**DB53\_length\_2061\_mean\_cov\_25.3551673945**

ATAAAGGGTCCCAAATTTTCAGATTCTGAAGTTATTTTGAAAACTTTTAAATATACTCTCGTCTCCCTGCTTTTCATCAGTCCATTGAC  
 >chr8:80743125-80743506 - E=1e-216   
CAATCACTCTGGTTATCAATGCACCTATTTCCAGAAATTCTTCTACCCTAATTTTCTGATGTTCAGTGTTTACTGTGAGCATAGAAGAC  
   
CAATATAGACACACACTTACACGTGTGTGCATGCAGATGTGCATTAGAACTGTGTGTAGAGAGGTTTGAGGAGGTACCTGAGAGTTTCC  
   
TATGAGTAAATGGAATATGTTATGAGTTCTCTGTTTTGGTTTTCCAGAGACTGCTTTTGTTAAATTTTTTGCTCATTTTAGGAATAGAA  
   
AGTTGCAAGACAAATGAGTTTAATA|TGCT|CCTGTTCTGAGTAAGAATACATTCAAGTCTTATAGTTTCATGGCTTAAAGAAATCCAA  
 >chr8:88456778-88456965 - E=4e-100   
GGTTGATTCAATTTATGTGTATAAAGTCTGAAGGTAACTGGTCCAATTCACCGATGTAGTTCAGAAAGTGGGCTCTTGCTGTCTTTATG  
   
GTACAACATCTCTTTTTGTGCTACATGTTAACAATATGGT|GTAAGTGA|TGGCAACTGGCTCATGGAGAAGCAGCTGCTGGTCCCTCA  
 >chr8:81610164-81610367 + E=9e-110   
CTAGAGTTTCCAGTCGGTGCTTTGGCAAAGATACTGCTCATTACATAATGAGTCTTGGCCAGACTGTCCACAAATAGAAAAGCCTAGAG  
   
TGCTTGTTTGGATTCTACGTTTAAGAGTTTATGCTTTCAATACTCACTCTTGGAGCACTAGGGCTGTGCTAGAC|A|CACTAGAAATGT  
 >chr17:68800  
CAAGTAGTGTTGGAGGAGAGACA|AGA|GTTTCACTCTGTTGCCCAGGCTGGAGTGCAATGGTGCGATCTCGGTTCAGTGCAGCCTCTG  
498-68800537 - E=3e-11 >chr8:81120982-81121211 - E=2e-125 p=0e+00   
CCTCCCAGGTTCCAGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAGGCATGCGCCACCACACTCGGCTAATTTTTTTGT  
   
ATGTTTAGTAGAGATGGGGTTTCATCATGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACTTCAAATCATCTAC|CCACC|CTGATAATTTT  
 >chr17:68550119  
TTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTGGCCATGTTGGGCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTAAGCCACCTGCCTAGGCCTCC  
-68550412 - E=7e-164   
CAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACACAATTTTGACTGAAAAATTAAAGGTGAGTAAACTTTCCCCTTGATAGGTGCAAAAACT  
   
GTTGTGCACAAATCAGCTGCAGACAAGAACAGAGCTTTCAATGAAAATTTTAAACAAATAGAATCAAGATCCTGAAGTATTCTTCAAAG  
   
AATTGTAACA|AA|TTTGTGAGCAATATTTATTACATATACATTCAAGCTGGGTTTTGTTCTGTTTTTTTTTGAAGAGGATATATTAAT  
 >chr8:78552342-78552425 + E=3e-26   
AACT|CCTGGGCTCA|AGTTTCTGCTTCTAGGCTTTTGGCTGGGCAGCTGCTGCCTTCCAACAGGAAATTTATTAAAATGCATTTCAAT  
 >chr8:79142093-79142205 - E=4e-55   
CCTACAAAAGTCTATCTGGCATTGGTTATTAATTTTGCT|CTGTGGATTG|TGTATTTAGTGAAAGAGAAACAAACAAACAAAA|ACG|  
 >chr8:78542328-78542361 - E=1e-07   
GTTTCAATTCAGTAAGAGAATTAAAGAAATATAAGAAAATAAAACTCTATTAGGGATGTGATTATGTCAGATTAATTCTTTGTTTTCAA  
>chr8:85465838-85466316 - E=3e-270   
GGCATTTTAAAAAGCATTTTGTATTCTAAAGTATTTGAAAATAGTTATGTGTATGGAAAGATGATTCATCTTAACAGCAAATGTTTGTG  
   
TAACACTTAAATTTTCTGCTTCTACTACTTAAAGTCACTTGGCTAATAATATTTAAATATTAACATAGATATACACGTAAGAAATAAAA  
   
TAGACAGTATAGGCAAAATACATTAATTTTCTTAAAGGACCACTGCCACCTGTAGCTTGATTTTACTTTGGATATTTAATAAATTTTCA  
   
CTCCTTTTTTTTTCCAGGCACAATAAGAAAATGTTACTTTAGAGGTTACAAAATAATTTAATAGATATTCTTTTAGAAATACTTCCAAT  
   
TCTTAACTGTGCTATTTTTACCTTGAAACAAT