 1	13,4	6,5	0, 5	1 2, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	70, 6	47, 7	59,0	54, 1	62,2	91,3	0,0	0,0	0,0	78, 1	51,0	151, 0	65,9	47,7	87,9
Lce1h	3 0	1	6,4	6,4	0, 5	1 2, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	48, 3	92,9	100, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	37,3	55,2	77,2
Cpa4	3 0	1	7,9	6,7	0, 5	1 2, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	2,1	4,5	4,9	69, 6	118, 3	107, 1	0,0	0,0	0,0	2,9	3,1	6,5	42,8	73,9	82,2
Lce1g	3 0	1	4,2	5,8	0, 6	1 0, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36, 7	55,4	71,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	30,3	47,1
Oas1f	3 0	1	3,9	5,8	0, 6	1 0, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30, 9	61,4	74,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	27,4	28,1	55,2
Pkp1	3 1	1	11,0	7,2	0, 5	1 3, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	112 ,1	140, 8	204, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	72,5	78,3	152, 6
Tspan9	3 1	1	6,8	6,6	0, 5	1 2, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	79, 2	83,1	120, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	59,3	44,5	83,5
Cited4	3 1	1	5,6	6,3	0, 6	1 1, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	61, 8	69,6	92,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42,8	46,1	70,9
Them5	3 1	1	5,4	6,2	0, 5	1 1, 7	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44, 4	61,4	107, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,1	47,7	67,2
Slurp2	3 1	1	7,3	4,8	0, 5	1 0, 3	0,0	0, 0	3,3	3,0	3,7	0,0	0,0	0,0	94, 7	79,4	129, 5	4,1	1,4	2,0	0,0	0,0	0,0	49,4	59,7	69,1
Orm1	3 1	1	4,1	5,9	0, 5	1 1, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46, 4	44,2	76,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	27,5	54,0
Tusc1	3 1	1	8,0	3,3	0, 3	1 2, 4	0,0	0, 0	9,8	12, 0	6,5	0,0	0,0	0,0	79, 2	95,1	117, 3	8,3	12,2	4,9	0,0	0,0	0,0	60,4	42,9	91,7
Klk5	3 1	1	30,4	4,8	0, 2	1 9, 3	0,0	0, 0	16, 3	7,5	12, 0	10, 7	37, 5	19,7	276 ,3	364, 7	437, 7	10, 4	14,9	7,8	14, 7	14,9	27,6	210, 8	199, 2	327, 7

Krt14	4 0	1	29,1	4,1	0,2	1 8, 9	0,0	0,0	19,6	41,9	13,0	0,0	0,0	0,0	326,6	405,1	468,4	18,6	18,9	7,8	0,0	0,0	0,0	237,2	155,6	307,0
Calm4	4 0	1	32,5	3,4	0,2	1 4, 6	0,0	0,0	32,6	28,4	41,7	0,0	0,0	0,0	318,8	484,5	407,9	26,9	33,8	24,4	0,0	0,0	0,0	221,8	194,4	273,1
Defb6	4 0	1	4,7	5,8	0,5	1 1, 1	0,0	0,0	3,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46,4	77,1	82,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	39,5	21,5	45,8
Cwh43	4 0	1	3,9	5,7	0,5	1 0, 8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50,2	63,6	78,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	26,4	15,5	38,9
Lgals9	4 1	1	4,8	6,1	0,5	1 1, 2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	58,0	53,2	74,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	57,1	34,4	54,6
Tmbim6	4 1	1	5,3	6,1	0,5	1 1, 7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,1	0,0	1,6	61,8	55,4	80,1	0,0	0,0	0,0	1,5	1,0	6,5	52,7	26,5	60,9
Mbtps2	4 1	1	3,9	5,8	0,5	1 1, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44,4	41,2	56,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	45,0	24,3	45,2
Naa60	4 1	1	4,6	6,0	0,5	1 1, 3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,6	56,0	49,4	68,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,5	6,5	46,1	26,8	54,6
Sumo3	4 1	1	3,6	5,7	0,5	1 0, 8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42,5	32,9	51,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	48,3	19,9	38,3
Ece1	4 1	1	3,5	5,7	0,5	1 0, 5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	40,6	40,4	52,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42,8	17,4	49,6
Cnih1	4 1	1	3,3	5,4	0,6	9, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36,7	29,2	47,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	29,6	14,5	38,9
Tm2d1	4 2	1	11,3	6,4	0,5	1 2, 4	0,0	0,0	0,0	0,0	1,9	0,0	0,0	0,0	123,7	126,5	164,8	4,1	1,4	0,0	0,0	0,0	0,0	109,8	67,2	149,4
Wdr26	4 2	1	8,6	6,5	0,5	1 2, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,9	0,0	0,0	0,0	85,0	100,3	137,8	2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	76,9	54,3	117,4
Crct1	4 2	1	7,6	6,7	0,5	1 2, 5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	69,6	99,6	101,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50,5	51,8	108,0
Wfdc21	4 2	1	8,7	5,1	0,5	1 1, 2	0,0	0,0	9,8	1,5	0,9	0,0	0,0	0,0	85,0	83,9	105,2	8,3	0,0	2,0	0,0	0,0	0,0	71,4	74,2	87,3
Abca1	4 2	1	11,6	3,6	0,3	1 4, 2	0,0	0,0	19,6	15,0	4,6	0,0	0,0	0,0	100,5	134,0	138,8	12,4	14,9	2,9	0,0	0,0	0,0	92,2	65,3	136,9

<i>Tm9sf3</i>	4 2	1	4,9	6,1	0,5	1 1,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	58,0	52,4	68,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	45,0	33,5	65,3
<i>Rab18</i>	4 2	1	4,4	5,9	0,5	1 1,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50,2	46,4	67,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	37,3	28,4	61,5
<i>Marchf5</i>	4 2	1	4,3	5,9	0,5	1 1,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50,2	54,7	68,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,1	25,6	56,5
<i>Gltp</i>	4 2	1	4,1	5,9	0,5	1 1,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44,4	50,9	61,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,1	25,3	54,6
<i>Cbx1</i>	4 2	1	3,0	5,4	0,5	1 0,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,9	35,2	41,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	27,4	22,7	43,3
<i>Rpl32</i>	5 1	1	25,7	4,3	0,2	1 7,5	0,0	0,0	22,8	18,0	8,3	0,0	0,0	0,0	289,8	322,7	342,7	20,7	21,6	3,9	0,0	0,0	0,0	221,8	168,9	245,5
<i>Rpl29</i>	5 1	1	9,9	7,1	0,5	1 3,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	121,7	134,0	149,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	104,3	57,4	91,0
<i>Plpp6</i>	5 1	1	13,0	7,5	0,5	1 4,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,1	1,1	1,6	181,6	211,9	149,9	0,0	0,0	0,0	1,5	1,5	4,9	109,8	80,2	104,2
<i>Lce1j</i>	5 1	1	4,6	6,0	0,5	1 1,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46,4	67,4	56,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	39,1	48,3
<i>Eci2</i>	5 1	1	4,5	5,8	0,5	1 1,0	0,0	0,0	0,0	1,5	0,0	0,0	0,0	0,0	56,0	53,9	62,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46,1	26,8	42,1
<i>Pdlim5</i>	5 1	1	3,3	5,6	0,5	1 0,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44,4	42,7	40,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	28,5	26,5	35,2
<i>Cdc14b</i>	5 1	1	3,3	5,6	0,5	1 0,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38,6	44,9	37,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	27,1	32,6
<i>Ly6a</i>	5 2	1	42,3	9,2	0,5	1 7,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	517,9	316,7	680,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	495,2	221,3	634,1
<i>Ilrun</i>	5 2	1	11,4	5,3	0,4	1 2,6	0,0	0,0	3,3	4,5	0,9	0,0	0,0	0,0	144,9	92,1	163,9	8,3	2,7	1,0	0,0	0,0	0,0	139,4	47,7	143,8
<i>Ubc</i>	5 2	1	7,4	6,6	0,6	1 1,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	85,0	46,4	94,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	88,9	25,9	102,3
<i>Rsl24d1</i>	5 2	1	6,4	6,4	0,5	1 2,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	88,9	52,4	119,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	65,9	28,4	87,9

<i>H3f3b</i>	5 2	1	6,1	6,4	0,5	1 2,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	77, 3	56,9	93,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	63,7	30,6	84,1
<i>Tgoln1</i>	5 2	1	4,0	5,7	0,5	1 0,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46, 4	32,9	56,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42,8	17,7	58,4
<i>Bod1</i>	5 2	1	3,8	5,6	0,6	1 0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44, 4	31,4	61,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	39,5	13,3	52,1
<i>Ppp6r3</i>	5 2	1	3,5	5,6	0,5	1 0,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42, 5	30,0	54,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	45,0	16,1	47,1
<i>Ppp1cb</i>	5 3	1	23,5	8,3	0,5	1 6,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	303 ,4	209, 7	320, 4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	255, 8	135, 1	335, 3
<i>Dmkn</i>	5 3	1	21,6	7,9	0,5	1 5,0	0,0	0,0	3,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	243 ,5	235, 1	283, 1	2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	185, 6	133, 8	325, 8
<i>Vamp4</i>	5 3	1	12,8	7,5	0,5	1 4,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	143 ,0	119, 8	174, 2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	154, 8	70,7	182, 7
<i>Elavl1</i>	5 3	1	10,8	7,3	0,5	1 3,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	119 ,8	112, 3	148, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	120, 8	65,3	151, 9
<i>Ywhaz</i>	5 3	1	9,0	7,0	0,5	1 3,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	115 ,9	99,6	117, 3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	82,3	54,3	116, 1
<i>Cdh1</i>	5 3	1	5,6	6,3	0,6	1 1,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	63, 8	52,4	68,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	53,8	32,5	79,1
<i>Tiam1</i>	5 3	1	5,3	6,1	0,5	1 1,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	75, 4	41,2	68,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	47,2	25,9	78,5
<i>Slc6a6</i>	5 3	1	4,5	5,9	0,6	1 0,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42, 5	40,4	57,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	41,7	18,6	62,2
<i>Lamp2</i>	5 3	1	9,3	5,3	0,4	1 2,0	0,0	0,0	3,3	1,5	1,9	6,4	3,4	3,3	106 ,3	72,6	116, 4	2,1	4,1	2,0	5,9	2,6	3,2	90,0	65,3	125, 6
<i>Pard3</i>	5 3	1	3,2	5,4	0,5	1 0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32, 8	29,2	42,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	29,6	14,5	50,9
<i>Cpne1</i>	5 3	1	3,0	5,4	0,5	1 0,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34, 8	32,9	33,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	28,5	20,8	41,4
<i>Krt2</i>	6 2	1	72,8	10,0	0,5	1 9,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	### ##	722, 6	### ##	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	808, 1	395, 5	806, 1

Zfp36l1	6 2	1	41,2	8,6	0, 5	1 6, 3	0,0	0, 0	6,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	577 ,8	380, 4	562, 5	2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	507, 3	212, 1	516, 1
Anxa8	6 2	1	19,3	8,0	0, 5	1 5, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	276 ,3	176, 7	305, 5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	181, 2	92,5	258, 0
Gdi2	6 2	1	10,4	2,6	0, 2	1 3, 3	0,0	0, 0	19, 6	19, 5	9,3	0,0	0,0	0,0	117 ,9	88,4	136, 9	20, 7	27,0	7,8	0,0	0,0	0,0	96,6	53,0	114, 3
Txndc9	6 2	1	14,7	3,2	0, 2	1 5, 3	0,0	0, 0	19, 6	19, 5	11, 1	2,1	1,1	1,6	179 ,7	133, 3	219, 8	12, 4	25,7	8,8	0,0	2,6	4,9	135, 0	64,7	155, 7
Znrd1	6 2	1	5,1	4,2	0, 4	1 0, 0	0,0	0, 0	6,5	3,0	1,9	0,0	0,0	0,0	69, 6	46,4	71,7	4,1	4,1	1,0	0,0	0,0	0,0	51,6	30,3	60,3
Lypd3	0	2	21,4	7,7	0, 5	1 4, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	44, 9	68, 1	49,2	146 ,9	236, 6	340, 9	0,0	0,0	0,0	38, 3	35,0	56,8	79,1	92,2	227, 9
Elovl4	0	2	14,7	7,4	0, 5	1 4, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	12, 8	15, 9	19,7	127 ,5	176, 0	265, 4	0,0	0,0	0,0	13, 3	14,9	21,1	87,8	76,7	153, 8
Psat1	0	2	14,2	7,3	0, 5	1 3, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	30, 0	18, 2	19,7	117 ,9	128, 8	251, 5	0,0	0,0	0,0	44, 2	13,9	45,5	88,9	67,9	147, 5
Dhcr24	0	2	7,5	6,5	0, 5	1 2, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	6,4	4,5	4,9	59, 9	107, 8	160, 2	0,0	0,0	0,0	2,9	4,6	11,4	39,5	33,5	87,3
Slc27a4	0	2	5,5	6,0	0, 5	1 1, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	4,3	2,3	3,3	46, 4	60,7	138, 8	0,0	0,0	0,0	2,9	2,1	3,2	40,6	17,4	51,5
Rnase2b	1	2	16,0	7,6	0, 6	1 3, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	102 ,4	224, 6	413, 5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	93,3	93,4	234, 8
Skint10	1	2	7,1	6,5	0, 5	1 2, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38, 6	83,9	166, 7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	46,1	130, 0
Mt4	1	2	15,4	5,6	0, 6	9, 0	0,0	0, 0	0,0	9,0	3,7	32, 1	10, 2	16,4	25, 1	200, 7	334, 3	0,0	2,7	0,0	13, 3	3,6	58,5	42,8	118, 4	195, 3
Rnf227	1	2	4,8	5,9	0, 5	1 1, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	29, 0	54,7	83,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	34,4	79,7
Sdr9c7	1	2	6,1	6,2	0, 6	1 1, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	6,4	2,3	1,6	34, 8	72,6	126, 7	0,0	0,0	0,0	2,9	2,1	3,2	25,3	40,7	113, 6
Gstm2	1	2	6,9	3,3	0, 4	8, 7	0,0	0, 0	3,3	6,0	8,3	0,0	0,0	0,0	38, 6	68,1	150, 9	4,1	8,1	8,8	0,0	0,0	0,0	41,7	58,7	106, 7

