

Supplementary Table S2. Summary of p-values obtained from t-tests comparing methylation percentages detected by pyrosequencing analysis.

Bone marrow

Gene	Normal vs MDS(<i>RUNX1</i>)	Normal vs MDS(<i>NHD13</i>)	<i>RUNX1</i> vs <i>NHD13</i>
<i>Cdh13</i>	0.001	<0.0001	0.964
<i>Esr1</i>	<0.0001	<0.0001	0.492
<i>Pgr</i>	<0.0001	0.022	0.348
<i>Asic2</i>	<0.0001	<0.0001	0.277
<i>Barhl2</i>	0.004	<0.0001	0.407
<i>Colec12</i>	0.001	0.001	0.679
<i>Crb3</i>	0.004	<0.0001	0.0001
<i>Gng11</i>	0.910	0.025	0.323
<i>Hoxa2</i>	<0.0001	<0.0001	0.007
<i>Hoxc12</i>	<0.0001	<0.0001	0.149
<i>Hs3st2</i>	<0.0001	<0.0001	0.017
<i>Kcnma1</i>	<0.0001	<0.0001	0.726
<i>Ky</i>	0.0003	<0.0001	0.154
<i>Lrig3</i>	0.004	<0.0001	0.822
<i>Syt10</i>	0.0004	<0.0001	0.686
<i>Tlx3</i>	0.001	<0.0001	0.362
<i>Tmem229a</i>	0.001	<0.0001	0.195
<i>Cdh4</i>	0.069	<0.0001	0.314
<i>Cdkn1c</i>	<0.0001	<0.0001	0.811
<i>En2</i>	0.224	0.158	0.358
<i>Gata5</i>	<0.0001	0.007	0.854
<i>Gpr37</i>	<0.0001	<0.0001	0.468
<i>Grm7</i>	<0.0001	0.017	0.144
<i>Lrrtm1</i>	0.003	0.019	0.913
<i>Nptx2</i>	<0.0001	<0.0001	0.983
<i>Pax3</i>	0.035	0.007	1.000
<i>Pcdh10</i>	0.0004	<0.0001	0.537
<i>Sox11</i>	<0.0001	<0.0001	0.053
<i>Tmeff2</i>	0.682	0.005	0.160
<i>Twist2</i>	0.607	<0.0001	0.005
<i>Wt1</i>	0.026	<0.0001	0.231
<i>Bmi1</i>	<0.0001	<0.0001	0.996
<i>Elovl2</i>	<0.0001	<0.0001	0.121
<i>Fbn1</i>	0.018	<0.0001	0.063
<i>Hand2</i>	<0.0001	<0.0001	0.520
<i>Klf14</i>	0.023	0.008	0.349
<i>Pou4f2</i>	0.048	<0.0001	0.570
<i>Prdm5</i>	0.824	0.049	0.612
Ave all hyper	<0.0001	<0.0001	0.302
<i>Espnl</i> -py1	<0.0001	0.001	0.968
<i>Espnl</i> -py2	<0.0001	0.009	0.287
<i>Lims2</i> -py1	0.002		
<i>Lims2</i> -py2	<0.0001	0.453	0.035
<i>Olfr368</i> -py1	0.347	0.019	0.131
<i>Olfr368</i> -py2	0.075	0.014	0.131
LINE-1	<0.0001	0.562	0.001
SINE B1	0.011	0.038	0.030
Major Satellite	0.835	0.172	0.081

Spleen

Gene	Normal vs MDS(<i>RUNX1</i>)	Normal vs AML(<i>NHD13</i>)	MDS(<i>RUNX1</i>) vs AML(<i>NHD13</i>)
<i>Cdh13</i>	<0.0001	<0.0001	0.002
<i>Esr1</i>	0.231	0.144	0.883
<i>Pgr</i>	0.0003	<0.0001	0.051
<i>Asic2</i>	<0.0001	<0.0001	0.893
<i>Barhl2</i>	<0.0001	<0.0001	0.033
<i>Colec12</i>	<0.0001	<0.0001	0.184
<i>Crb3</i>	0.036	<0.0001	0.001
<i>Gng11</i>	0.048	<0.0001	0.002
<i>Hoxa2</i>	<0.0001	<0.0001	<0.0001
<i>Hoxc12</i>	<0.0001	<0.0001	0.003
<i>Hs3st2</i>	0.0002	<0.0001	0.130
<i>Kcnma1</i>	<0.0001	<0.0001	0.150
<i>Ky</i>	0.0005	<0.0001	<0.0001
<i>Lrig3</i>	0.083	<0.0001	0.004
<i>Syt10</i>	0.001	<0.0001	0.002
<i>Tlx3</i>	<0.0001	<0.0001	0.005
<i>Tmem229a</i>	0.002	<0.0001	0.0003
<i>Cdh4</i>	0.002	<0.0001	0.002
<i>Cdkn1c</i>	<0.0001	<0.0001	0.022
<i>En2</i>	0.303	<0.0001	0.0003
<i>Gata5</i>	0.009	<0.0001	0.003
<i>Gpr37</i>	<0.0001	<0.0001	0.0002
<i>Grm7</i>	<0.0001	<0.0001	0.075
<i>Lrrtm1</i>	0.394	<0.0001	0.0004
<i>Nptx2</i>	0.004	<0.0001	<0.0001
<i>Pax3</i>	<0.0001	<0.0001	0.001
<i>Pcdh10</i>	0.217	<0.0001	<0.0001
<i>Sox11</i>	<0.0001	<0.0001	0.008
<i>Tmeff2</i>	0.032	<0.0001	0.020
<i>Twist2</i>	0.829	<0.0001	<0.0001
<i>Wt1</i>	<0.0001	<0.0001	<0.0001
<i>Bmi1</i>	<0.0001	<0.0001	0.094
<i>Elovl2</i>	<0.0001	<0.0001	0.035
<i>Fbn1</i>	0.006	<0.0001	0.001
<i>Hand2</i>	<0.0001	<0.0001	0.021
<i>Klf14</i>	0.0003	<0.0001	0.094
<i>Pou4f2</i>	0.039	<0.0001	<0.0001
<i>Prdm5</i>	0.034	<0.0001	0.104
Ave all hyper	<0.0001	<0.0001	<0.0001
<i>Espnl</i> -py1	<0.0001	<0.0001	0.963
<i>Espnl</i> -py2	<0.0001	<0.0001	0.593
<i>Lims2</i> -py1	<0.0001	<0.0001	0.424
<i>Lims2</i> -py2	0.013	0.038	0.009
<i>Olfr368</i> -py1	<0.0001	<0.0001	0.115
<i>Olfr368</i> -py2	<0.0001	<0.0001	0.391
LINE-1	0.004	0.012	0.003
SINE B1	0.976	<0.0001	0.0003
Major Satellite	<0.0001	0.0002	0.055