

VNTR	Simulated Genotype	RU Count Discrepancy		
		PacBio Dataset	Illumina Dataset	
		adVNTR	Expansion Hunter	adVNTR
<i>MAOA</i>	1/1	0/0	-/-	0/0
<i>MAOA</i>	1/2	0/0	0/-1	0/0
<i>MAOA</i>	1/3	0/0	0/-2	0/0
<i>MAOA</i>	1/4	0/0	0/-3	0/0
<i>MAOA</i>	1/5	0/0	0/-4	0/0
<i>MAOA</i>	2/2	0/0	-1/-1	0/0
<i>MAOA</i>	2/3	0/0	0/-1	0/0
<i>MAOA</i>	2/4	0/0	-1/-3	0/0
<i>MAOA</i>	2/5	0/0	-1/-4	0/0
<i>MAOA</i>	3/3	0/0	-2/-2	0/0
<i>MAOA</i>	3/4	0/0	-2/-3	0/0
<i>MAOA</i>	3/5	0/0	-2/-4	0/0
<i>MAOA</i>	4/4	0/0	-3/-3	0/0
<i>MAOA</i>	4/5	0/0	-3/-4	0/0
<i>MAOA</i>	5/5	0/0	-4/-4	-1/-1
<i>GP1BA</i>	1/1	0/0	0/0	0/0
<i>GP1BA</i>	1/2	0/0	0/0	0/0
<i>GP1BA</i>	1/3	0/0	0/-1	0/0
<i>GP1BA</i>	1/4	0/0	1/-2	0/-1
<i>GP1BA</i>	2/2	0/0	0/0	0/0
<i>GP1BA</i>	2/3	0/0	0/-1	0/0
<i>GP1BA</i>	2/4	0/0	0/-2	0/-1
<i>GP1BA</i>	3/3	0/0	-1/-1	0/0
<i>GP1BA</i>	3/4	0/0	-1/-2	0/0
<i>GP1BA</i>	4/4	0/0	-2/-2	-1/0
<i>CSTB</i>	1/1	0/0	-/-	0/0
<i>CSTB</i>	1/2	0/0	1/0	0/0
<i>CSTB</i>	1/3	0/0	2/0	0/0
<i>CSTB</i>	1/4	0/0	3/0	0/0
<i>CSTB</i>	1/5	0/0	4/0	0/0
<i>CSTB</i>	1/6	0/0	4/-1	0/0
<i>CSTB</i>	1/7	0/0	3/-3	0/0
<i>CSTB</i>	1/8	0/0	4/-3	0/0
<i>CSTB</i>	1/9	0/0	3/-5	0/0
<i>CSTB</i>	1/10	0/0	4/-5	0/0
<i>CSTB</i>	1/11	0/0	4/-6	0/0
<i>CSTB</i>	1/12	0/0	4/-7	0/0
<i>CSTB</i>	1/13	0/0	4/-8	0/0
<i>CSTB</i>	1/14	0/0	3/-10	0/-1
<i>CSTB</i>	2/2	0/0	0/0	0/0
<i>CSTB</i>	2/3	0/0	1/0	0/0
<i>CSTB</i>	2/4	0/0	1/-1	0/0
<i>CSTB</i>	2/6	0/0	3/-1	0/0
<i>CSTB</i>	2/8	0/0	3/-3	0/0
<i>CSTB</i>	2/10	0/0	3/-5	0/0
<i>CSTB</i>	2/12	0/0	3/-7	0/0
<i>CSTB</i>	2/14	0/0	3/-9	0/-1
<i>CSTB</i>	3/3	0/0	-1/-1	0/0
<i>CSTB</i>	3/4	0/0	2/1	0/0
<i>CSTB</i>	3/6	0/0	2/-1	0/0
<i>CSTB</i>	3/8	0/0	2/-3	0/0
<i>CSTB</i>	3/10	0/0	2/-5	0/0

Table S4: **RU count genotyping results on simulated data.** For two cases, (*MAOA* 1/1 and *CSTB* 1/1) Expansion Hunter doesn't find any RU count.