Vmac	1	2	4,6	5,8	0,5	10,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,1	1,1	1,6	30,9	47,9	109,9	0,0	0,0	0,0	0,0	1,5	6,5	29,6	25,6	76,6
Siah1a	1	2	3,1	5,3	0,5	9,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	38,9	75,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	14,3	20,5	51,5
Paqr7	2	2	13,0	5,5	0,4	13,3	0,0	0,0	3,3	4,5	0,9	0,0	0,0	0,0	81,2	97,3	397,7	4,1	4,1	2,0	0,0	0,5	1,6	74,7	60,6	243,6
Fbxw11	2	2	6,0	6,2	0,5	11,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,6	50,2	56,9	132,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,5	4,9	37,3	29,4	116,1
Casz1	2	2	8,8	3,8	0,3	13,0	0,0	0,0	6,5	6,0	7,4	0,0	0,0	0,0	58,0	72,6	199,3	4,1	10,8	2,9	0,0	0,0	0,0	49,4	43,6	169,5
Mtmr1	2	2	4,1	5,7	0,5	10,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,8	35,2	111,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	18,3	79,1
Mapre2	2	2	4,0	5,7	0,5	10,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	38,9	93,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	28,5	26,8	76,0
Mdfic	2	2	8,3	6,6	0,5	12,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,3	5,7	3,3	54,1	64,4	184,4	0,0	0,0	0,0	5,9	6,2	11,4	48,3	36,9	157,0
Zfp395	2	2	4,0	5,6	0,5	10,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	19,3	39,7	112,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	19,6	84,8
Skint9	2	2	4,7	4,9	0,5	9,7	0,0	0,0	0,0	0,0	1,9	0,0	0,0	0,0	30,9	32,9	108,0	0,0	2,7	2,0	0,0	0,0	0,0	32,9	33,8	99,8
Slc6a4	2	2	3,6	5,2	0,5	10,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	21,3	24,0	111,8	2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	17,6	14,5	80,4
Myoc	2	2	5,6	3,2	0,3	9,2	0,0	0,0	6,5	1,5	1,9	0,0	0,0	0,0	50,2	18,7	128,5	10,4	6,8	7,8	0,0	0,0	0,0	38,4	22,7	103,6
Cilp	2	2	4,0	4,4	0,5	8,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,9	0,0	0,0	0,0	27,1	36,7	86,6	2,1	4,1	2,0	0,0	0,0	0,0	24,2	19,3	66,6
Acadsb	3	2	7,4	6,4	0,5	12,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38,6	44,2	187,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	43,9	33,5	184,0
Sox9	3	2	15,0	4,0	0,3	14,3	0,0	0,0	9,8	9,0	5,6	4,3	2,3	1,6	77,3	68,1	358,6	6,2	8,1	10,8	1,5	3,1	9,7	70,3	49,2	402,4
Rnf225	3	2	6,1	4,1	0,4	11,0	0,0	0,0	6,5	1,5	3,7	0,0	0,0	0,0	19,3	36,7	168,6	4,1	4,1	2,0	0,0	0,0	0,0	13,2	28,1	163,9
Rdx	3	2	14,4	4,0	0,3	13,8	0,0	0,0	13,0	9,0	7,4	2,1	3,4	1,6	88,9	80,1	335,3	14,5	8,1	3,9	1,5	4,1	11,4	85,6	53,7	330,2

Adh1	1 1	2	10,6	3,0	0, 3	1 0,8	0,0	0, 0	6,5	25, 4	15, 7	0,0	0,0	0,0	59, 9	86,9	238, 4	6,2	18,9	5,9	0,0	0,0	0,0	121, 9	56,2	145, 0
Mrpl30	1 1	2	9,3	2,6	0, 3	9, 8	0,0	0, 0	16, 3	19, 5	11, 1	0,0	0,0	0,0	67, 6	83,1	173, 2	20, 7	21,6	7,8	0,0	0,0	0,0	64,8	45,8	145, 0
Abhd12	1 1	2	7,8	2,1	0, 2	8, 9	0,0	0, 0	19, 6	22, 5	14, 8	0,0	0,0	0,0	40, 6	77,9	145, 3	12, 4	25,7	11,7	0,0	0,0	0,0	56,0	39,5	103, 0
H2-Ab1	1 2	2	10,0	7,1	0, 5	1 3,2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	77, 3	73,4	191, 8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	110, 9	64,1	173, 9
Mapre1	1 2	2	8,8	5,1	0, 4	1 1,8	0,0	0, 0	3,3	4,5	1,9	0,0	1,1	0,0	92, 8	62,2	155, 5	4,1	2,7	1,0	1,5	1,0	3,2	92,2	38,8	148, 2
Fbxo3	1 2	2	4,2	5,8	0, 5	1 1,1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38, 6	34,4	82,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,6	38,4	22,4	75,3
Lypla1	1 2	2	5,5	5,8	0, 5	1 0,9	0,0	0, 0	0,0	1,5	0,0	0,0	1,1	1,6	48, 3	44,2	106, 2	0,0	1,4	0,0	0,0	1,0	6,5	45,0	30,0	88,5
Ctdsp1	1 2	2	4,0	5,7	0, 6	1 0,4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38, 6	32,2	68,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46,1	16,1	67,8
Ro60	1 2	2	3,6	5,6	0, 5	1 0,4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34, 8	27,0	82,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31,8	17,0	59,6
Ube3a	1 2	2	3,3	5,1	0, 5	9, 7	0,0	0, 0	3,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30, 9	24,0	61,5	2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	14,8	60,9
Adh5	1 2	2	3,8	4,6	0, 5	9, 2	0,0	0, 0	3,3	0,0	0,9	0,0	0,0	0,0	32, 8	32,9	73,6	4,1	1,4	1,0	0,0	0,0	0,0	36,2	20,8	58,4
Gm9780	1 3	2	14,8	7,6	0, 6	1 3,8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	112, 1	140, 0	258, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	141, 6	95,6	295, 1
Scd1	1 3	2	24,0	5,2	0, 3	1 7,6	0,0	0, 0	3,3	4,5	6,5	0,0	0,0	0,0	202, 9	178, 2	424, 7	8,3	8,1	6,8	0,0	0,0	0,0	188, 9	123, 7	483, 4
Tns3	1 3	2	4,5	5,9	0, 5	1 1,0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30, 9	38,2	82,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	28,1	89,2
Fkbp3	1 3	2	8,4	4,0	0, 3	1 1,9	0,0	0, 0	6,5	6,0	3,7	0,0	0,0	0,0	52, 2	62,9	153, 7	10, 4	6,8	2,9	0,0	0,0	0,0	71,4	48,3	169, 5
Ybx1	1 3	2	10,6	4,4	0, 5	9, 3	0,0	0, 0	9,8	6,0	2,8	2,1	0,0	1,6	58, 0	101, 8	217, 9	6,2	6,8	2,0	0,0	1,5	8,1	62,6	60,0	222, 9
Dkk1	1 3	2	3,2	5,4	0, 5	1 0,2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	25, 1	32,2	63,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	20,5	62,2

Ctdsp2	2 0	2	19,5	8,1	0,5	1 5,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	177 ,8	202, 9	349, 2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	196, 5	119, 0	295, 7
H1f0	2 0	2	9,8	7,1	0,5	1 3,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	102 ,4	104, 8	169, 5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	81,2	61,9	146, 9
Gabarap	2 0	2	30,4	7,0	0,5	1 4,6	0,0	0,0	3,3	3,0	2,8	8,6	6,8	8,2	233 ,8	344, 4	553, 2	2,1	2,7	1,0	11, 8	7,2	24,4	266, 8	185, 0	416, 9
Erp44	2 0	2	12,2	7,3	0,6	1 2,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,3	3,4	6,6	100 ,5	129, 5	216, 1	0,0	0,0	0,0	17, 7	1,0	4,9	85,6	70,4	194, 0
Cyb5r3	2 0	2	7,8	6,7	0,5	1 2,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	58, 0	86,9	161, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	67,0	50,8	113, 6
Lce1i	2 0	2	6,0	6,3	0,5	1 2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	52, 2	65,9	107, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38,4	44,8	86,0
Pum2	2 0	2	7,2	6,1	0,5	1 1,5	0,0	0,0	3,3	0,0	0,0	0,0	1,1	0,0	77, 3	70,4	128, 5	4,1	0,0	0,0	0,0	1,0	0,0	61,5	39,5	114, 3
Zfp386	2 0	2	5,7	6,2	0,5	1 1,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	48, 3	59,9	110, 8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42,8	31,9	89,2
Nras	2 0	2	3,9	5,7	0,5	1 0,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	40, 6	38,2	68,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	20,2	54,0
Tspan5	2 0	2	3,5	5,6	0,5	1 0,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34, 8	39,7	69,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	25,3	20,2	51,5
Triobp	2 0	2	5,7	6,2	0,5	1 1,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,1	2,3	3,3	42, 5	60,7	114, 6	0,0	0,0	0,0	5,9	3,1	11,4	46,1	35,4	72,8
Tsc2	2 0	2	5,6	4,2	0,4	9, 7	0,0	0,0	3,3	4,5	2,8	0,0	0,0	0,0	38, 6	59,2	108, 0	0,0	5,4	2,9	0,0	1,0	4,9	47,2	34,7	93,5
Laptm4a	2 1	2	20,0	2,1	0,2	1 3,5	0,0	0,0	48, 9	34, 4	35, 2	0,0	0,0	0,0	119 ,8	163, 2	282, 2	49, 7	56,7	38,1	0,0	0,0	0,0	158, 1	123, 1	264, 9
Gm94	2 1	2	15,9	2,2	0,2	1 0,7	0,0	0,0	19, 6	35, 9	28, 7	0,0	0,0	0,0	87, 0	146, 0	206, 8	29, 0	52,7	21,5	0,0	0,0	0,0	88,9	91,2	204, 0
Plac9a	2 1	2	8,8	3,4	0,3	1 1,7	0,0	0,0	9,8	4,5	7,4	0,0	0,0	0,0	63, 8	77,9	124, 8	10, 4	13,5	7,8	0,0	0,0	0,0	81,2	56,2	151, 9
Sec62	2 1	2	7,9	3,3	0,3	1 2,5	0,0	0,0	13, 0	4,5	7,4	0,0	0,0	0,0	58, 0	68,1	104, 3	12, 4	9,5	6,8	0,0	0,0	0,0	69,2	55,6	111, 1

Gid8	2 1	2	8,5	2,7	0, 3	9, 5	0,0	0, 0	19, 6	13, 5	9,3	0,0	0,0	0,0	67, 6	62,9	118, 3	18, 6	14,9	3,9	0,0	0,0	0,0	71,4	28,4	120, 5
Gas6	2 1	2	8,1	2,2	0, 2	1 0, 3	0,0	0, 0	16, 3	13, 5	13, 0	0,0	0,0	0,0	38, 6	72,6	98,7	20, 7	29,7	10,8	0,0	0,0	0,0	64,8	48,3	109, 2
Hnr	2 2	2	8,2	5,5	0, 5	1 1, 0	0,0	0, 0	3,3	1,5	2,8	0,0	0,0	0,0	54, 1	58,4	121, 1	0,0	1,4	1,0	0,0	0,0	0,0	57,1	51,4	152, 6
B230219D 22Rik	2 2	2	4,4	5,9	0, 5	1 1, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	29, 0	38,2	73,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	31,6	86,0
Flg2	2 2	2	4,5	5,8	0, 6	1 0, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	25, 1	28,5	63,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	24,2	36,3	101, 7
Skint3	2 2	2	4,3	5,7	0, 5	1 0, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23, 2	29,2	83,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,1	27,1	103, 6
H2-D1	2 2	2	4,1	5,8	0, 5	1 0, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23, 2	41,2	60,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,9	29,7	80,4
Cdkn2c	2 2	2	4,8	4,7	0, 5	1 0, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	1,9	0,0	0,0	0,0	19, 3	44,9	83,8	2,1	2,7	2,0	0,0	0,5	1,6	32,9	43,6	96,1
Lor	3 2	2	46,3	9,3	0, 5	1 7, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	419 ,3	461, 3	751, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	375, 5	298, 9	798, 0
Lce1a2	3 2	2	11,1	7,2	0, 5	1 3, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	81, 2	98,8	176, 9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	71,4	89,3	187, 7
Lce1c	3 2	2	6,3	6,4	0, 5	1 1, 7	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	58, 0	62,2	80,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	45,0	54,3	97,3
Rnase4	3 2	2	6,0	6,3	0, 5	1 2, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44, 4	73,4	81,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	41,7	51,1	90,4
Lce1a1	3 2	2	6,0	6,3	0, 5	1 1, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44, 4	56,9	82,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35,1	45,5	108, 6
Nr1d2	3 2	2	6,5	4,4	0, 4	1 0, 8	0,0	0, 0	0,0	1,5	4,6	0,0	0,0	0,0	54, 1	61,4	105, 2	2,1	4,1	3,9	0,0	0,0	0,0	59,3	45,1	111, 8
Bgn	3 2	2	4,4	5,9	0, 5	1 1, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	36, 7	41,9	56,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,0	34,1	71,6
Lce1d	3 2	2	4,1	5,8	0, 5	1 0, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	40, 6	40,4	63,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	28,5	32,5	57,1

