

Supplemental Figure 10: Palindromic sequences in the genome of *Nostoc punctiforme*

Replicon	Site	Ctx	Left	Right	Copy	Palindrome and flanking region
chrom	219352	P	11	95	37	CAC TTGGATAT TAAGAGTTAGGAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTAC AGGAGTT ATGGAGTAACTAAC
chrom	541827	C	32	128	37	GTAGGGGGAGAA TAATTCCT GTACAGACGCGATTAAATCGCGTCT CTTCTAACTCCC TGATTAGATTTC
chrom	573722	C	5	40	37	GTAATTTAGCGGGAAACG TGAGGGGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTACAATATTAT TTTT TACCC TTA CT
chrom	2319411	P	19	163	37	CGT TAGAAAAGTTACGAGTTAGGAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTTTACAAGAGTT AGGAGTTTT AACTC
chrom	2347701	P	83	30	37	GGGAAGATAG AACTCCT TCTGTACAGACGCGATTAAATCGCGTCT CTCCTAACTCCT AACT TTTT AATTAC
chrom	2348861	P	66	41	37	GCCATCAAATACTAACTCTTGTATAGACGCGATTAAATCGCGTCT CTCTTAAT CGCGTCTC TTTT CC TA A
chrom	2905703	P	41	42	37	CAAA TTTT ATTTGTTATTTGTCATAGACGCGATTAAATCGCGTCTCT AAAA GTGATGAATCGTGCCTC TA
chrom	3180985	P	66	79	37	ATTCTCAAT CTCTAACTCCT TTACAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTACTCATAAAATTCGCTTGTTACG
chrom	3192757	C	12	115	37	GCAAGGGGAAT TAAACAAGTTGTAGAGACGCGATTAAATCGCGTCT TTTT TGGC AAAA TATATCAAGTTTCT
chrom	3401897	D	146	123	37	ATC AAAA TAT TTCTAACTCTT GTAAAGACGCGATTAAATCGCGTCT CTCCTAATTCCC ACCACTAAAGAAA
chrom	3582154	P	39	47	37	AAT AAAACTTCTAACTCCT GTACAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTCCT AACTCCTAACT TATTATTCC
chrom	3693049	I	963	11	37	TCCTCAAA TAGGGCAGAA GCCAGG AGACGCGATTAAATCGCGTCTGTACAAGAATTAGAAAGTAGAGACGC
chrom	3926543	P	10	135	37	ATACAGCAAGGG TG AAAA GTGCTAAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTACAAGAAAGAGTGCTAAGTCAAA
chrom	4417722	P	19	220	37	ATT TAGACGGCAGTCTGTGAGGAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTACTAGGAAGTAGGGAAATCCGAA
chrom	4461859	P	45	69	37	TCTTGAT ACTCCTAACTCCT GTACAGACGCGATTAAATCGCGTCT CTCCTAACT GCCTACTTCCCCACTC
chrom	4499133	C	31	102	37	GTAGTCTATATATCGACTTAGGAAAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTAC AGAGTT GGAAAGTACGAGGGA
chrom	4872817	P	98	72	37	ATTCTAACTCT AACTCCT GTATAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTCTTCCTATTCCGTATTTAGTCGC
chrom	4876717	C	65	35	37	AACTCCTAACTCCT AACTGCATACAGACGCGATTAAATCGCGTCT CTCCCAACTTCTAAG TTATTTAAAC
chrom	4951136	P	95	8	37	TCCTCCTATACGACGCAATTGTACAGACGCGATT ATCGCGTCT CTCCCGATTCTCCACTCCCCGTA GC
