

Supplementary Table 1: Genomic Locations of SVA_{F1}s

chr	start	stop	strand	length	M2seq (nt)	M2pos
15	73559850	73561679	+	1829	382	78
17	39612565	39614470	+	1905	379	81
1	33289171	33291677	+	2506	364	96
3	48227065	48229593	+	2528	364	96
6	134026804	134029037	+	2233	364	96
10	101587212	101590227	-	3015	364	96
14	104648162	104650432	-	2270	364	96
19	13674257	13676395	+	2138	364	96
19	35081079	35084803	-	3724	364	96
3	11503302	11505131	-	1829	362	98
6	43655617	43657620	-	2003	362	98
9	38231233	38233610	+	2377	362	98
12	40906913	40909503	+	2590	362	98
19	20377011	20379419	+	2408	362	98
9	122296858	122299533	+	2675	352	108
5	75502353	75504646	+	2293	335	125
5	167218125	167220644	+	2519	335	125
5	177877497	177878735	-	1238	335	125
9	114315552	114318008	+	2456	334	126
4	158776420	158778647	-	2227	301	159
1	46478469	46481210	+	2741	298	162
X	71817172	71819522	+	2350	296	164
19	22899909	22903251	+	3342	287	173
8	128397069	128399330	+	2261	285	175
1	27016320	27018419	+	2099	235	225
1	213108559	213110629	-	2070	230	230
14	49610280	49611403	+	1123	180	280
7	25023988	25026378	+	2390	158	302
17	55982871	55985034	+	2163	153	307
3	107312063	107314309	-	2246	148	312
6	34472634	34474900	+	2266	148	312
8	88839	90728	-	1889	148	312
8	9551534	9553359	-	1825	148	312
8	95671518	95673779	+	2261	148	312
9	135969722	135974124	-	4402	148	312
12	3074294	3075560	-	1266	148	312
12	47011749	47013952	-	2203	148	312
17	20827804	20830122	+	2318	148	312
X	62324688	62326940	+	2252	148	312
X	100113368	100115157	-	1789	148	312
22	39262275	39264536	+	2261	146	314
3	67576400	67578755	+	2355	132	328
1	113241769	113243580	-	1811	128	332
22	39226342	39228778	-	2436	125	335
12	112793985	112795886	+	1901	95	365
20	32280048	32282885	-	2837	92	368
1	24191790	24194125	-	2335	91	369
6	15296613	15298803	+	2190	91	369
8	65760253	65762259	+	2006	90	370

1	54799356	54801407	-	2051	89	371
7	10470868	10472659	-	1791	89	371
8	129906408	129908634	-	2226	89	371
11	45715651	45717381	-	1730	89	371
13	73046360	73048364	+	2004	89	371
3	102640346	102642128	+	1782	88	372
9	36604428	36606089	-	1661	87	373
3	57707670	57709544	+	1874	86	374
15	39461373	39463547	+	2174	82	378
2	113867817	113870074	+	2257	78	382
6	112936229	112936944	-	715	77	383
1	113412889	113415300	+	2411	76	384
2	127592940	127594611	-	1671	76	384
19	20120575	20122584	-	2009	76	384
X	24636417	24638154	-	1737	76	384
X	114487331	114489220	-	1889	76	384
6	87775496	87777309	-	1813	74	386
3	17720411	17722461	-	2050	68	392
3	180319938	180322585	+	2647	68	392
14	34577466	34579235	+	1769	68	392
20	16155176	16157112	-	1936	68	392
2	43377485	43379259	+	1774	64	396
10	76762233	76764016	-	1783	64	396
21	18012826	18015356	-	2530	64	396
15	33735040	33737087	+	2047	50	410
10	24984467	24987008	+	2541	49	411
10	94423464	94425760	-	2296	47	413
3	38097304	38098976	-	1672	35	425