Lce1l	3 2	2	3,8	5,7	0,5	1 0,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,8	35,9	55,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	25,3	31,2	62,8
Paip2	3 2	2	3,0	5,4	0,5	1 0,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23,2	32,9	46,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23,1	23,0	45,2
Lce1m	4 3	2	17,1	7,8	0,5	1 4,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	162,3	116,8	258,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	165,8	115,8	309,5
Ly6c1	4 3	2	9,5	7,0	0,5	1 3,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	90,8	61,4	157,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	126,3	60,3	160,7
H2-Eb1	4 3	2	8,4	6,9	0,5	1 2,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	69,6	67,4	125,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	98,8	64,7	137,5
F13a1	4 3	2	5,8	6,3	0,5	1 1,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	54,1	46,4	54,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	72,5	42,3	106,1
H2-K1	4 3	2	4,0	5,7	0,5	1 0,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,8	30,0	52,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	46,1	22,4	69,1
Cavin1	4 3	2	4,1	5,4	0,5	1 0,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,9	0,0	0,0	0,0	0,0	34,8	32,9	57,7	0,0	0,0	1,0	0,0	0,0	0,0	49,4	23,7	73,5
Trip4	4 3	2	6,7	5,4	0,5	1 0,8	0,0	0,0	3,3	1,5	0,9	2,1	3,4	0,0	0,0	54,1	44,9	98,7	0,0	2,7	1,0	4,4	1,5	8,1	88,9	41,3	99,8
Calm3	4 3	2	3,1	5,5	0,5	1 0,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	29,0	28,5	38,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	37,3	24,0	50,9
Krt16	9 1	3	20,6	0,7	0,5	1,5	0,1	0,2	17 6,0	223 ,0	8,3	8,6	0,0	0,0	0,0	535,3	167,0	5,6	116,0	13,5	2,0	16,2	0,0	0,0	205,3	12,9	6,3
Ccl2	9 2	3	38,6	0,5	0,2	2,6	0,0	0,0	65 1,8	127 ,2	14,8	0,0	0,0	0,0	0,0	745,9	89,1	55,9	414,2	77,0	8,8	0,0	0,0	0,0	520,4	36,3	50,9
S100a9	9 2	3	13,5	0,8	0,7	1,2	0,2	0,3	16 3,0	131 ,7	0,0	10,7	0,0	0,0	0,0	191,3	124,3	1,9	103,5	17,6	0,0	13,3	0,0	0,0	131,8	0,9	10,7
Il1b	9 2	3	8,7	-0,1	0,8	- 0,1	0,9	0,9	12 0,6	82,3	0,0	25,7	0,0	0,0	0,0	102,4	24,0	0,0	91,1	2,7	0,0	25,1	0,0	0,0	101,0	0,0	5,0
Spr1b	9 2	3	11,6	-0,4	0,4	- 1,0	0,3	0,4	23 4,7	109,3	18,5	0,0	0,0	0,0	0,0	119,8	139,3	5,6	122,2	44,6	10,8	0,0	0,0	0,0	38,4	11,7	12,6
Mt1	9 2	3	14,7	0,8	0,2	4,1	0,0	0,0	22 8,1	47,9	6,5	0,0	0,0	0,0	0,0	260,9	50,2	62,4	157,4	55,4	2,9	0,0	0,0	0,0	149,3	27,8	50,9
Spr1a	6 0	4	9,2	6,9	0,6	1 2,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	185,5	154,3	98,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	73,6	25,3	65,9

Hba-a1	6 0	4	5,4	6,1	0, 6	9, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	123 ,7	78,6	27,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	45,0	21,5	42,1
Avpi1	6 0	4	5,5	4,2	0, 4	9, 8	0,0	0, 0	3,3	4,5	0,9	0,0	0,0	0,0	106 ,3	66,6	51,2	2,1	6,8	1,0	0,0	0,0	0,0	52,7	20,5	38,9
Cd24a	6 0	4	3,2	5,4	0, 5	1 0, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50, 2	44,2	28,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	30,7	15,2	25,7
Arrdc4	6 0	4	4,3	5,2	0, 5	1 0, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,9	0,0	2,3	0,0	71, 5	71,1	49,4	0,0	1,4	1,0	1,5	0,5	1,6	29,6	21,8	21,3
Rpl41	6 1	4	40,3	9,2	0, 5	1 7, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	573 ,9	496, 5	502, 9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	421, 6	240, 2	366, 0
Atp5md	6 1	4	17,6	6,6	0, 5	1 3, 2	0,0	0, 0	0,0	1,5	1,9	0,0	0,0	0,0	239 ,6	211, 9	154, 6	2,1	2,7	2,0	0,0	0,0	0,0	221, 8	113, 9	180, 2
Zfp710	6 1	4	9,2	7,1	0, 5	1 3, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	129 ,5	113, 8	110, 8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	104, 3	62,5	87,3
Txn1	6 1	4	9,0	7,0	0, 5	1 3, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	143 ,0	112, 3	99,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	103, 2	52,7	84,1
Luc7l	6 1	4	6,3	6,5	0, 5	1 2, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	102 ,4	65,1	85,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	71,4	36,9	62,2
Eif1ax	6 1	4	6,3	6,5	0, 5	1 2, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	100 ,5	73,4	82,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	62,6	34,4	60,9
Eif2s3y	6 1	4	5,4	6,3	0, 5	1 2, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	85, 0	68,9	57,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	61,5	38,5	40,2
Ddx21	6 1	4	5,7	6,3	0, 5	1 1, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,1	0,0	88, 9	56,9	68,0	0,0	0,0	0,0	1,5	0,0	0,0	61,5	30,3	58,4
Hnrnpa0	6 1	4	5,2	6,2	0, 5	1 1, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	71, 5	56,9	51,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	62,6	30,6	51,5
Mmgt1	6 1	4	4,8	6,1	0, 5	1 1, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	75, 4	47,9	62,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	56,0	25,6	45,8
Zfp217	6 1	4	4,4	6,0	0, 5	1 1, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	59, 9	48,7	51,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	53,8	28,4	50,2
Rbm7	6 1	4	7,1	4,2	0, 4	1 1, 5	0,0	0, 0	3,3	6,0	4,6	0,0	0,0	0,0	110 ,1	80,9	95,0	2,1	4,1	2,9	1,5	0,0	0,0	58,2	38,5	68,4

Rsu1	7 0	4	17,5	7,5	0,5	1 4,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,2	30,6	27,9	170,0	156,5	106,2	0,0	0,0	0,0	66,3	32,4	63,3	199,8	111,4	94,2
Ftl1	7 0	4	4,2	5,9	0,5	1 1,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50,2	59,2	35,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	64,8	24,0	32,6
Lyz2	7 0	4	3,7	5,7	0,5	1 0,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	40,6	40,4	37,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	49,4	25,9	32,0
Rab4b	7 0	4	6,1	6,3	0,5	1 1,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	2,1	2,3	4,9	83,1	64,4	53,1	0,0	0,0	0,0	4,4	2,6	6,5	88,9	42,6	39,6
Il1a	7 1	4	7,4	6,6	0,5	1 2,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	144,9	67,4	72,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	78,0	36,6	65,9
Slc35b1	7 1	4	6,9	6,5	0,5	1 2,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	100,5	54,7	74,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	94,4	30,9	69,1
Mxd1	7 1	4	6,6	6,5	0,5	1 1,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	108,2	69,6	57,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	81,2	27,1	52,1
Tyrobp	7 1	4	18,0	5,4	0,4	1 4,0	0,0	0,0	9,8	6,0	2,8	19,3	3,4	3,3	272,5	173,7	179,7	10,4	2,7	1,0	19,2	3,6	3,2	214,1	69,1	169,5
Klf10	7 1	4	6,4	6,4	0,5	1 2,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,3	0,0	0,0	119,8	71,9	50,3	0,0	0,0	0,0	5,9	1,0	1,6	76,9	32,2	49,6
Lima1	7 1	4	6,6	6,4	0,5	1 2,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	4,3	1,1	1,6	121,7	53,2	54,9	0,0	0,0	0,0	4,4	1,0	6,5	87,8	36,9	50,9
Magoh	7 1	4	7,9	3,9	0,4	1 1,2	0,0	0,0	13,0	4,5	3,7	0,0	0,0	0,0	117,9	73,4	82,0	6,2	6,8	2,0	0,0	0,5	1,6	93,3	32,8	64,7
Pdgfra	7 1	4	3,5	5,6	0,5	1 0,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	52,2	28,5	40,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	57,1	15,5	39,6
S100a10	7 2	4	10,7	2,1	0,2	1 1,8	0,0	0,0	35,9	22,5	10,2	0,0	0,0	0,0	152,7	87,6	79,2	37,3	31,1	11,7	0,0	0,0	0,0	119,7	44,8	82,9
Dab2	7 2	4	15,1	2,5	0,2	1 3,1	0,0	0,0	39,1	38,9	9,3	6,4	1,1	0,0	177,8	104,8	143,4	37,3	35,1	8,8	2,9	1,5	1,6	216,3	66,3	169,5
Cstdc5	8 0	4	37,6	8,8	1,0	8,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	647,3	775,8	58,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	424,9	161,0	67,2
2610528A11Rik	8 0	4	19,8	7,5	1,0	7,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	624,1	300,3	15,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	213,0	73,5	5,0
Krt6b	8 0	4	7,7	6,3	1,1	5,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	172,0	140,8	3,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	115,3	11,7	13,2

Krt6a	8 0	4	8,5	6,2	0, 8	8, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	226 ,1	134, 8	8,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	109, 8	13,3	5,7
Rin1	8 1	4	4,8	5,9	0, 5	1 1, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	2,1	0,0	0,0	0,0	108 ,2	34,4	57,7	0,0	0,0	0,0	1,5	1,0	0,0	60,4	17,0	37,7
Thbs1	8 1	4	10,1	6,7	0, 6	1 2, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	15, 0	3,4	4,9	0,0	168 ,1	42,7	56,8	0,0	0,0	0,0	13, 3	2,6	19,5	139, 4	23,7	84,8
Serpnb1a	8 1	4	6,7	3,1	0, 3	9, 9	0,0	0, 0	6,5	10, 5	5,6	0,0	0,0	0,0	0,0	146 ,9	47,9	44,7	8,3	9,5	2,9	0,0	0,0	0,0	86,7	25,9	43,9
Crispld2	8 1	4	10,0	6,6	0, 5	1 2, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	21, 4	12, 5	18,0	0,0	228 ,0	34,4	59,6	0,0	0,0	0,0	25, 1	11,3	21,1	92,2	26,2	81,6
Mt2	9 0	4	35,1	7,3	0, 5	1 6, 0	0,0	0, 0	9,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	### ##	135, 5	162, 0	8,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	643, 4	75,1	125, 6
Ccl9	9 0	4	20,9	7,9	0, 5	1 4, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	471 ,5	143, 8	68,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	498, 5	73,5	94,2
Cxcl2	9 0	4	13,9	6,7	2, 0	3, 3	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	427 ,0	97,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	206, 4	0,0	9,4
Gsta4	9 0	4	14,2	5,7	0, 5	1 0, 6	0,0	0, 0	0,0	1,5	3,7	0,0	0,0	0,0	0,0	392 ,3	180, 5	69,8	2,1	2,7	1,0	0,0	0,0	0,0	221, 8	19,3	53,4
Cd53	9 0	4	11,8	7,0	0, 5	1 3, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	6,4	1,1	0,0	0,0	258 ,9	91,4	37,3	0,0	0,0	0,0	13, 3	2,1	1,6	205, 3	41,0	40,2
Epgn	9 0	4	6,8	4,7	1, 6	2, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	262 ,8	7,5	0,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	126, 3	0,3	0,6
Ms4a6d	9 0	4	6,1	6,2	0, 5	1 1, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	125 ,6	62,9	20,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	128, 5	26,8	17,6
Retnlg	9 0	4	6,1	5,3	0, 8	6, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	199 ,0	39,7	2,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	110, 9	2,2	3,1
Clec7a	9 0	4	3,7	5,4	0, 6	8, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	81, 2	32,2	10,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	56,0	7,6	19,5
Ckm	4 5	5	16,4	-1,5	0, 5	- 3, 1	0,0	0, 0	65, 2	12, 0	1,9	0,0	0,0	0,0	0,0	3,9	0,7	23,3	217 ,4	198, 6	187, 6	2,9	5,1	53,6	176, 8	33,5	210, 3
Myh4	4 5	5	5,7	-0,6	0, 5	- 1, 1	0,3	0, 3	9,8	3,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,9	1,5	0,0	109 ,7	45,9	48,9	0,0	0,0	0,0	87,8	10,1	87,3
Pvalb	4 5	5	6,3	0,7	0, 5	1, 6	0,1	0, 2	3,3	0,0	0,0	2,1	0,0	1,6	0,0	0,0	0,7	1,9	70, 4	18,9	44,0	4,4	2,1	40,6	117, 5	25,6	138, 1
Cyt11	5 4	5	12,9	1,1	0, 2	6, 0	0,0	0, 0	81, 5	13, 5	35, 2	0,0	0,0	0,0	0,0	71, 5	41,2	147, 1	80, 8	33,8	47,9	0,0	0,0	0,0	117, 5	41,3	209, 7
Cox8b	5 4	5	5,6	1,4	0, 4	3, 8	0,0	0, 0	9,8	1,5	1,9	0,0	0,0	0,0	0,0	9,7	3,7	36,3	35, 2	20,3	33,2	0,0	0,0	0,0	93,3	27,5	151, 3