chrom	5140423	P	104	73	37	ATCC AAAA TCC AAAA TCGGCAGAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTAC AGAGTT ATGGAGTGTGAGGG
chrom	5324671	I	802	1402	37	CGCGTACCGGATCAATATCT GTAC AGACGCGATTAAATCGCGTCT CTAC TATAAATGCGATTCATCACGT
chrom	5382182	P	20	165	37	CA TAAACAGTGAGTGAGGAGTAGGTAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTACGGGAGTAGAGAATAGGAAATT
chrom	5475452	P	71	523	37	GTTTACTTGGTGCTTTAAATCCCTAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTACCCACCCCAAAATTCAATTAGC
chrom	5480689	P	13	155	37	AGTTGGTGT CAT AAGAGTTAGGAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGT TTTT ATAGATTAATTGTGAAAGG
chrom	5555506	C	91	51	37	ATTCATAAAT CTCTAACTCTT GTACAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTAC CTTAACT TTTT GTACAGACGC
chrom	5555549	C	134	8	37	CGTCTGTACTCTTAAC TTTT GTACAGACGCGATT ATCGCGTCT CTTAATTCTCTCCAGCTGCGGCAGT
chrom	6123451	I	884	381	37	TACTGTCGCCACTTTCCTAGTACAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTCCTCATTACGCCCTATACTTTGG
chrom	6267038	C	65	31	37	GGAATAC AAAA TATCATTCTAACAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTACTGCTA ACTTAACTGGTTGGC
chrom	6487488	P	8	126	37	AGAAAGAAGAGGGT TAAAA GTTAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTACA AGAGTTAGGAGTTAG AGACG
chrom	6728315	I	1591	532	37	AAACTTCGATT AAAAAA TCAGCACAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTCCCCACTCCCATTGTGCCTATCG
chrom	6741444	D	428	59	37	GCTCCTAACTCTTAATTCCTATACAGACGCGATTAAATCGCGTCTCTAGGTCTCTACTCATATTCCCCTA
chrom	7077381	C	7	36	37	CGGCGGCAAA TGAGTTAGGAGTAGAGACGCGATTAAATCGCGTCTGTGCAGGAATT AAAACTCATAACTT

chrom	7162819	P	236	26	37	ACTCCTCACTCCTAATTCTTGTACAGACGCGATTAATCGCGTCTCTGCTTTTAACTTGCCAAATATTCA
chrom	7477838	P	12	201	37	GCATTGTAAAAAAGTGAGGAGTACAGACGCGATTAATCGCGTCTGTACAAAGAGTTAAGGAATAAAGTTA
chrom	7541182	I	411	26	37	TAGTTTTACAGTTGAGCAAGCTACAGACGCGATTAATCGCGTCTCTTAAAAAATAGTATTACTTTTA
chrom	7710703	P	306	30	37	GAACGTAATTCTCTAACTCCTGTACAGACGCGATTAATCGCGTCTCTACTCCTAACTACTTTTTGCTGGG
chrom	7730149	P	86	79	37	TCAGAATACACCTGACTTCTGTACAGACGCGATTAATCGCGTCTCTCCCCACTCCTGACTTCTGACTCC
chrom	103464	P	923	96	14	AGCCGAAACCCTATATTCAGGTAAAGGGCAATTCATGAATTGCCCTACAGCGTATAGTTTTGTGTAAGT
chrom	345777	P	45	86	14	TAAGGCTGGGCTTTATTGATGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACATCGTATAGTTTTGCTTAAGT
chrom	1248522	C	22	151	14	GCCAAACTCTGATTTTCAGGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTTAGTGCGTGTATTTTGCATAAA
chrom	1612684	C	56	33	14	ATCTAAACCCTAGTTTCAAGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTATCTTTAATAAGCAGAAAGCG
