**DB53\_length\_2826\_mean\_cov\_22.2505307856**

CCTTGGCAGTCATTAATTCCTCCGTTA|TCCACAGCAAACCCATTTCCTTGCAACTGTTCTGTAATTTCCAGACCTCCTGAATTTTGGA  
 >chr8:77880404-77880870 - E=1e-234   
GCCATATCACACAATCCCAATGCCAGGAACATAAGGACTTTTTAAAAGGTCTGTGCTTAGTCTCTTTAATAGGATTGAATATCACTTGC  
   
GGCCTCATTGGTTTTATTTTTTTAAAATTAAGAAATCAGACTCCTTTTCTTTCCTATATATGTTGATTCCACACATGGGTGGATAACTG  
   
GTAGCAAATTCAAAACCAACAGATTTCTTCGTATTTGAAACAATGACATTCATTCTTTTCCCTGGAATCAAAGCAGAAATATTAAGAGA  
   
AACAAAAGTTTTCCCAAACCTAAATCCTTTTTCTTCAATCGTGCTTAAATTCACTCTTTTTTTACCCCAGAGTAAGGAAGTCAGGCAGA  
   
GGGCTGGGGGAAATTCAGGAAGTGTCCATCTGTCAATTAATGGAGCTCC|TG|GGCTCACTGCAACCTCTGCCTACCGGCT|CTCAATG  
 >chr7:56606105-56606133 + E=2e-04   
CCGGTAGCACTTTCCCATTCCCAGGTGTGCCAATTAAAAGGATCTCCAAATATTGTCAAAATTTCCCTGTGAGTCAAATTGCCCTCATT  
 >chr17:68800276-68800426 + E=9e-78   
TGAAAACCAAAAGCTTCAAATCCTCTAAAAATGCCCTGTTTTTGTAATAGTATG|CACCCATGCTGCAATGGAAGCTGGGTCAAGGAGC  
 >chr8:77874454-77874720 - E=2e-1  
GGCATTGGAGCTGAAATTCAGGCTGCACTCTATGTGCCAAGTGTTGGACCCCAACACTGGGACTGTATCCACCCATAGAAGAAGGTGTC  
47   
TTTTTATAATTTTCATGAAGGTACTTCCATTTGGTCCACTCGTCATGCTTTTTATCTATGCGATTTAGTTTATCTCAAGAAGGAACCTT  
   
CCGCTTATTGAGACAAAGTTGTCACCTGAGTTTAGGGGACCTGTGTTCTT|TACA|CGATCCTACTAATCCTACTAATGGGCATTTGCA  
 >chr8:79035228-79035307 - E=4e-35   
CTTGCTGCTATTTCTCCCTTAAAAAACTAATGGCTCAAATAT|GCAC|GCATGTACATACAAATACCTGCATATTTAACA|AAACATAT  
 >chr8:77987619-77987651 + E=7e-07 p=4e-  
G|CATTAGACAAAACCAAACTCAAGTTATCAGTGGAAGAAATCTACCTGAGGAAAA|AC|TTCCTTCAGAAGAGAGAGAAGAGGGAAAA  
02 >chr8:77880344-77880398 + E=4e-17 >chr17:68799113-68799460 - E  
TTTAAAGAGATAATAACCAATAATTATTTTAAAAGAATGAATGAAAATATAGACATGATGAAATTACATAAACAAAAGGCAAGATCCAA  
=4e-196 p=0e+00   
CTATATATTGTCTACAAAAAAAACATTAGAAATGTAAAACCTTAGAGTGACTAAAGTAAAAGGAACCACATCATAAACAAAAAACAAAA  
   
AAGGTGGAATTACTATATTCATATCAGATAAATTAGACTGGATAAAAGGAATATTACCAGAAATAATGAGGGACATTACAAAATGATAA  
   
CAAGGTTAGTTCACCAAAGATATAATTTAAATATGTATGCACCTTAAA|ACA|CACACACACACACTCACTTTAGAAAACGCATTGTAA  
 >chr17:68799723-68799914 - E=2e-102   
AAGATAAAACAATCAGCAGAACCAGAATGAAAATTGACACAGACGGTTGAACAGCCAGAGAAATATTTTAAAATATGTATGATTAATAT  
   
AATTATGCTGCTATATTATAAAAAGCTAGACACAAATGCATGAACAGATGGGAATTTC|AGCAG|CTAAAATTAATTCGGAAGAGTTAA  
 >chr8:81611511-81611585 - E=  
CATTTACCACTTTTTCTACAAGATTTCTTCAAAATGGAAATGAAG|AACTATGGTGAATGAGTTCAAGAAAAAGGGATTTCAATTTTTT  
4e-32 p=3e-02 >chr8:81031815-81032044 + E=3e-122 p=5e-0  
ACTTTATACCTTGCTGTTCATGTAAAATTTGTTTCACACCATGTGAAAGAAAATATAAGCTTCTTTAAAATTAAAAGAATATATGGCCT  
2   
TTAAAACCACACAGTACTGGCATAAGAATAAACAAAACATTTGAAACAAGTCCAGAAATAGATCCACAAATATAAAGGAATTTAATGTA  
   
T|GAAAATA|TGGGAATGCAGGCACATAATCTAGCCAA|CTC|ACTTTTCCATTATGCCTCTGTCGTCAGAATACTTCCGAGATTTGGA  
 >chr8:77875356-77875391 - E=1e-08 >chr17:68549007-68549330 + E=1e-181   
AGATAGTGACTCCACTTGGGATGGCTCTGAGGTCCTGCTCCTTCTTGGTATTTTGATAGAAAAGCCTTTTGCCACTCAAAGGGGAATTT  
   
CTAAAAGAAACTTCAAACCACACAATTACTTTAAAAGGGTGATCACACAGTAATACATTGAATGATGCCTGGCCAGGATCTAACAAACT  
   
TGTCTGTTTCCCTCTTTGTTGTGTCTGGGAGACAGAAAGACAGCCTGGCCATTCTCATGGCAAACTGTCATTAAATTATATCAAGTGTA  
   
AATAGTTGTG|CAGATATCAACATAGGG|ACAATTGTCATATGCCCATTTGCCCAGCACTGTGTCTTTTATTAGTATACTCCACAAATG  
 >chr8:78542358-78542502 - E=4e-71   
ATGATTAAATGCCTTCCATGTATTAGGCACCATGATGAATTTTAATCCTATGTCAGGTGCAGAAAGCGGTGTTAAATTTCTTGT|GC|A  
   
CATACATAACACTTAGGATATGACACTAGGTATGTGTGGAAGGGTGGGCTGGAGGGTGGTTGCTAATAAAGATAATATGAGAGGCCACT  
>chr8:85360113-85360474 - E=1e-201   
CCTTCCCTTTTGGAGTCCCTTACCAGTAATTTAACATAAAACTGACATTATTCCCTGGTCACTCATGTATAAATTTAACTATATGTTAT  
   
GACAAATGATCTAGTAAACAAAATCTTTCTCTCAAAGATTACCAGGCAGTGCTCTCTCTCTCTCTCCTCACTCTCGCTCTCTCTGTTGC  
   
TAATACACAAAACCTTACATTTTCTTCCCCTAGCCCCTGTAATATTATACATTATAATGCGTTCACTTCCTCCATGTCAGTCTTTCTCA  
   
CTAG