Hmgn5	6 4	6	10,5	0,7	0, 1	4, 5	0,0	0, 0	45, 6	92, 8	33, 3	0,0	0,0	0,0	54, 1	81,6	123, 9	39, 3	68,9	22,5	0,0	0,0	0,0	46,1	40,7	97,9
Mid1ip1	6 4	6	10,0	0,1	0, 3	0, 5	0,6	0, 7	39, 1	67, 4	70, 4	0,0	0,0	0,0	42, 5	86,1	109, 0	37, 3	87,8	45,0	0,0	0,5	0,0	34,0	42,3	70,9
Sbsn	7 4	6	100, 9	-0,6	0, 1	- 4, 9	0,0	0, 0	94 1,9	848 ,7	495 ,3	0,0	0,0	0,0	450 ,2	388, 6	738, 5	840 ,7	871, 4	353, 8	0,0	0,0	0,0	406, 2	222, 5	667, 4
Yipf5	7 4	6	19,6	-0,2	0, 1	- 1, 2	0,2	0, 3	15 3,2	125 ,7	85, 2	0,0	0,0	0,0	83, 1	94,3	171, 4	128 ,4	212, 1	78,2	0,0	0,0	0,0	72,5	66,9	164, 5
Ldha	7 4	6	18,5	-0,3	0, 1	- 2, 2	0,0	0, 0	15 6,4	172 ,1	73, 1	0,0	0,0	0,0	94, 7	80,1	158, 3	151 ,2	178, 3	55,7	0,0	0,0	0,0	84,5	34,1	173, 9
Napa	7 4	6	15,7	0,1	0, 2	0, 4	0,7	0, 7	14 6,7	107 ,8	39, 8	0,0	0,0	0,0	71, 5	77,9	204, 0	130 ,5	129, 7	26,4	0,0	0,0	0,0	71,4	43,6	148, 8
Rps7	7 4	6	12,6	-0,1	0, 3	- 0, 2	0,8	0, 9	10 4,3	76, 3	37, 0	0,0	0,0	0,0	46, 4	96,6	97,8	109 ,7	110, 8	28,3	0,0	0,0	0,0	42,8	50,8	71,6
Rpl13a	8 3	6	51,9	0,5	0, 1	3, 2	0,0	0, 0	38 4,6	254 ,5	116 ,7	0,0	0,0	0,0	390 ,3	398, 4	387, 4	410 ,0	402, 6	89,9	0,0	0,0	0,0	306, 3	195, 7	295, 7
Lgals3	8 3	6	24,4	0,6	0, 1	4, 4	0,0	0, 0	20 2,1	142 ,2	50, 0	0,0	0,0	0,0	212 ,6	182, 0	211, 4	167 ,7	175, 6	28,3	0,0	0,0	0,0	146, 0	78,6	159, 5
Ctsb	8 3	6	15,6	0,4	0, 2	1, 8	0,1	0, 1	11 0,8	116 ,8	27, 8	0,0	0,0	0,0	92, 8	77,9	82,0	130 ,5	108, 1	21,5	0,0	0,0	0,0	110, 9	45,8	148, 2
Ctsl	8 3	6	11,8	0,2	0, 2	0, 9	0,4	0, 4	10 1,0	86, 8	37, 0	0,0	0,0	0,0	88, 9	69,6	55,9	78, 7	78,4	27,4	0,0	0,0	0,0	64,8	30,9	88,5
Cox6c	8 4	6	89,0	-0,1	0, 2	- 0, 8	0,4	0, 5	57 3,6	637 ,7	348 ,1	0,0	0,0	0,0	543 ,0	524, 2	448, 9	588 ,1	848, 4	414, 4	0,0	0,0	0,0	533, 6	299, 5	496, 6
S100a6	8 4	6	82,0	-0,2	0, 1	- 1, 8	0,1	0, 1	69 4,2	640 ,7	413 ,8	0,0	0,0	0,0	554 ,6	447, 8	502, 0	563 ,2	656, 6	347, 0	0,0	0,0	0,0	432, 6	214, 0	465, 2
Uqcr11	8 4	6	19,0	0,0	0, 1	0, 3	0,8	0, 8	11 0,8	128 ,7	71, 3	0,0	0,0	0,0	106 ,3	122, 8	144, 4	147 ,0	171, 6	81,1	0,0	0,0	0,0	119, 7	63,1	140, 0
Tubb5	8 4	6	13,3	0,0	0, 1	0, 3	0,8	0, 8	84, 7	86, 8	55, 6	0,0	0,0	0,0	77, 3	73,4	82,9	91, 1	132, 4	43,0	0,0	0,0	0,0	109, 8	49,6	82,2
Micos10	8 4	6	10,0	0,1	0, 1	0, 7	0,5	0, 5	68, 4	61, 4	40, 7	0,0	0,0	0,0	63, 8	64,4	64,3	74, 5	75,7	35,2	0,0	0,0	0,0	57,1	36,9	64,7
Fam25c	9 4	6	94,8	0,0	0, 2	- 0, 1	1,0	1, 0	64 5,3	369 ,7	549 ,9	0,0	0,0	0,0	550 ,7	689, 6	663, 1	571 ,5	714, 7	485, 7	0,0	0,0	0,0	415, 0	345, 0	531, 8
Calm2	9 4	6	79,1	-0,3	0, 2	- 1, 5	0,1	0, 2	60 9,5	604 ,7	471 ,2	0,0	0,0	0,0	421 ,2	377, 4	566, 2	552 ,9	605, 2	439, 8	0,0	0,0	0,0	382, 1	271, 4	514, 8
2310050C 09Rik	9 4	6	52,5	-0,4	0, 1	- 2, 9	0,0	0, 0	49 5,4	248 ,5	355 ,5	0,0	0,0	0,0	251 ,2	226, 9	370, 7	403 ,8	389, 1	268, 8	0,0	0,0	0,0	179, 0	167, 3	420, 0

Slc44a2	9 4	6	12,7	-0,6	0, 2	- 3, 8	0,0	0, 0	97, 8	92, 8	90, 7	0,0	0,0	0,0	44, 4	53,9	104, 3	78, 7	145, 9	64,5	0,0	0,0	0,0	41,7	37,9	96,7
Lce1b	9 5	6	19,2	-0,7	0, 2	- 2, 9	0,0	0, 0	14 0,1	115 ,3	200 ,0	0,0	0,0	0,0	54, 1	80,1	120, 1	93, 2	197, 2	139, 8	0,0	0,0	0,0	49,4	64,4	126, 8
Lce1f	9 5	6	9,5	-0,9	0, 2	- 3, 6	0,0	0, 0	75, 0	44, 9	97, 2	0,0	0,0	0,0	29, 0	53,9	45,6	64, 2	73,0	74,3	0,0	0,0	0,0	25,3	32,8	35,2
Atp5mpl	5 0	7	11,1	2,7	0, 2	1 1, 2	0,0	0, 0	26, 1	13, 5	8,3	0,0	0,0	0,0	112 ,1	140, 0	98,7	33, 1	21,6	11,7	0,0	0,0	0,0	112, 0	71,0	89,2
Csta1	5 0	7	8,8	2,1	0, 2	8, 4	0,0	0, 0	9,8	21, 0	17, 6	0,0	0,0	0,0	83, 1	125, 0	70,8	14, 5	33,8	11,7	0,0	0,0	0,0	52,7	43,9	70,9
Cox7a2	5 0	7	9,4	2,1	0, 2	1 1, 2	0,0	0, 0	26, 1	21, 0	13, 0	0,0	0,0	0,0	96, 6	107, 1	81,0	29, 0	29,7	13,7	0,0	0,0	0,0	85,6	53,0	82,9
Rps5	6 3	7	59,6	1,4	0, 1	9, 8	0,0	0, 0	25 4,2	208 ,1	100 ,9	0,0	0,0	0,0	585 ,5	461, 3	614, 7	279 ,6	318, 8	73,3	0,0	0,0	0,0	464, 4	242, 4	509, 8
Atp5k	6 3	7	18,8	1,5	0, 2	9, 9	0,0	0, 0	61, 9	61, 4	30, 6	0,0	0,0	0,0	152 ,7	155, 0	180, 7	84, 9	77,0	39,1	0,0	0,0	0,0	177, 9	87,7	185, 2
Cox7b	6 3	7	17,8	1,7	0, 2	1 1, 6	0,0	0, 0	52, 1	44, 9	25, 0	0,0	0,0	0,0	139 ,1	162, 5	171, 4	74, 5	66,2	35,2	0,0	0,0	0,0	164, 7	88,1	192, 7
Cox6b1	6 3	7	9,1	2,2	0, 2	1 0, 5	0,0	0, 0	22, 8	18, 0	13, 0	0,0	0,0	0,0	81, 2	90,6	95,9	29, 0	27,0	12,7	0,0	0,0	0,0	99,9	52,7	94,2
Ccl8	7 3	7	13,2	1,3	0, 2	5, 2	0,0	0, 0	42, 4	100 ,3	11, 1	0,0	0,0	0,0	54, 1	138, 5	59,6	74, 5	82,4	6,8	0,0	0,0	0,0	116, 4	71,6	109, 2
H2-Aa	7 3	7	13,8	1,2	0, 2	7, 5	0,0	0, 0	88, 0	49, 4	18, 5	0,0	0,0	0,0	85, 0	86,1	129, 5	84, 9	87,8	20,5	0,0	0,0	0,0	118, 6	82,4	127, 5
S100a11	8 2	7	30,5	0,8	0, 2	3, 2	0,0	0, 0	17 2,7	188 ,6	78, 7	0,0	0,0	0,0	355 ,5	235, 9	217, 0	159 ,4	214, 8	48,9	0,0	0,0	0,0	191, 0	131, 9	163, 2
Atf4	9 3	7	15,6	0,7	0, 2	4, 2	0,0	0, 0	16 3,0	73, 3	18, 5	0,0	0,0	0,0	166 ,2	86,9	109, 0	145 ,0	68,9	16,6	0,0	0,0	0,0	126, 3	40,4	99,8
Furin	9 3	7	15,0	0,5	0, 1	3, 8	0,0	0, 0	15 9,7	88, 3	35, 2	0,0	0,0	0,0	175 ,8	92,1	112, 7	97, 3	94,6	23,5	0,0	0,0	0,0	101, 0	42,3	97,3
Ncl	9 3	7	13,1	0,2	0, 1	1, 5	0,1	0, 2	14 0,1	71, 8	39, 8	0,0	0,0	0,0	131 ,4	73,4	68,9	109 ,7	82,4	28,3	0,0	0,0	0,0	101, 0	36,6	58,4
Krt71	3 6	8	22,6	-0,9	1, 2	- 0, 7	0,5	0, 5	0,0	0,0	2,8	43 2,3	63, 6	178, 7	0,0	0,0	1,9	0,0	0,0	0,0	235 ,8	37,1	### ##	0,0	0,0	0,0
Krt25	3 6	8	9,1	-0,9	1, 2	- 0, 7	0,5	0, 5	0,0	0,0	0,9	15 1,9	23, 8	80,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	72, 2	14,4	542, 4	0,0	0,0	0,0
Gprc5d	3 6	8	5,8	-0,7	1, 5	- 0, 5	0,6	0, 7	0,0	0,0	0,0	13 4,8	27, 2	63,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	28, 0	8,2	263, 1	0,0	0,0	0,0

021629522 .1-9	3 6	8	4,2	-0,7	1, 6	- 0, 4	0,7	0, 7	0,0	0,0	0,0	14 1,2	6,8	54,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	13, 3	4,6	170, 5	0,0	0,0	0,0
Lhx2	3 6	8	4,4	0,9	0, 7	1, 3	0,2	0, 2	0,0	0,0	0,9	55, 6	18, 2	41,0	0,0	3,0	4,7	0,0	0,0	1,0	32, 4	15,4	180, 3	0,0	0,9	2,5
Rpl18	3 9	8	98,4	-5,7	0, 3	- 1 8, 0	0,0	0, 0	58 9,9	495 ,5	279 ,6	54 7,9	242 ,9	693, 5	7,7	6,7	26,1	689 ,6	668, 7	254, 1	496 ,7	312, 0	### ##	4,4	2,8	15,1
Rpl27a	3 9	8	55,4	-4,6	0, 3	- 1 7, 6	0,0	0, 0	28 6,8	233 ,5	141 ,7	28 6,8	238 ,3	475, 4	3,9	5,2	16,8	231 ,9	216, 2	93,8	275 ,6	210, 6	### ##	5,5	3,5	14,4
Trappc13	8	9	26,9	0,6	0, 5	1, 2	0,2	0, 3	3,3	1,5	2,8	22 2,6	269 ,0	167, 2	7,7	4,5	4,7	6,2	2,7	2,0	253 ,5	230, 6	329, 6	3,3	2,2	4,4
021631996 .1-12	8	9	3,4	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 5	0,0	0,0	0,0	30, 0	23, 8	27,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	39, 8	26,3	42,2	0,0	0,0	0,0
Usp8	8	9	6,6	2,3	0, 6	4, 0	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	64, 2	39, 7	41,0	1,9	3,7	5,6	0,0	0,0	0,0	76, 6	47,9	86,1	4,4	2,2	3,8
Ebpl	8	9	10,3	1,0	0, 5	2, 0	0,0	0, 1	0,0	4,5	1,9	89, 9	82, 9	75,4	5,8	4,5	7,5	2,1	5,4	1,0	110 ,5	56,6	131, 5	3,3	3,5	5,7
Sdhd	8	9	12,7	-0,9	0, 4	- 2, 3	0,0	0, 0	6,5	9,0	2,8	10 2,7	88, 5	72,1	3,9	3,0	4,7	10, 4	12,2	5,9	162 ,1	77,7	190, 0	4,4	1,9	5,7
Rgs5	9	9	13,2	4,6	0, 5	8, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	64, 2	122 ,6	114, 8	9,7	17,2	25,1	0,0	0,0	0,0	56, 0	105, 0	136, 4	16,5	15,8	32,0
Dynlrb2	9	9	3,1	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 5	0,0	0,0	0,0	12, 8	46, 5	24,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	13, 3	31,9	27,6	0,0	0,0	0,0
021630575 .1-3	1 8	9	17,4	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	12 8,4	141 ,9	131, 2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	181 ,3	150, 3	269, 6	0,0	0,0	0,0
021650771 .1-9	1 8	9	12,9	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	81, 3	105 ,6	109, 8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	106 ,1	109, 7	203, 0	0,0	0,0	0,0
023263.1: 9398..9465 -1	1 8	9	3,2	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	25, 7	23, 8	23,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31, 0	28,3	55,2	0,0	0,0	0,0
Igf1	1 8	9	10,5	4,2	0, 5	7, 7	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	66, 3	62, 4	82,0	11, 6	12,7	16,8	0,0	0,0	0,0	88, 4	74,1	131, 5	13,2	9,5	20,1
023263.1: 15291..153 75-1	1 9	9	25,7	-0,7	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	18 6,2	234 ,9	278, 7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	154 ,8	155, 0	347, 5	0,0	0,0	0,0
Rps29	1 9	9	146, 0	-3,6	0, 5	- 8, 0	0,0	0, 0	14 6,7	112 ,3	71, 3	## ## #	### ## ##	### ## ##	1,9	2,2	37,3	159 ,4	166, 2	65,5	### ##	771, 7	### ##	3,3	1,3	35,8