chrom	2080398	C	138	108	14	GGGTAACATTTAAATTCCTTATTGGGGCAATTCATGAATTGCCCTAACAGCAGTTATTTTTGCCTAAGT
chrom	4054593	C	94	206	14	TTGGAAAAACACATCTGTCTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACAGTGAGGCTCTATTATCATCA
chrom	4689134	C	121	186	14	TATATATTTTATCCATGTCTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACGACATAATTTCTCAGATAGGT
chrom	5934969	D	312	93	14	GGCAAAGATATACACGAAAGGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACCTGAAATCTTTCTTTTCGCGC
chrom	6105804	C	22	317	14	AATTGGTATAATTGTATTCAGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACCTGAGAATAAGGTTTCAGCT
chrom	6369006	C	527	284	14	CAGGTAATGAAGTACACAGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACGATTGTCTGTACCTCACCCAA
chrom	6719494	P	228	136	14	AAGGCTCTTTAGATACATTTGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACCATGTGTAGTTTTCGCTAAGT
chrom	7577333	P	186	1216	14	CAGGTAATAGACCATGCAAGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTAACAGATAACAGATGTGGTTC
chrom	7595082	C	9	55	14	CGGGCTTTGTAGTTAAAAATTGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTACCTGAACATAGGGCTTCCATT
chrom	8020874	C	363	61	14	CTCCTTAAATAGACCACGCTGTAGGGGCAATTCATGAATTGCCCTTACGACAGATGTGCTTCAAATACA
chrom	5122260	P	191	66	2	GTTGTGCAAGTCAAAACCATGTACAGACGTAAAATTTTACGTCTCTACATGATTCATACCTGTATTCAA
chrom	5134100	P	136	117	2	TCGAGGTATGAATTTTGGATGTACAGACGTAAAATTTTACGTCTCTACAAGGATTTTCACTACAAAGCA
chrom	1560572	P	97	89	2	ATTACCTGTGAGGTTGCTCTAGAAACAAGGGGCTTAAGCCCCTTGTCTTACTAACTTGATTGTGTACCA
chrom	7586799	C	95	620	2	TTTGAGCAGTCTCCTATAACCAGACAAGGGGCTTAAGCCCCTTGTAAATATAGGTAAACTCCGTTTAC
chrom	1912758	P	54	119	1	GACCGTAATTTTACTAAAGCTGCTAAAATTTATATATAAATTTTACAGCTTTTTTTGCTTTTATTGCGT
chrom	1953660	P	136	27	1	TCAATTAACTCTTAACCTCTGTACAAACGCGATTAATCGCGTCTCTACTTAACCCCTAACTTCTTCCAAC
chrom	2719571	C	124	226	1	CGGCAGGGCTTTCGGCAATAAGAGAGAAAGTAGCGATCGCTACTTTCTCCATTCCCAGATTTCTTACTCA
pNpC	44314	I	332	39	1	TATTGTTGCAATTGCTAAGTCTAAAAATACTAATATTAGTATTTCTGAGAATCTTATAGCTGAAAAGTC
chrom	5899004	P	42	8	1	CTCTACTCAGACTACAATAACTGCAACTTTATTTAATAAAGTTTGTGATGGGTTACCTGGTTTTGCT
chrom	7778196	C	13	60	1	CTAGGTAAAGGAAATTAAAAAGAGAAGGGGAAAATTTTCCCTTCTCTCTGTGTGAGATTTTACCCTG
chrom	7907417	I	818	123	1	GTTGTTGGCGATCGTAACGGTGGTAATCATCTGTACAGATGATTGTGACATTTTCTGGGCCGAGTGCCT
pNpE	22417	D	473	425	1	ATTTTGGCAATTCCTGATGTACCAATTAACCTATAGGTTAATTGGTACAGCTTTTTGTATGGCACTA

Suppl. Fig. 10 – Palindromes in *N. punctiforme*

