

1

Glazov EA et al. Supplemental File S3.pdf

```
UUCUGAUCCACCUUGGAGGUUUGGUGACAACCGGAGCAACGAGAGGAGGUCGUCUGA  
..(((.....)))). (-26.04)  
>CE5_1_207299+.chr10:16350471-16350560  
UACCUACACAGGCAGACUGCAGACUUGCCCUCACCUCGUUGCUGCACAGGUAGAGGAGGGCUUGCAGGCGGUGUGCCUCUGGUUUGGUG  
((((.....)))). (-38.80)  
>CE5_2_25218+.chr10:17701563-17701652  
GCUGGGCACUGCUUUCUCCUGGGUACAACUCUGCUGUCUUUGUACUUCUACUUGCAGGCGGUAUCAGGAGGCUGAGCUGUGCCCAGC  
((((.....)))). (-46.05)  
>CE5_3_17773+.chr10:18568986-18569060  
GCAUAAGAACUUCUGUGGCUGCAAGGAGAGCUGCCA AUGCGCUUGCAGAAUAGCAGCAGUAUUUUUAUUCUUGC  
..((((.....)))). (-19.90)  
>CE7_1_128442+.chr10:19149634-19149727  
CCUGCUGCUGCUGCAGCACUGCUGCGCUCGGUGUCCCACUGCCCCUCAGCAGCACCGUCCCGGGCUC CGCUCUGUGCUGAGCAGCAGGAGG  
((((.....)))). (-48.44)  
>CE5_5_11884-.chr10:20000337-20000429  
GUCAGCUAAUCCUCCUGACCCUAAGACUGCUCUA AUUGUGCUGUAAUACA AUUAGAGCAUCACCAAGGGGGAAGGGGCAUUCUGGCUGCAC  
((((.....)))). (-31.80)  
>CE5_1_38412+.chr10:21236744-21236818  
UGCAGGCUGAGAGGCUGUCAGUUUGUGGGGGUGAAGUAGUUGGGACUCUGCAGACUGCAGCAUCUUGCACUGCA  
..((((.....)))). (-35.56)  
>CE5_1_22144-.chr11:1243997-1244091  
CAAGCAGCAGAGCAAUGGCAGCAAGCUGAAGAUGAUCUCAUGUGUCCUCAGAGCUGUGGAUCCUGCAGUUUGCUUUAUCCUCCUGCUGAAUG  
((.....)))). (-31.90)  
>CE5_1_43219-.chr11:1919445-1919540  
UCUUGGAAGUAUAUGCUGAUUCUUAUCACGAGGAGCACUUUUUUGAAAGCACUUUUUAUAAAAGUGCUGCUGGUGGAAGAAGCUGCCUGUAUGAGG  
.....((((.....)))). (-33.50)  
>CE9_1_444+.chr11:9553016-9553079  
CCAUGCACCCACAAGCACAACCAAGCCCAAUGAAAGGUUUGGGUGUACUUGC GAUGAAUGG  
(((.....)))). (-24.60)  
>CE9_1_47761+.chr11:9633721-9633806  
UGAAGCACCAUGUUGGGCUGCAUCAGUCAUGCCAUGUUAUGAAACCUAACGCGAUGUGACUGAUGCAGGCUGACGUGAUGUGUCA  
..(((.....)))). (-40.20)  
>CE5_1_29473+.chr11:12200274-12200370  
CUCCUGAGAAGUUUCCACAUGGAGCUAGGCCGUUGCUGAGAGUUUUGAGUCGGUACUGCGACGCAUCGGCCUUUCUUCACGUGUGGAACUUGGAG  
((((.....)))). (-37.60)  
>CE5_1_12736+.chr11:20363858-20363956  
AGGCGUAGGGACACAGCACUGCUGUCUGCCUCCGAAGCUGAGCUGUUCAGCAUCACUCUGUUUCCUAUCCAGGCAGCACUGCUGUGCACCCAUCACCU  
((((.....)))). (-41.70)  
>CE5_1_107270-.chr11:20587340-20587444  
UCCUUAGUCACUGCGUGGGGGUGGCGGCGGAGCAGAGAGGCGCUGCCGUGUCCAAAGCAGCAUCUCUGGACGCGCUCGUUCCUUCUGCGUGGCUCGCUUGGA  
(((.....)))). (-49.40)  
>CE9_1_21713-.chr11:20641235-20641337
```

```

GGAGCGAGCCCUGUGUGCUCUGAGGGCAGCACUGUGUCCGGGCGUGUGAUGCUUCUGCCCAGGCGCUGCCUGCUGCUGCUGCGGAGCACAUGGCUGCGUGCUCU
(((((((.(((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_2_36369.-.chr11:21458749-21458846