Rpl10	1 9	9	87,9	-3,7	0, 3	- 1 4, 0	0,0	0, 0	88, 0	131 ,7	74, 1	68 2,7	771 ,8	768, 9	3,9	9,7	10,2	76, 6	133, 7	48,9	611 ,7	497, 3	### ##	3,3	3,2	8,2
Sdhaf2	1 9	9	11,9	1,7	0, 6	2, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	89, 9	105 ,6	106, 6	3,9	2,2	2,8	0,0	0,0	0,0	95, 8	81,9	141, 3	2,2	1,3	3,8
Blvrb	1 9	9	15,2	3,0	0, 6	5, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	12 4,1	129 ,4	127, 9	3,9	5,2	7,5	0,0	0,0	0,0	128 ,2	103, 0	211, 1	7,7	3,5	9,4
Rpl10a	1 9	9	35,7	-3,4	0, 3	- 9, 8	0,0	0, 0	81, 5	61, 4	54, 6	24 1,8	275 ,8	275, 4	0,0	3,7	17,7	89, 0	91,9	36,2	246 ,2	217, 8	477, 4	0,0	1,9	13,2
Uba52	1 9	9	13,6	3,5	0, 6	6, 4	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	10 2,7	129 ,4	119, 7	7,7	10,5	15,8	0,0	0,0	0,0	107 ,6	90,1	170, 5	4,4	5,7	10,0
023263.1: 7705..7771 -1	2 7	9	48,1	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	50 9,3	409 ,7	404, 9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	479 ,0	277, 5	712, 9	0,0	0,0	0,0
021648912 .1-6	2 7	9	19,1	-0,6	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	22 0,4	140 ,7	137, 7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	207 ,8	117, 4	337, 8	0,0	0,0	0,0
Ankra2	2 7	9	14,7	1,2	0, 6	1, 8	0,1	0, 1	0,0	0,0	0,0	15 8,4	110 ,1	121, 3	0,0	2,2	2,8	0,0	0,0	0,0	153 ,3	86,0	243, 6	0,0	0,9	2,5
Pdha1	2 7	9	49,2	6,4	0, 5	1 2, 1	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	44 9,4	281 ,5	360, 7	79, 2	53,9	59,6	0,0	0,0	0,0	498 ,2	255, 9	828, 2	98,8	36,3	64,7
Dstn	2 7	9	13,5	3,1	0, 6	5, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	13 7,0	111 ,2	95,1	7,7	8,2	7,5	0,0	0,0	0,0	143 ,0	72,6	227, 3	4,4	4,4	6,3
Mpc1	2 7	9	6,2	0,6	0, 6	1, 0	0,3	0, 4	3,3	1,5	0,0	47, 1	46, 5	44,3	1,9	3,0	1,9	2,1	4,1	0,0	61, 9	40,2	115, 3	2,2	1,9	2,5
Mlxip	2 7	9	4,3	1,3	0, 6	2, 1	0,0	0, 1	0,0	0,0	0,0	40, 7	26, 1	31,1	0,0	2,2	2,8	0,0	0,0	0,0	45, 7	32,4	82,8	1,1	0,9	3,1
Cd2ap	2 7	9	8,1	3,9	0, 5	7, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	74, 9	52, 2	57,4	9,7	9,0	17,7	0,0	0,0	0,0	87, 0	43,8	128, 3	9,9	5,1	17,6
Arl3	2 7	9	13,7	-1,9	0, 3	- 5, 8	0,0	0, 0	13, 0	18, 0	10, 2	11 3,4	95, 3	98,4	1,9	3,0	5,6	14, 5	27,0	8,8	120 ,9	82,4	199, 7	5,5	1,9	6,3
023263.1: 1091..2671 -1	2 8	9	149, 9	-0,7	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	## ## #	### ## ##	### ## ##	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	### ##	882, 4	### ##	0,0	0,0	0,0
023263.1: 67..1023-1	2 8	9	57,6	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	46 0,1	407 ,4	595, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	464 ,3	357, 8	### ##	0,0	0,0	0,0
023263.1: 4958..5022 -1	2 8	9	28,2	-0,7	0, 7	- 0, 9	0,4	0, 4	0,0	0,0	0,0	19 9,0	232 ,7	249, 2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	235 ,8	199, 2	553, 7	0,0	0,0	0,0
023263.1: 2673..2746 -1	2 8	9	10,9	-0,7	0, 7	- 0, 9	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	10 7,0	77, 2	104, 9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	72, 2	63,3	199, 7	0,0	0,0	0,0

023263.1: 3702..3769 -1	2 8	9	7,4	-0,7	0, 7	- 0, 9	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	47, 1	61, 3	75,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	60, 4	51,5	133, 2	0,0	0,0	0,0
Rab2b	2 8	9	8,0	1,1	0, 6	1, 7	0,1	0, 1	0,0	0,0	0,0	64, 2	67, 0	80,3	0,0	1,5	3,7	0,0	0,0	0,0	69, 3	54,1	129, 9	0,0	0,9	2,5
Rps16	2 8	9	33,3	3,2	0, 4	7, 5	0,0	0, 0	6,5	1,5	0,9	24 8,2	264 ,4	336, 1	17, 4	33,7	41,9	6,2	5,4	1,0	243 ,2	183, 3	563, 5	18,7	17,4	27,0
Lactb2	2 8	9	3,9	-0,8	0, 7	- 1, 2	0,2	0, 3	0,0	0,0	0,0	30, 0	30, 6	32,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,0	35, 4	26,3	68,2	0,0	0,0	0,0
Mbp	2 9	9	17,1	4,0	0, 6	6, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	81, 3	65, 8	229, 5	15, 5	4,5	22,4	0,0	0,0	0,0	125 ,3	140, 5	276, 1	13,2	7,6	22,0
Plin1	3 7	9	52,5	1,7	0, 6	2, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	42 1,6	291 ,7	565, 6	0,0	0,0	3,7	0,0	0,0	0,0	399 ,5	350, 6	### ##	3,3	0,9	8,2
021634916 .1-3	3 7	9	14,9	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	16 9,1	76, 0	123, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	163 ,6	70,5	448, 2	0,0	0,0	0,0
Sprp4	3 7	9	13,9	-4,5	0, 6	- 7, 8	0,0	0, 0	16, 3	12, 0	12, 0	14 7,7	122 ,6	137, 7	0,0	0,0	0,0	6,2	16,2	9,8	73, 7	64,4	337, 8	0,0	0,0	0,0
Gstm3	3 7	9	4,3	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	34, 2	22, 7	39,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	42, 7	28,3	110, 4	0,0	0,0	0,0
023263.1: 1024..1090 -1	3 7	9	4,0	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	38, 5	21, 6	34,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	41, 3	18,5	90,9	0,0	0,0	0,0
Rpl27	3 7	9	48,4	-1,8	0, 4	- 4, 2	0,0	0, 0	11 7,3	82, 3	20, 4	37 4,5	282 ,6	344, 3	7,7	10,5	103, 4	126 ,3	86,5	16,6	356 ,7	216, 2	907, 7	5,5	4,1	76,0
Idh3b	3 7	9	21,6	0,3	0, 3	1, 0	0,3	0, 4	6,5	7,5	4,6	19 0,5	130 ,5	216, 4	5,8	4,5	10,2	10, 4	10,8	3,9	168 ,0	101, 4	501, 8	13,2	4,4	16,3
Rsrp1	3 7	9	122, 2	0,2	0, 2	1, 2	0,2	0, 3	45, 6	71, 8	48, 1	## ## #	632 ,2	### ##	54, 1	63,6	70,8	43, 5	100, 0	36,2	### ##	575, 6	### ##	72,5	45,5	81,6
Paip2b	3 7	9	5,1	-3,6	0, 6	- 6, 5	0,0	0, 0	6,5	7,5	3,7	44, 9	32, 9	37,7	0,0	0,0	0,0	14, 5	5,4	3,9	42, 7	32,9	97,4	0,0	0,0	0,0
Rpl7a	3 8	9	40,0	-2,6	0, 7	- 3, 5	0,0	0, 0	39, 1	31, 4	14, 8	21 4,0	233 ,8	447, 6	0,0	0,0	72,6	39, 3	43,2	12,7	193 ,1	287, 8	875, 3	0,0	0,0	47,7
023263.1: 6950..7018 -1	3 8	9	7,8	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	44, 9	54, 5	68,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	47, 2	59,7	212, 7	0,0	0,0	0,0
Aox1	3 8	9	6,1	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	27, 8	32, 9	70,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	44, 2	41,7	154, 3	0,0	0,0	0,0

023263.1: 11552..116 16-1	3 8	9	5,8	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	0,0	0,0	30, 0	48, 8	65,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23, 6	47,9	125, 0	0,0	0,0	0,0
Lep	3 8	9	5,0	-0,3	0, 7	- 0, 5	0,6	0, 7	0,0	0,0	0,0	34, 2	20, 4	70,5	0,0	0,0	0,9	0,0	0,0	0,0	25, 1	24,2	151, 0	0,0	0,0	1,3
Adipoq	3 8	9	5,9	0,9	0, 6	1, 6	0,1	0, 2	0,0	0,0	0,9	25, 7	32, 9	63,9	0,0	0,0	3,7	0,0	0,0	1,0	25, 1	49,4	151, 0	1,1	0,6	8,2
Krt77	3 8	9	17,4	1,6	0, 4	4, 0	0,0	0, 0	6,5	3,0	1,9	23, 5	49, 9	93,4	13, 5	3,0	14,9	8,3	12,2	15,6	67, 8	202, 3	563, 5	49,4	6,0	108, 6
Dnase1l3	3 8	9	9,8	-0,8	0, 4	- 2, 0	0,0	0, 1	6,5	7,5	5,6	34, 2	96, 5	75,4	1,9	3,0	4,7	4,1	10,8	2,9	35, 4	92,2	198, 1	3,3	2,2	5,0
021629618 .1-8	6	1 0	16,4	-0,6	0, 7	- 0, 8	0,4	0, 5	0,0	0,0	0,0	17 1,2	101 ,0	111, 5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	325 ,8	100, 4	115, 3	0,0	0,0	0,0
Cyth1	6	1 0	16,1	3,0	0, 6	5, 3	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	25 8,9	79, 4	70,5	5,8	3,7	7,5	0,0	0,0	0,0	302 ,2	69,0	139, 7	6,6	2,2	8,8
Plac8	6	1 0	32,0	-4,6	0, 4	- 1 1, 2	0,0	0, 0	11 4,1	118 ,3	34, 3	47 9,4	68, 1	49,2	13, 5	3,0	0,9	99, 4	171, 6	21,5	726 ,7	69,5	53,6	9,9	1,6	0,6
Ifit3	6	1 0	5,1	1,4	0, 7	2, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	59, 9	25, 0	32,8	1,9	0,7	2,8	0,0	0,0	0,0	112 ,0	26,3	47,1	1,1	1,3	3,1
Gfap	6	1 0	2,9	-0,6	0, 7	- 0, 8	0,4	0, 5	0,0	0,0	0,0	40, 7	23, 8	21,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	31, 0	12,9	16,2	0,0	0,0	0,0
Apbb1ip	6	1 0	16,5	0,9	0, 3	2, 7	0,0	0, 0	13, 0	7,5	1,9	20 9,7	62, 4	82,0	17, 4	11,2	6,5	14, 5	9,5	2,0	302 ,2	65,4	162, 4	22,0	4,7	13,2
Rrp8	7	1 0	4,2	-0,1	0, 7	- 0, 2	0,9	0, 9	0,0	0,0	0,0	49, 2	23, 8	23,0	0,0	0,0	0,9	0,0	0,0	0,0	72, 2	24,7	60,1	0,0	0,0	1,3
Gcsh	7	1 0	9,2	-0,7	0, 5	- 1, 4	0,2	0, 2	0,0	4,5	2,8	12 2,0	43, 1	54,1	1,9	2,2	1,9	4,1	5,4	2,9	163 ,6	36,0	141, 3	3,3	0,9	2,5
Noc3l	7	1 0	4,7	1,6	0, 6	2, 5	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	55, 6	29, 5	26,2	5,8	3,7	1,9	0,0	0,0	0,0	76, 6	21,6	63,3	1,1	0,6	1,9
Dse	7	1 0	5,7	1,8	0, 6	3, 1	0,0	0, 0	3,3	0,0	0,0	53, 5	30, 6	29,5	1,9	2,2	4,7	2,1	0,0	0,0	87, 0	37,1	76,3	2,2	2,2	5,7
Tdp2	7	1 0	3,0	-1,0	0, 7	- 1, 3	0,2	0, 2	0,0	0,0	0,9	30, 0	23, 8	16,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,0	53, 1	14,9	35,7	0,0	0,0	0,0
Kpna1	7	1 0	3,4	-0,7	0, 7	- 1, 0	0,3	0, 4	0,0	3,0	0,9	40, 7	21, 6	14,8	0,0	0,7	1,9	0,0	2,7	0,0	66, 3	17,5	39,0	1,1	0,0	0,6
Mrfap1	1 7	1 0	66,8	3,3	0, 6	5, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	83 6,8	388 ,2	450, 8	7,7	5,2	8,4	0,0	0,0	0,0	912 ,4	368, 1	932, 1	7,7	3,8	9,4