chrom	6420249	I	878	9	1	AGAATTATTGAGAAAGGAAATTAAAA	TTAATTAATTAATTACAAAAAGCGAAGGAAGCAATAATC								
pNpA	257371	C	13	56	1	ACTTAGCGAGCAAATTGCAAGTCTACCCACTTAATTAAGTGGGTAGACTT	TCTCGTTTTGAAATTAGC								
chrom	1154993	C	1162	122	1	TTTCCAGGTTTCTATGACCACTAACTAAATATATATATTAGT	AGGGGGTCTTAACTAATTTATTTA								
chrom	5692175	P	89	85	1	AATATGCTCCCGCAAAAAATGTA	AGACGC	AAAA	TTTT	CGCTCT	CTAGAGAATTTATCGTTGTGTA				
chrom	6662081	C	1017	75	1	CTTAATTATTCTACACCCAAT	GACAGATGC	AAAA	TTTT	GCATCTGT	C	TTTT	AGGTAAAAGTTTCCTTA		
chrom	3976947	D	288	351	1	GATTAATTGATTAAGGTTAAC	CAAAGATTAAC	TTAAGTTAATCTTTG	AAAAAAAA	TTAAAA	ATGTGAGT				
chrom	6452434	P	296	97	1	ATCCATAACAATACCTAGTGGTAG	AGGGAGTAATATTACTCCC	TTTT	TTCTTTGC	AAAA	CGTCGAGTTT				
chrom	6939889	P	0	44	1	CTTGTCCTTTGTCCTTAGTCA	TTAGTCATTTGTACAAATGACTAA	CAACA	ACTAATGACTAATGACTA						
chrom	4972042	P	453	248	1	AATTAAAA	TAGCATACTTGTGAG	ATACCGTAAATTTACGGTAT	TTACACATCTTAAATATTCGCAGAC						
pNpC	2237	D	96	210	1	TTAAAAA	GGCTATTATCG	TTATTATCCACATATATGTGGGATAAT	AAAA	GAGTAAGAAATAGGAACG					
chrom	1407978	P	184	98	1	CAGTAAAA	ACCTTAACAAGCACAGATGAATGCGATCGCATT	CATCCTTATCGGCATATACTTTAAAGAA							
chrom	713010	I	1645	430	1	CTGAGATACCAGCTATC	TTTTTTT	ATTACCCTCATGAGGGTAAT	CATTCAAATAGACCAAATTTACCTT						
chrom	4889235	C	81	109	1	TTATTTTT	TGAATTAGG	TAATAAAA	TTCCCCTTATAAGGGGAA	TTTT	TATTA	TATCTCTACTCTATTCT			
chrom	6374048	D	415	411	1	ATATATATAATTTAATCAGTAA	TGATTGATTAATATTAATCAATCA	AAATATTATCGGAAATTTGTCTAA							
chrom	849754	I	1445	300	1	GGTTTAGGAGATTACAAACCTTC	ACCATTAGCGATCGCTAATGGT	ACTCAACCAACTGCAACCGCTTTG							
chrom	7228107	P	181	104	1	GCATCACGAGTCTTAATACTCA	AACCCCGGCTAATATTAGCCGGGGT	TGTTGTTTGGG	TTT	CAGGTTT					
chrom	7708020	P	525	39	1	AGGCTGATG	AAATACAA	AGATTCCCGACTTCTTTAAAGAA	AGTCGGGAATCT	GAG	TTT	AGTCTTTAGCC			
chrom	2000566	C	297	33	1	TGATCGGCTTTGGTTTATTTACT	TCGTCAA	TTTT	AAAA	TTGACGAGGTAT	TTTT	ATTTA	TTTACTTGCA		
chrom	4647098	C	116	95	1	ACTCAAATCCCTC	TTTT	AAGGCTACGGTGTATACACCGTAGCC	TTTT	TAGGGGGGATCTCAACGCT					
pNpB	558	D	828	31	1	TGGTTTATTTATGGCATATTA	AATCTCAGA	TTTT	AAAA	CTGAGATT	AAACT	TTGACAAATATATTAGA			
chrom	639892	C	15	229	1	GAGT	TAAGAAATTT	AAAA	TTAG	GGGCTGATTGCGATCGCAATCAGCCC	ATACATT	CAGTCCACTGTCAAT			
chrom	36274	I	602	561	1	AAGATTGACCAAAGAG	AAAAAA	CTGAATCATT	TGCAATGATT	CGCTCGGCGATC	AAAAA	TATGGCAA			
chrom	2993334	P	51	525	1	TGGTGCTTTGTTTATCGCAGTTT	AGACAAACAAATTTGTTTG	TCCAAACCTAATACCAGGAGCGGAGA							