Hnrnp2	1 7	1 0	35,1	-5,6	0,5	-1 0,9	0,0	0,0	39,1	31,4	13,0	48 3,7	179 ,3	190,2	0,0	0,0	0,0	35,2	39,2	7,8	552 ,7	151,9	503,4	0,0	0,0	0,0
Ppia	1 7	1 0	50,9	-3,2	0,4	-8,3	0,0	0,0	35,9	46,4	37,0	54 3,6	334 ,8	308,2	0,0	1,5	7,5	45,6	81,1	28,3	648 ,6	248,1	784,3	3,3	1,9	11,9
Dus4l	1 7	1 0	8,0	-0,6	0,7	-0,9	0,4	0,4	0,0	0,0	0,0	10 2,7	54,5	57,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	115 ,0	37,1	125,0	0,0	0,0	0,0
Slc35b3	1 7	1 0	5,0	-1,8	0,7	-2,7	0,0	0,0	0,0	1,5	1,9	66,3	30,6	34,4	0,0	0,0	0,0	0,0	4,1	1,0	70,8	24,7	60,1	0,0	0,0	0,0
Mesd	1 7	1 0	7,2	1,9	0,6	3,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	83,5	44,3	52,5	5,8	2,2	2,8	0,0	0,0	0,0	104 ,7	34,0	103,9	2,2	1,3	3,8
Bag2	1 7	1 0	20,4	1,5	0,4	3,7	0,0	0,0	6,5	4,5	1,9	29 7,5	110 ,1	108,2	13,5	17,2	9,3	6,2	8,1	2,0	271 ,2	102,5	318,3	13,2	7,9	6,3
021642260 .1-5	1 7	1 0	3,7	-0,6	0,7	-0,9	0,4	0,5	0,0	0,0	0,0	51,4	25,0	19,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	50,1	22,7	60,1	0,0	0,0	0,0
Ttc13	1 7	1 0	6,7	3,4	0,6	6,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	72,8	35,2	37,7	5,8	6,0	15,8	0,0	0,0	0,0	94,3	35,5	105,6	6,6	2,8	11,9
Kctd15	4	0	10,1	6,5	0,6	11,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	21,4	34,0	27,9	42,5	74,9	214,2	0,0	0,0	0,0	22,1	20,6	34,1	35,1	38,8	124,9
Gpx3	2 3	0	10,2	6,5	0,5	12,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	8,6	11,3	29,5	36,7	49,4	120,1	0,0	0,0	0,0	10,3	21,6	95,8	68,1	54,0	211,0
Eln	2 3	0	10,1	6,5	0,5	12,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	8,6	20,4	19,7	36,7	50,9	95,0	0,0	0,0	0,0	13,3	28,8	66,6	64,8	70,1	167,6
Rhoa	1 6	1 1	28,0	6,5	0,5	12,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23 7,5	147 ,5	136,1	75,4	62,9	68,0	0,0	0,0	0,0	296 ,3	125,6	319,9	84,5	39,5	82,2
Hsp90ab1	2 4	0	10,5	6,6	0,5	12,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	27,8	20,4	23,0	77,3	58,4	82,9	0,0	0,0	0,0	26,5	21,1	76,3	92,2	33,8	103,6
Arpc5	3 4	0	12,4	6,7	0,5	12,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	74,9	31,8	19,7	112,1	80,1	67,1	0,0	0,0	0,0	104,7	23,7	43,8	88,9	39,1	57,1
S100a14	2 4	0	11,7	6,7	0,5	12,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	34,2	32,9	37,7	96,6	92,1	108,0	0,0	0,0	0,0	33,9	22,7	126,7	70,3	43,9	82,2
Lsm14a	1 5	1 1	26,3	6,7	0,5	12,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	23 9,7	94,2	152,5	77,3	67,4	98,7	0,0	0,0	0,0	294,8	93,7	354,0	88,9	47,7	96,7

Cnbp	1 6	1 1	27,0	6,9	0, 5	1 3, 2	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	20 9,7	140 ,7	127, 9	125 ,6	106, 3	86,6	0,0	0,0	0,0	244 ,7	110, 7	242, 0	95,5	53,0	69,7
Timp3	2 3	0	15,0	7,1	0, 5	1 3, 6	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	40, 7	22, 7	44,3	71, 5	71,9	129, 5	0,0	0,0	0,0	38, 3	27,3	120, 2	109, 8	68,2	224, 1
Anapc2	1 0	0	15,9	7,3	0, 5	1 3, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	30, 0	22, 7	27,9	104 ,3	131, 0	268, 2	0,0	1,4	0,0	32, 4	19,6	65,0	120, 8	76,4	199, 7
Cltc	4	0	19,7	7,3	0, 6	1 3, 3	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	83, 5	46, 5	44,3	81, 2	86,9	319, 4	0,0	0,0	0,0	129 ,7	33,5	99,1	80,2	48,0	297, 6
Krt80	2 4	0	23,4	7,3	0, 5	1 3, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	87, 7	102 ,1	137, 7	110 ,1	115, 3	237, 5	0,0	0,0	0,0	47, 2	83,9	220, 8	108, 7	60,3	209, 1
Fstl1	3 4	0	19,2	7,5	0, 5	1 4, 3	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	36, 4	43, 1	49,2	129 ,5	148, 3	129, 5	0,0	0,0	0,0	51, 6	43,8	120, 2	106, 5	138, 6	144, 4
Cavin3	3 4	0	19,8	7,5	0, 5	1 4, 3	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	53, 5	53, 3	62,3	183 ,6	190, 2	186, 3	0,0	0,0	0,0	42, 7	49,4	100, 7	131, 8	91,8	106, 7
Chmp4b	1 5	1 1	42,4	7,7	0, 5	1 4, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	35 3,1	150 ,9	232, 8	202 ,9	131, 0	218, 9	0,0	0,0	0,0	328 ,7	159, 1	583, 0	161, 4	78,6	193, 4
Hmgcs1	1 0	0	24,0	7,7	0, 5	1 4, 8	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	81, 3	56, 7	62,3	166 ,2	177, 5	263, 6	0,0	0,0	0,0	73, 7	54,6	162, 4	119, 7	77,0	234, 2
Eif4h	4	0	40,7	8,4	0, 5	1 5, 9	0,0	0, 0	0,0	0,0	0,0	15 6,2	94, 2	113, 1	214 ,5	225, 4	637, 0	0,0	0,0	0,0	184 ,2	81,9	206, 2	176, 8	122, 5	528, 6
Rbm3	4 8	1 2	13,6	-7,0	0, 5	- 1 4, 1	0,0	0, 0	11 0,8	83, 8	47, 2	72, 8	61, 3	75,4	0,0	0,0	0,0	103 ,5	100, 0	32,3	60, 4	51,5	144, 5	0,0	0,0	0,6
Fbl	4 8	1 2	11,6	-7,1	0, 5	- 1 4, 0	0,0	0, 0	14 6,7	91, 3	34, 3	57, 8	22, 7	32,8	0,0	0,0	0,9	142 ,9	110, 8	21,5	67, 8	26,8	165, 6	0,0	0,0	0,0
Rps23	4 8	1 2	35,6	-4,2	0, 4	- 1 1, 5	0,0	0, 0	27 7,0	160 ,2	90, 7	14 9,8	163 ,4	234, 4	3,9	5,2	32,6	281 ,6	218, 9	67,4	144 ,5	142, 1	469, 3	2,2	2,5	15,7
Rpl37	4 8	1 2	307, 6	-4,6	0, 3	- 1 5, 9	0,0	0, 0	## ## #	### ### ##	### ## #	## ## #	### ## ##	### ## ##	54, 1	40,4	217, 0	### ##	### ##	### ##	### ##	963, 2	### ##	40,6	20,5	174, 5
Rpl3	4 8	1 2	48,6	-4,1	0, 3	- 1	0,0	0, 0	41 0,7	287 ,4	213 ,9	18 4,0	165 ,7	278, 7	5,8	7,5	53,1	401 ,7	314, 8	135, 8	179 ,8	150, 8	644, 7	5,5	4,1	43,9

						3, 0																					
Fam129b	4 9	1 2	72,6	-9,6	0, 5	- 1 9,4	0,0	0, 0	76 2,7	359 ,2	262 ,9	52 4,3	292 ,8	298, 4	0,0	0,0	0,0	563 ,2	401, 2	226, 7	484 ,9	224, 5	591, 1	0,0	0,0	0,0	
Pgk1	4 9	1 2	61,4	-9,1	0, 6	- 1 6,3	0,0	0, 0	42 3,7	546 ,4	219 ,4	59 9,2	186 ,1	155, 7	0,0	0,7	0,0	374 ,8	501, 2	212, 1	647 ,1	133, 3	412, 5	0,0	0,3	0,0	
Rpl18a	4 9	1 2	249, 4	-5,3	0, 5	- 1 1,1			## ## #	### ##	888 ,8	## ## #	### ##	### ##	7,7	8,2	273, 8	### ##	### ##	627, 4	### ##	### ##	### ##	3,3	3,5	96,7	
Rps10	4 9	1 2	817, 8	-6,3	0, 2	- 2 6,2	0,0	0, 0	## ## #	### ##	### ##	## ## #	### ##	### ##	25, 1	34,4	105, 2	### ##	### ##	### ##	### ##	### ##	### ##	32,9	19,6	50,2	
Ewsr1	4 9	1 2	51,0	-5,7	0, 3	- 1 7,8	0,0	0, 0	37 4,8	374 ,2	174 ,1	38 7,4	124 ,8	208, 2	5,8	4,5	4,7	296 ,1	374, 2	112, 4	452 ,5	101, 9	641, 4	5,5	2,2	7,5	
Dpf2	4 9	1 2	16,2	-6,4	0, 5	- 1 3,8	0,0	0, 0	12 3,8	136 ,2	54, 6	98, 4	60, 2	62,3	0,0	1,5	0,9	122 ,2	139, 2	39,1	115 ,0	45,3	146, 1	0,0	0,6	1,3	
Rps18	4 9	1 2	100, 1	-4,0	0, 2	- 1 7,9	0,0	0, 0	65 5,1	568 ,8	347 ,2	50 2,9	552 ,7	526, 3	19, 3	24,0	60,5	546 ,7	652, 5	267, 8	545 ,4	397, 4	790, 8	18,7	11,4	34,5	
Rpsa	5 9	1 2	92,7	-2,7	0, 4	- 6, 0	0,0	0, 0	46 2,8	541 ,9	80, 5	50 2,9	471 ,0	434, 5	30, 9	28,5	197, 4	461 ,8	783, 6	66,5	538 ,0	323, 3	527, 8	27,4	14,8	131, 8	
Impdh2	5 9	1 2	7,9	-3,7	0, 5	- 7, 9	0,0	0, 0	52, 1	56, 9	21, 3	38, 5	31, 8	37,7	0,0	0,0	10,2	58, 0	81,1	19,5	39, 8	22,1	69,8	0,0	0,0	13,2	
Hbb-bs	5 6	1 3	33,0	-9,0	0, 6	- 1 5,5	0,0	0, 0	78 8,7	193 ,1	67, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	### ##	114, 8	103, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	
S100a8	5 7	1 3	59,9	-1,8	0, 5	- 3, 4	0,0	0, 0	## ## #	940 ,0	64, 8	77, 0	4,5	6,6	400 ,0	253, 8	1,9	882 ,1	256, 7	28,3	53, 1	0,5	17,9	252, 5	3,2	20,1	
Tuba1c	5 7	1 3	22,7	-3,6	0, 3	- 1 2,1	0,0	0, 0	79 5,2	241 ,0	36, 1	0,0	0,0	0,0	34, 8	12,7	14,9	552 ,9	209, 4	28,3	0,0	0,0	0,0	18,7	6,9	11,3	

Stfa3	5 7	1 3	12,8	-3,4	0, 3	- 1 0, 1	0,0	0, 0	41 0,7	294 ,9	9,3	0,0	0,0	0,0	17, 4	21,0	1,9	296 ,1	73,0	8,8	0,0	0,0	0,0	11,0	5,7	1,3
Sifn4	5 7	1 3	5,7	-6,3	0, 7	- 8, 8	0,0	0, 0	24 1,2	61, 4	2,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	142 ,9	21,6	3,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Fcnb	5 7	1 3	4,8	-6,5	0, 5	- 1 2, 0	0,0	0, 0	15 9,7	59, 9	15, 7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	140 ,8	45,9	6,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Ugdh	5 7	1 3	12,5	-4,8	0, 3	- 1 4, 1	0,0	0, 0	42 3,7	107 ,8	52, 8	8,6	1,1	0,0	7,7	3,7	2,8	219 ,5	151, 3	45,9	13, 3	1,5	4,9	5,5	1,9	4,4
Cct6b	5 7	1 3	2,9	-5,8	0, 5	- 1 0, 9	0,0	0, 0	81, 5	26, 9	9,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	82, 8	31,1	7,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Slpi	5 7	1 3	17,2	-2,4	0, 4	- 6, 6	0,0	0, 0	38 7,8	217 ,0	4,6	51, 4	11, 3	11,5	77, 3	30,7	1,9	265 ,1	62,1	8,8	100 ,2	9,8	13,0	46,1	1,9	1,9
Ccl19	6 6	1 3	3,1	-5,9	0, 6	- 1 0, 7	0,0	0, 0	58, 7	38, 9	5,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	111 ,8	51,3	7,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Cyba	7 9	1 4	29,0	-4,8	0, 2	- 1 9, 4	0,0	0, 0	45 9,5	610 ,7	88, 9	0,0	0,0	0,0	11, 6	12,7	10,2	401 ,7	622, 8	98,7	0,0	0,0	0,0	15,4	6,6	10,0
Ppp1r14b	7 9	1 4	7,0	-3,9	0, 3	- 1 4, 2	0,0	0, 0	11 4,1	155 ,7	28, 7	0,0	0,0	0,0	5,8	5,2	6,5	95, 3	162, 1	23,5	0,0	0,0	0,0	4,4	2,8	5,7
Galns	7 9	1 4	3,2	-6,1	0, 5	- 1 1, 6	0,0	0, 0	39, 1	89, 8	11, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	41, 4	78,4	8,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Fcgr2b	7 9	1 4	6,0	-3,8	0, 4	- 9, 4	0,0	0, 0	78, 2	211 ,1	13, 0	0,0	0,0	0,0	3,9	3,0	2,8	84, 9	148, 6	6,8	0,0	0,0	0,0	6,6	1,9	5,7
Vwa5a	8 7	1 4	11,9	-6,9	0, 4	- 1 5, 5	0,0	0, 0	14 0,1	185 ,6	57, 4	0,0	1,1	3,3	0,0	0,7	0,9	167 ,7	328, 3	56,7	0,0	2,6	1,6	1,1	0,6	1,9
Anxa3	8 7	1 4	8,6	-6,4	0, 5	- 1	0,0	0, 0	12 7,1	119 ,7	38, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,7	0,0	120 ,1	202, 6	44,0	0,0	0,5	3,2	2,2	0,6	1,9

						3,6																				
<i>H2afz</i>	87	14	5,0	-7,0	0,5	-14,0	0,0	0,0	61,9	92,8	41,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	70,4	117,5	26,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
<i>lfitm1</i>	87	14	8,5	-3,6	0,3	-11,7	0,0	0,0	120,6	149,7	19,4	0,0	0,0	0,0	15,5	8,2	1,9	149,1	213,5	20,5	0,0	0,0	0,0	24,2	1,3	1,3
<i>Ap3s1</i>	87	14	5,3	-5,6	0,4	-12,7	0,0	0,0	58,7	103,3	39,8	0,0	0,0	0,0	0,0	3,0	0,9	62,1	133,7	40,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,9	1,3
<i>Cox5b</i>	87	14	12,7	-2,3	0,1	-15,8	0,0	0,0	127,1	158,7	53,7	0,0	0,0	0,0	29,0	25,5	26,1	186,4	225,6	85,0	0,0	0,0	0,0	38,4	15,5	28,9
<i>Wdr83os</i>	87	14	6,3	-5,6	0,4	-13,6	0,0	0,0	78,2	95,8	50,0	2,1	1,1	3,3	0,0	2,2	0,9	72,5	125,6	39,1	1,5	2,1	11,4	2,2	0,9	1,3
<i>C1ra</i>	87	14	8,5	-3,3	0,2	-16,7	0,0	0,0	104,3	118,3	49,1	0,0	0,0	0,0	9,7	7,5	9,3	120,1	172,9	48,9	0,0	0,0	0,0	8,8	5,4	16,3
<i>Glipr1</i>	87	14	3,4	-4,2	0,4	-10,3	0,0	0,0	68,4	49,4	7,4	0,0	0,0	0,0	1,9	3,0	0,0	47,6	93,2	9,8	1,5	0,0	0,0	2,2	2,2	0,0
<i>Clec4g</i>	97	14	7,3	-7,2	0,5	-13,7	0,0	0,0	39,1	178,1	42,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	41,4	308,0	36,2	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
<i>Apoa4</i>	97	14	6,3	-7,1	0,5	-13,1	0,0	0,0	91,3	92,8	29,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	55,9	247,2	20,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
<i>Cd209a</i>	97	14	3,1	-5,4	0,5	-10,6	0,0	0,0	22,8	79,3	13,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33,1	118,9	6,8	0,0	0,0	0,0	2,2	0,3	0,6
<i>Krt5</i>	98	14	56,4	-1,6	0,2	-8,7	0,0	0,0	524,7	824,8	418,5	0,0	0,0	0,0	123,7	208,2	236,6	482,5	671,4	282,4	0,0	0,0	0,0	125,2	115,2	195,3
<i>Dctn1</i>	98	14	6,8	-6,4	0,5	-1	0,0	0,0	84,7	133,2	63,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,7	1,9	74,5	145,9	39,1	0,0	0,0	0,0	0,0	0,3	1,3

						3, 8																					
Zfp706	9 8	1 4	17,5	-2,4	0, 3	- 8, 6	0,0	0, 0	16 3,0	229 ,0	159 ,2	0,0	0,0	0,0	21, 3	21,0	87,5	136 ,7	293, 2	125, 1	0,0	0,0	0,0	18,7	15,2	47,1	
Exosc5	9 8	1 4	12,7	-2,9	0, 3	- 8, 5	0,0	0, 0	14 3,4	232 ,0	127 ,8	0,0	1,1	0,0	23, 2	15,0	29,8	130 ,5	205, 3	102, 6	1,5	1,0	1,6	23,1	6,6	20,1	
Sdr39u1	9 8	1 4	6,3	-3,7	0, 3	- 1 4, 5	0,0	0, 0	68, 4	128 ,7	60, 2	0,0	1,1	0,0	3,9	5,2	10,2	58, 0	110, 8	41,0	0,0	1,0	1,6	4,4	3,5	8,2	
Flg	9 9	1 4	24,4	-9,2	0, 6	- 1 6, 5	0,0	0, 0	18 9,0	357 ,7	312 ,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	157 ,4	583, 6	188, 6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	
Sptbn4	9 9	1 4	14,4	-8,5	0, 7	- 1 2, 5	0,0	0, 0	18 5,8	294 ,9	204 ,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	132 ,5	275, 6	131, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	
Tmem254 a	9 9	1 4	23,1	-4,0	0, 2	- 1 6, 7	0,0	0, 0	22 1,6	290 ,4	293 ,5	0,0	0,0	0,0	17, 4	21,7	25,1	250 ,6	381, 0	205, 2	0,0	0,0	0,0	9,9	10,4	18,8	
2610008E 11Rik	9 9	1 4	9,7	-4,9	0, 3	- 1 6, 9	0,0	0, 0	10 7,6	139 ,2	108 ,3	0,0	0,0	0,0	0,0	3,7	9,3	99, 4	183, 7	78,2	0,0	0,0	0,0	1,1	1,9	8,2	
Sdr16c5	9 9	1 4	15,7	-3,9	0, 2	- 1 6, 5	0,0	0, 0	14 6,7	241 ,0	201 ,8	0,0	0,0	0,0	5,8	12,0	17,7	120 ,1	262, 1	128, 0	0,0	0,0	0,0	9,9	7,3	20,1	
Cyp2d10	9 9	1 4	4,7	-6,8	0, 5	- 1 3, 1	0,0	0, 0	29, 3	65, 9	82, 4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	33, 1	100, 0	50,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	
Acadm	9 9	1 4	6,7	-5,6	0, 4	- 1 4, 7	0,0	0, 0	58, 7	94, 3	82, 4	0,0	0,0	0,0	0,0	3,0	2,8	66, 3	145, 9	64,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,6	3,1	
Gstm1	9 9	1 4	14,4	-3,6	0, 2	- 1 5, 3	0,0	0, 0	14 9,9	194 ,6	175 ,9	0,0	0,0	0,0	5,8	9,7	23,3	122 ,2	240, 5	141, 7	0,0	0,0	0,0	11,0	9,5	23,9	
Actg1	5 8	1 5	139, 2	- 11, 2	0, 5	- 2 2, 5	0,0	0, 0	### ### #	### ### ##	502 ,7	61 8,5	249 ,7	272, 1	0,0	0,0	0,0	### ##	### ##	546, 3	691 ,3	207, 5	626, 8	0,0	0,0	0,0	

Atp6v0c	5 8	1 5	20,5	-8,4	0, 5	- 1 6, 9	0,0	0, 0	33 2,4	221 ,5	78, 7	79, 2	28, 4	37,7	0,0	0,0	0,0	296 ,1	208, 1	56,7	92, 9	36,6	116, 9	0,0	0,0	0,0
Ptma	6 7	1 5	611, 8	-8,9	0, 3	- 3 0, 0	0,0	0, 0	## ## #	### ##	### ##	0,0	0,0	0,0	15, 5	9,0	17,7	### ##	### ##	### ##	0,0	0,0	0,0	15,4	5,4	26,4
Rps27a	6 7	1 5	17,2	-7,0	0, 9	- 8, 2	0,0	0, 0	31 2,9	184 ,1	58, 3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	8,4	366 ,5	301, 3	45,9	0,0	0,5	1,6	0,0	0,0	6,3
Rps11	6 7	1 5	61,3	-3,0	0, 2	- 1 8, 9	0,0	0, 0	97 7,8	752 ,9	367 ,6	0,0	0,0	0,0	67, 6	106, 3	98,7	888 ,4	848, 4	325, 5	0,0	0,0	0,0	63,7	59,3	89,8
Ftl1-ps1	6 7	1 5	9,7	-7,7	0, 5	- 1 5, 5	0,0	0, 0	19 8,8	193 ,1	38, 9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	190 ,5	148, 6	31,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Adsl	6 7	1 5	12,7	-5,5	0, 3	- 1 6, 4	0,0	0, 0	24 1,2	173 ,6	49, 1	0,0	0,0	0,0	5,8	2,2	3,7	244 ,3	216, 2	63,5	0,0	0,0	0,0	3,3	1,3	3,8
Oaz1	6 7	1 5	11,2	-4,5	0, 3	- 1 5, 4	0,0	0, 0	20 8,6	176 ,6	55, 6	0,0	0,0	0,0	3,9	3,0	7,5	227 ,8	194, 5	49,8	0,0	0,0	0,0	5,5	2,5	10,0
Ddx39	6 7	1 5	4,9	-6,7	0, 5	- 1 3, 4	0,0	0, 0	10 7,6	79, 3	19, 4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	107 ,7	85,1	11,7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Tuba1a	6 7	1 5	16,5	-3,2	0, 2	- 1 6, 1	0,0	0, 0	34 8,7	197 ,6	75, 0	0,0	0,0	0,0	9,7	12,7	20,5	341 ,7	235, 1	60,6	0,0	0,0	0,0	16,5	14,5	24,5
Mrps18b	6 7	1 5	3,6	-6,4	0, 5	- 1 2, 8	0,0	0, 0	84, 7	47, 9	25, 0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	68, 3	51,3	17,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Ccdc86	6 7	1 5	5,9	-4,3	0, 3	- 1 3, 4	0,0	0, 0	11 4,1	88, 3	25, 0	0,0	0,0	0,0	7,7	4,5	1,9	93, 2	109, 4	21,5	0,0	0,0	0,0	4,4	1,9	1,3
Gcn1	6 7	1 5	4,3	-6,6	0, 5	- 1 3, 0	0,0	0, 0	97, 8	56, 9	23, 1	2,1	0,0	1,6	0,0	0,0	0,0	99, 4	56,7	15,6	1,5	1,5	6,5	0,0	0,0	0,0

Gpank1	6 7	1 5	3,9	-6,2	0, 5	- 1 1, 9	0,0	0, 0	65, 2	55, 4	25, 0	0,0	0,0	1,6	0,0	0,0	0,9	87, 0	56,7	21,5	0,0	0,5	3,2	0,0	0,0	0,6
H3f3a	6 7	1 5	5,2	-3,8	0, 3	- 1 3, 4	0,0	0, 0	97, 8	62, 9	35, 2	0,0	0,0	0,0	3,9	3,7	6,5	84, 9	90,5	27,4	0,0	0,0	0,0	3,3	2,2	5,7
Rpl9	6 8	1 5	26,1	-4,8	0, 5	- 1 0, 5			30 9,6	267 ,9	169 ,4	47, 1	38, 6	42,6	0,0	3,7	27,9	294 ,0	364, 8	132, 9	47, 2	39,6	90,9	1,1	1,6	39,6
Rps13	6 8	1 5	13,5	-4,3	0, 5	- 8, 9	0,0	0, 0	17 6,0	119 ,7	62, 0	17, 1	19, 3	31,1	0,0	2,2	21,4	173 ,9	183, 7	42,0	20, 6	19,0	65,0	0,0	1,6	31,4
Rpl36	6 8	1 5	16,4	-3,4	0, 5	- 6, 8	0,0	0, 0	16 6,2	121 ,2	76, 8	38, 5	51, 1	45,9	3,9	4,5	58,7	159 ,4	174, 3	71,3	31, 0	31,4	40,6	3,3	1,9	32,6
Rpl24	6 9	1 5	37,5	-6,0	0, 6	- 9, 5	0,0	0, 0	34 2,2	278 ,4	200 ,0	13 4,8	136 ,2	131, 2	0,0	0,0	28,9	339 ,6	397, 2	174, 9	172 ,5	76,7	155, 9	0,0	0,0	22,0
Rpl11	6 9	1 5	110, 9	-5,5	0, 4	- 1 2, 7			### ## #	962 ,5	655 ,5	37 8,8	326 ,9	398, 4	5,8	5,2	97,8	923 ,6	### ##	556, 1	312 ,5	279, 0	781, 1	4,4	2,5	59,0
Ndufs3	6 9	1 5	16,8	-6,4	0, 5	- 1 3, 6	0,0	0, 0	14 6,7	179 ,6	113 ,9	68, 5	46, 5	37,7	0,0	1,5	0,9	151 ,2	190, 5	126, 1	82, 5	34,0	82,8	1,1	1,3	2,5
Atp5g2	6 9	1 5	20,1	-5,6	0, 3	- 2 0, 1	0,0	0, 0	18 9,0	236 ,5	162 ,9	27, 8	32, 9	54,1	1,9	1,5	3,7	171 ,9	322, 9	121, 2	29, 5	36,6	128, 3	3,3	2,2	10,7
Atp5f1	6 9	1 5	5,6	-6,7	0, 5	- 1 3, 6	0,0	0, 0	58, 7	55, 4	34, 3	12, 8	6,8	9,8	0,0	0,0	0,0	72, 5	81,1	33,2	16, 2	7,7	39,0	0,0	0,0	0,0
Adssl1	7 7	1 5	9,2	-4,7	0, 3	- 1 4, 4	0,0	0, 0	97, 8	71, 8	30, 6	0,0	1,1	1,6	3,9	2,2	1,9	167 ,7	178, 3	73,3	4,4	2,6	13,0	9,9	1,3	6,3
Sec61g	7 8	1 5	63,5	-5,7	0, 2	- 2 6, 4	0,0	0, 0	85 0,7	886 ,1	409 ,2	0,0	0,0	0,0	11, 6	21,7	14,9	960 ,8	### ##	492, 6	0,0	0,0	0,0	14,3	12,0	11,3
Gmpr	7 8	1 5	14,5	-7,2	0, 5	- 1	0,0	0, 0	24 1,2	196 ,1	75, 9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,9	236 ,1	240, 5	94,8	0,0	1,0	3,2	2,2	0,3	2,5