chrom	7714577	P	71	77	1	ATACTCGATTTAGCCTGA	TTTT	AGACGCGAT	AAATATCGCGTCT	AGTAACTAATCAAACTCGGTTCA					
chrom	5286295	P	462	148	1	AAAA	GCGTTATAGTCCG	TTGTAGAGACTTAATTTAAATTAAGTCTCTACAA	TTGTCT	AAAAA	TAAATCA				
chrom	5994977	C	29	182	1	GAAATACAAGTAAC	AAAAAA	GCAAGAGGTCTGATATCAGACCTCTT	TATCAAT	TTTT	ATCATCCATAGA				
chrom	7119933	P	34	294	1	GACTTTGACAACTAGCTA	AACTTAGATAAC	TTTT	AAAA	GTTATCTAAGTT	ATTTTT	CATAGGTTTCATAC			
pNpB	76282	C	176	146	1	CATACTTTACAAGCAATTGGGA	ACGATATGGGAAT	TCCCATATCGT	CTCTAATAATTGAAATGGAAGGG						
chrom	7956377	I	202	1111	1	AATCCTTCTAGGGTATTACTCGGA	GCAACTGCGATCGCAGTTG	CGGATATACTTGTTCCTGGGTAATA							
chrom	6048881	P	213	80	1	TAGACGACTATGAATTGAT	TAGGGGCACACAGCTAGCTGTGTGCCCTA	CAAATTGACAAATAACTTTG							
chrom	2595439	I	76	280	1	CCAACTTCTACTGCTGGAATCTGG	GACGATCGCGATCGCTGC	ATCGATATCTTGGGCATCGATCAGG							
chrom	6061729	P	27	176	1	TGGCACTACATAAACACAGTAC	ATGCCCTAATCGATTAGGGGCAT	TTTT	TACG	AAAA	TCACTTAACTG				
chrom	626211	P	10	128	1	TTGGGT	TGAGAATGACCA	AATTGGGGA	TTTT	CAATTG	AAAA	TCCCAATT	GAAAG	AAAAA	TGTTTCAGA
chrom	2516366	P	207	159	1	AGTT	AAAAAA	TATCCCGT	GT	CGGGGC	GCAAGGCC	TTGC	GCCCC	TAC	AAATCTATAAAATAATTTGGGA
chrom	1282968	P	282	65	1	GGGATCTTATCCGAAACGTAT	TAGGGG	TGTACAGCTGTAC	CCCC	TACAGCCAATTCATTTGTCGCAA					

Suppl. Fig. 10 – Palindromes in *N. punctiforme*

chrom	5169036	D	524	50	1	CTATTTGAACTAGATCTGTCTTAGG	TGCAATTCATGAATTGCACCTAG	CGCGTGGTATAAATTACCTAAA					
chrom	2821368	I	255	2078	1	AGCTTTGTATGACTTTTCATGTGAATAAAAGACATTAAATGTCTTTATT	GGTTGTGGACTAGGTGGAACATC						
chrom	742423	I	37	1030	1	AAGCTGAAGATCGCAAACAATTAATAACTCT	TTTTAAAA	GAGTTACCAGAACTGGCTACAGAGCGATCGC					
pNpA	65209	D	51	1230	1	ACTGTACACGCTTATTAATATCGTGTAATTCATCATGATGAATTACCTTGATGTTATCATCGCCAAATGT							
chrom	3499538	I	1574	750	1	ATTAACCTTGAGATTGGAATCTGCTAATTCGCGATCGCGAATTAG	TTTTTAATCCGTTGATATTCTTT						
chrom	6924140	C	-2	25	1	GCAGCGATGGTAAATCCTATTAAATAATTCGTAATTACGAATTA	TTTAGTTTCTCTCAGGGTTGAGTTT						
chrom	6587416	P	248	29	1	ACTCAGATCGAACATTATTCTTAATAATTGTAAATTTACAATTATTA	TTACTATTTCCAGCCTTTTTCT						
pNpA	23157	I	493	430	1	GC	AAAA	TATTTGGCGGGAAAA	GTTACTGATAACGTTATCAGTAA	ATTCTGATGCAGAGGATGT	AAAAAT		
chrom	476433	I	957	329	1	AGTTAGACAATTATTCTCAACTTCTAGATGGTATATACCATCTACCATTCCCTCAATCCCACGAATCTG							
chrom	119992	P	89	442	1	AAATCAGAA	TTTTGATGAATAGGGTAGCACAGCTAGCTGTGCTACCCTACCGTG	TTTTACATTTAAACA					
chrom	6927979	P	789	48	1	AT	AAAA	TATGTAGAAAA	TTTAAGGTAGCCCAGCTAGCTGGGCTACCTTA	CTATCTTTATCTAT	AAAA	TC	