						5,4																					
Cycs	78	15	10,5	-7,8	0,5	-15,6	0,0	0,0	195,6	157,2	42,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	169,8	214,8	60,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,6
Rpl15	78	15	121,9	-7,3	0,2	-35,5	0,0	0,0	### ### #	#### ### ##	### ##	36,4	42,0	42,6	9,7	9,0	10,2	### ##	### ##	805,3	38,3	34,5	77,9	9,9	6,3	8,8	
Gkap1	78	15	13,1	-7,9	0,5	-15,6	0,0	0,0	189,0	151,2	86,1	2,1	2,3	3,3	0,0	0,0	0,0	213,3	209,4	89,9	1,5	1,5	8,1	0,0	0,0	1,3	
Rpl12	78	15	19,8	-3,5	0,5	-7,3	0,0	0,0	286,8	232,0	131,5	0,0	0,0	0,0	9,7	10,5	60,5	267,1	347,2	97,7	0,0	0,0	0,0	6,6	6,0	59,6	
Rps6	78	15	9,1	-6,1	0,4	-15,1	0,0	0,0	153,2	113,8	75,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,5	2,8	126,3	175,6	55,7	0,0	0,5	0,0	1,1	0,3	3,1	
Eno1	78	15	53,3	-6,1	0,3	-22,9	0,0	0,0	691,0	688,6	407,4	104,9	55,6	32,8	11,6	12,7	6,5	635,7	756,5	327,4	179,8	48,4	68,2	8,8	5,4	5,0	
Srd5a1	78	15	25,6	-5,5	0,3	-20,1	0,0	0,0	391,1	296,4	202,8	4,3	5,7	4,9	3,9	11,2	10,2	387,2	417,5	160,3	5,9	6,7	9,7	1,1	4,7	6,3	
Pgam1	78	15	4,2	-6,7	0,5	-13,5	0,0	0,0	71,7	70,4	34,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	64,2	78,4	28,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	
H2afj	78	15	3,4	-6,4	0,5	-12,7	0,0	0,0	55,4	58,4	26,8	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	49,7	62,1	19,5	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	
Ppp4r3b	78	15	9,3	-2,9	0,2	-16,0	0,0	0,0	143,4	127,2	66,7	0,0	0,0	0,0	11,6	12,0	23,3	107,7	151,3	45,0	0,0	0,0	0,0	8,8	6,0	19,5	
Rras	78	15	8,2	-2,5	0,2	-14,6	0,0	0,0	101,0	101,8	57,4	0,0	0,0	0,0	7,7	16,5	22,4	99,4	140,5	49,8	0,0	0,0	0,0	16,5	7,9	17,6	
Hps4	78	15	4,2	-4,3	0,4	-1	0,0	0,0	68,4	73,3	27,8	0,0	0,0	0,0	1,9	1,5	4,7	51,8	74,3	17,6	0,0	0,0	0,0	1,1	1,3	3,1	

Rpl17	8 9	1 5	7,9	-3,9	0, 5	- 7, 4	0,0	0, 0	12 7,1	85, 3	61, 1	0,0	0,0	0,0	0,0	3,7	17,7	120 ,1	114, 8	46,9	0,0	0,0	0,0	0,0	1,9	20,7
Rpl21	8 9	1 5	10,7	-3,2	0, 3	- 9, 8	0,0	0, 0	13 6,9	113 ,8	101 ,8	0,0	0,0	0,0	5,8	8,2	41,0	126 ,3	163, 5	59,6	0,0	0,0	0,0	5,5	3,5	29,5
Rpl28	8 9	1 5	37,1	-3,7	0, 2	- 1 5, 8	0,0	0, 0	46 9,3	375 ,7	348 ,1	6,4	5,7	9,8	29, 0	41,9	41,0	548 ,7	520, 1	278, 5	7,4	7,7	17,9	13,2	28,4	30,8
Cd59b	8 9	1 5	3,3	-6,4	0, 5	- 1 2, 5	0,0	0, 0	48, 9	38, 9	41, 7	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	35, 2	60,8	29,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0
Awat1	8 9	1 5	7,0	-3,8	0, 2	- 1 5, 3	0,0	0, 0	10 4,3	70, 4	66, 7	0,0	0,0	0,0	7,7	8,2	10,2	93, 2	124, 3	49,8	0,0	0,0	0,0	3,3	2,8	5,7
Rpl31	6 5	1 6	15,8	-2,7	0, 6	- 4, 7			16 6,2	113 ,8	104 ,6	0,0	0,0	0,0	7,7	6,7	116, 4	188 ,4	164, 8	79,2	0,0	0,0	0,0	4,4	3,5	135, 6
Rpl5	6 5	1 6	15,4	-2,2	0, 5	- 4, 1	0,0	0, 0	14 9,9	104 ,8	76, 8	0,0	0,0	0,0	9,7	12,0	211, 4	149 ,1	148, 6	63,5	0,0	0,0	0,0	7,7	4,1	102, 3
Rps12	6 5	1 6	46,4	-3,1	0, 5	- 5, 8			49 5,4	375 ,7	196 ,3	40, 7	60, 2	50,8	5,8	17,2	270, 1	550 ,8	497, 2	153, 4	35, 4	42,7	74,7	6,6	9,2	334, 0
S100a4	7 5	1 6	70,0	-0,8	0, 1	- 6, 5	0,0	0, 0	93 8,7	740 ,9	237 ,0	0,0	0,0	0,0	278 ,3	295, 0	378, 1	791 ,0	629, 6	184, 7	0,0	0,0	0,0	287, 7	134, 1	365, 4
Rps24	7 5	1 6	41,0	-0,8	0, 1	- 5, 5	0,0	0, 0	53 7,8	300 ,9	187 ,9	0,0	0,0	0,0	179 ,7	164, 0	212, 3	412 ,1	389, 1	150, 5	0,0	0,0	0,0	159, 2	84,3	194, 6
Serpnb6a	7 5	1 6	9,4	-0,2	0, 2	- 1, 2	0,2	0, 3	11 0,8	100 ,3	19, 4	0,0	0,0	0,0	52, 2	47,2	49,4	120 ,1	83,8	12,7	0,0	0,0	0,0	60,4	24,9	60,9
Atp5j2	7 6	1 6	30,6	-0,9	0, 5	- 1, 8	0,1	0, 1	29 6,6	224 ,5	7,4	0,0	0,0	0,0	87, 0	115, 3	122, 0	472 ,1	402, 6	9,8	0,0	0,0	0,0	117, 5	62,2	120, 5
Rpl36a1	7 6	1 6	17,6	-1,5	0, 2	- 7, 0	0,0	0, 0	22 1,6	154 ,2	98, 1	0,0	0,0	0,0	54, 1	62,9	59,6	213 ,3	205, 3	69,4	0,0	0,0	0,0	51,6	37,6	47,1
Lox11	7 6	1 6	11,2	-1,3	0, 3	- 4, 8	0,0	0, 0	13 3,6	92, 8	40, 7	0,0	0,0	0,0	19, 3	21,7	45,6	167 ,7	162, 1	37,1	0,0	0,0	0,0	42,8	23,0	64,7
Ifitm3	7 6	1 6	10,4	-1,7	0, 1	- 1	0,0	0, 0	14 9,9	112 ,3	48, 1	0,0	0,0	0,0	52, 2	25,5	18,6	155 ,3	122, 9	35,2	0,0	0,0	0,0	50,5	15,5	19,5

						1, 5																				
Hp	7 6	1 6	8,5	-1,4	0, 3	- 4, 5	0,0	0, 0	11 0,8	94, 3	6,5	0,0	0,0	0,0	27, 1	9,7	13,0	165 ,7	109, 4	12,7	0,0	0,0	0,0	88,9	6,3	35,8
Zkscan3	8 5	1 6	38,3	-0,7	0, 2	- 3, 9	0,0	0, 0	32 2,7	308 ,4	162 ,0	0,0	0,0	0,0	172 ,0	175, 2	216, 1	339 ,6	366, 1	142, 7	0,0	0,0	0,0	170, 2	94,7	192, 7
Jun	8 5	1 6	37,9	-0,6	0, 2	- 3, 8	0,0	0, 0	36 8,3	312 ,8	149 ,1	0,0	0,0	0,0	193 ,2	199, 9	181, 6	271 ,3	435, 0	122, 2	0,0	0,0	0,0	175, 7	100, 1	168, 3
Qdpr	8 5	1 6	17,4	-0,7	0, 1	- 4, 7	0,0	0, 0	15 3,2	218 ,5	74, 1	0,0	0,0	0,0	77, 3	86,9	112, 7	134 ,6	221, 6	52,8	0,0	0,0	0,0	79,1	38,8	82,2
Nme2	8 5	1 6	16,6	-0,4	0, 1	- 2, 9	0,0	0, 0	14 6,7	116 ,8	62, 0	0,0	0,0	0,0	81, 2	95,8	95,9	157 ,4	172, 9	61,6	0,0	0,0	0,0	84,5	56,5	76,0
Snx9	8 5	1 6	14,4	-0,9	0, 1	- 6, 5	0,0	0, 0	12 0,6	131 ,7	73, 1	0,0	0,0	0,0	50, 2	56,9	87,5	122 ,2	191, 8	63,5	0,0	0,0	0,0	54,9	36,3	77,9
Car13	8 5	1 6	11,3	-0,6	0, 2	- 4, 0	0,0	0, 0	81, 5	121 ,2	66, 7	0,0	0,0	0,0	79, 2	68,9	44,7	76, 6	124, 3	37,1	0,0	0,0	0,0	53,8	32,5	31,4
Gnas	8 5	1 6	9,9	-0,3	0, 1	- 2, 2	0,0	0, 0	75, 0	61, 4	35, 2	0,0	0,0	0,0	42, 5	49,4	54,9	93, 2	112, 1	41,0	0,0	0,0	0,0	42,8	39,1	69,7
Txn1	8 6	1 6	22,4	-1,2	0, 2	- 7, 1	0,0	0, 0	28 6,8	287 ,4	92, 6	0,0	0,0	0,0	92, 8	134, 0	82,0	238 ,1	341, 8	63,5	0,0	0,0	0,0	73,6	46,1	52,7
Chil1	8 6	1 6	9,2	-1,1	0, 2	- 4, 7	0,0	0, 0	94, 5	139 ,2	16, 7	0,0	0,0	0,0	94, 7	33,7	11,2	101 ,5	135, 1	9,8	0,0	0,0	0,0	39,5	11,7	17,0
Ifitm2	8 6	1 6	8,5	-2,0	0, 2	- 1 1, 1	0,0	0, 0	97, 8	115 ,3	51, 8	0,0	0,0	0,0	32, 8	17,2	16,8	97, 3	136, 4	35,2	0,0	0,0	0,0	36,2	9,5	18,2
Snd1	8 6	1 6	9,1	-1,6	0, 2	- 8, 4	0,0	0, 0	10 1,0	109 ,3	54, 6	0,0	0,0	0,0	30, 9	21,0	33,5	97, 3	144, 6	44,0	0,0	0,0	0,0	35,1	18,0	33,9
Rps3a1	9 6	1 6	159, 4	-1,5	0, 2	- 7, 4	0,0	0, 0	## ## #	### ### ##	### ### ##	0,0	0,0	0,0	570 ,0	438, 0	696, 6	### ##	### ##	810, 2	0,0	0,0	0,0	410, 6	213, 1	569, 4
Grcc10	9 6	1 6	21,4	-1,0	0, 2	- 6, 3	0,0	0, 0	17 6,0	214 ,0	100 ,0	0,0	0,0	0,0	54, 1	86,9	126, 7	182 ,2	337, 7	105, 6	0,0	0,0	0,0	63,7	60,9	106, 1
Micos13	9 6	1 6	19,1	-1,3	0, 2	- 7, 2	0,0	0, 0	15 6,4	190 ,1	122 ,2	0,0	0,0	0,0	65, 7	87,6	103, 4	147 ,0	278, 3	123, 1	0,0	0,0	0,0	50,5	40,1	61,5

Abca8a	9 6	1 6	8,6	-2,3	0, 3	- 8, 5	0,0	0, 0	55, 4	76, 3	73, 1	0,0	0,0	0,0	3,9	3,7	46,6	47, 6	182, 4	72,3	0,0	0,0	0,0	16,5	8,2	60,3
Vbp1	9 6	1 6	11,3	-1,6	0, 2	- 8, 6	0,0	0, 0	94, 5	101 ,8	65, 7	0,0	0,0	0,0	29, 0	27,7	58,7	109 ,7	183, 7	65,5	0,0	0,0	0,0	27,4	15,2	53,4
Atp5j	9 6	1 6	8,7	-1,4	0, 2	- 5, 6	0,0	0, 0	71, 7	73, 3	60, 2	0,0	0,0	0,0	17, 4	34,4	36,3	80, 8	102, 7	80,1	0,0	0,0	0,0	26,4	20,8	37,7
Cox6a2	5 5	1 7	6,2	-2,9	0, 6	- 5, 2	0,0	0, 0	45, 6	7,5	1,9	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	7,5	122 ,2	81,1	105, 6	0,0	0,0	0,0	19,8	5,1	28,9
Car3	5 5	1 7	7,2	-2,4	0, 3	- 8, 5	0,0	0, 0	48, 9	41, 9	43, 5	0,0	0,0	0,0	3,9	1,5	14,0	70, 4	75,7	138, 8	0,0	0,0	0,0	15,4	9,5	46,5

Table S7. Sequences of oligonucleotide primers used for *in situ* hybridization experiments

Primer	Species	Forward	Reverse
<i>Slpi</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaTTGGGACT AGTCATCGGAGC	GAGtaatacgactcactatagggGGCATT CCCAGGCTTCTTC
<i>S100a8</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaAGTCCTTC AGCAACTTGGTT	GAGtaatacgactcactatagggCCAGCAC AATGAACTCCTCG
<i>Fn1</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaCCAGATGC AAGTGACGGATG	GAGtaatacgactcactatagggTGCCAG GAAGCTGAATACCA
<i>Krt73</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaCGGAGTCT CTACAGCCTGAG	GAGtaatacgactcactatagggAATTAC TTGCGCTACCCAG
<i>Lum</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaTTAGTCGG TAGTGTCAGTGGC	GAGtaatacgactcactatagggACCCAC TATCAGCCAGTTC
<i>Col1a2</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaGGTGAAAA GGGTCCCTCTGG	GAGtaatacgactcactatagggAATCGCT GTTCCACTCTGGG
<i>Cd209a</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaCTGCCCCCT GGGACTGGAC	GAGtaatacgactcactatagggCAGTCTT CCTCTCCCAGGTTGTT
<i>Clec4g</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaagggaacctattgtccaag gcctcca	GAGtaatacgactcactatagggatcatgacac agttctcgcg
<i>Cd74</i>	<i>Acomys</i>	GAGattaaccctcactaaaggaAGAACCTG CAACTGGAGAGC	GAGtaatacgactcactatagggGGGAAC ACACACCAGCAGTA