chrom	5026583	P	349	473	1	AATAAATC	TTTTTGGCACATAGCTTAGTTAGCGATCGCTAACTAAG	TGAGTAGAAATAAATACA	ACTAT				
chrom	5555234	I	157	181	1	GTATCGCGGTTCTGAGTACACCG	TTGAGTTTTTGCA	AAAAACTCAAAGTGGAATCGTCGTTGACGACAA					
chrom	6777899	P	8	454	1	TTTTCTTAATTTGCTCATTGAGAGATGATACTATATATAGTATC	AAAA	TTTTGAGATAT	AAAA	AAGCGAT			
chrom	2154980	P	142	83	1	TGATTTGAGATTTATGCACTGTGATGCAATGCGATCGCATTGCATCAC	TCTTTAGCTCAATTTAGGGCA						
chrom	7018090	I	2294	4818	1	AAAA	GCTTCTACAGCCTACACTCCTGCT	AAAAAGC	TTTTAGCATTGCCATGAATC	TTTTAGCTG	AAAA		
chrom	4790482	C	73	590	1	TTATGTTGTGCTGTACTAGTTAAGTGGAGTGCGATCGCACTCCACTTA	AACTGAAAAAGGCTGAATATAG						
chrom	6747318	P	97	221	1	ACTCAAACCTTAAT	TTTTCCGATAGTGGCAATTCATGAATTGCC	ACTACCGCCTGTAG	TTTTGCATTATT				
chrom	5758321	C	381	20	1	C	AAAA	GAGGGATTAGTAATTAATTTGTAATTATTAATAATTA	C	AAATTA	TGATTCTTATA	AAAA	ATCTCT
chrom	3200535	I	254	69	1	GCTGCTGAGAA	GTGTGTACAAATGTTAAGACCAATTGGTCTTAACATTTGTACACAC	AAAGAAGTCATA					
chrom	6407008	I	219	2987	1	TCTTCGATTTGCAGCTTGGGATTATTAGCTGCGATCGCAGCTAAT	TCGATTAATGCTTCAATATTA	AACT					
chrom	7223442	P	222	259	1	AAGCGCGATCGGCTTG	TTTTACAATTGGATAGCTAGCTATCCAAT	CAAGTCGAGCCTTCCAAGCAAAGC					
chrom	1413567	D	324	212	1	A	TTTTGGT	AAAA	GATTTTTATGTGTTGTC	ACTTATAAGTGACAA	TGTGGTATTTACTGTACATACTCGG		
pNpD	24051	I	306	1517	1	AATCGGCTTGACTTGATTAGATAATTGTGGCATTAAATGCCACAAC	AAAA	CCCCCAACAGAAGCAATCAT					
chrom	3441812	P	12	47	1	CATAATTTACCGA	AA	TTTTAGATTTTTTAAATTTATAAAATTT	AAAAAA	TCT	AAAA	TT	GTCTGACACAGGG
chrom	6591045	D	91	563	1	AACCTG	TTTTTGACTTATTTTTA	TTTTTGACACGTGTGC	AAAA	CTGTGTGTTAAGTTTCT	TTTTCTATT		
chrom	3801417	P	932	14	1	TCTAACTTTAGAGCTTGATTGAG	TTTTTCAAATAT	TTG	AAAAA	CTTTATCTTAGCCATCCTA	TTTTTT		

Supplemental Figure 10: Palindromic sequences in the genome of *Nostoc punctiforme*. All palindromic sequences, with no gaps, in the genome are shown. Each palindrome was expanded as far as possible from its initial 20-nt palindromic core. Conventions are as described in Supplemental Figures 1 and 7, except that the coordinate listed under **site** is the low order coordinate of the sequence shown (including the sequence flanking the palindrome). Sequences highlighted in dark cyano are related to SDR2 and those highlighted in brown are related to SDR7. Those highlighted in yellow are palindromic but not obviously related to any SDR sequence. The number given for copy is the number of times the central highlighted 20-nts appear in the genome.