GCCUGGAAGCCCUGCGCACCCGCCCUUGGCAUGCUCUCUGGCCUCUGGAAACAUCCCCAGAGGGACAUGGCAGGGCAAGGUGCUCAAGGCAUAGC
.....(((.(((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_113331.+.chr12:738667-738738
AGCCCAAAGCACAUAGAUGAGGAAGCACUGAAACUGACUCUGUAUGAAGUGCAUUCAAUCCAAUGCUGAGCU
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_3_24639.-.chr12:842923-843012
UUGAGAAGUACUUGUUUGUACCAAAGAUGAUGAUUGCUGAUGUGCUUUGUCGAGGUAACGCUGUUUCCUGGGUGCAGUAUCGCUUAA
.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_2_24729.-.chr12:2390251-2390337
AGGGGUGCUGAGUGACUCCUGCUGUUGUCAGAUUGGAGCCAUAGGCAUUUUGACAAAGACAGAAGGAGCUCAACACUUUACCCU
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_227825.-.chr12:6726487-6726571
AGCAUUUUUACUGAAUGAUGGUUCUGUUCUGACAGCACAGCCUAGCUGUGUCCAGUGAUCUGAUUACAUUACCAUUAUACAUGUU
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE9_1_4067.+.chr12:8996101-8996191
GCCGGUCCUUUUCUUUUUCCCUUCCCUAAACCUCUCUUUGCUUCCAUGGUGCGGUGGUCAGUGUUGUUUACGGAAGGGGAAAAAAAACGAGGC
(((.(((.(((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE9_1_11667.+.chr12:9044609-9044710
CUGAAGUGUUUAUGAAUCGUGCUCUGAACGAGCUGAGAGGCAUGCUACUUUCUGAUCAUUGCAUCCAGCUCUCUCAUUGCUCAUUUCAUAACUCCUUUCAG
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_129589.-.chr12:9668819-9668914
GCGGGACUGCAGGAGGCCAGGGCCGUUUGUCAGGCUGUCCUGUUUAUCCUGCUUGGGAACCUGACACACGGGCCUGCUUUCUUGCAUGUGUUGU
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE7_1_10543.-.chr12:10938254-10938356
CUUGGCCUCUGCUGGAAGCCGGGUACUUGACUGCAGGCACUGCUGCUCUGUCCAGAUUGGCAGUUCUUGGUCUUGUCCUUGUCUCCAGUUCUCCUUAAG
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_2_37248.-.chr12:11940343-11940437
GGCUCGGGGCGGGGCGGGCCACAGCUCACCGCCGUCUCCCGCAGGUGGGCCACACGCAGCGGGUGGAGCUGGGGGCCGGCCGGACCCGCGCC
(((.(((.(((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_10_6713.+.chr12:13130850-13130948
CCAGACCUGUGCAGGCUUGGGCUGAUGGGGGUGUAGUGCAGCAGCUAUUUUAUCAUGCUUACACUACUGCUCACUGGUCUAAGCUGCACCACCCGGG
((.....(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_3_20399.-.chr12:17010139-17010207
CACUGUGCAGUGCUGCAUCUCUUAAGACAUUUAUUGUGGAGACUGGGGUUUUGUUAGCUGUGUUGUG
(((.(((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE7_1_31949.+.chr12:19208728-19208798
GUGCCACAUGUCACUGCCAUCCCUUCCCUUCUGUGGGGAUUUCCUGGCUCUGGGCACAGCGUGCGGCAC
(((((((.(((((((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_2_37942.+.chr13:1828159-1828243

```


[illegible]


```
((((((((.....)))))).))))) (-47.40)
>CE5_1_179500.-.chr19:9339012-9339079
CUUGGCACUGCCUCAGACAACGGGUGUGCUUUCUACACACAUCUGCUGCUGAGCGCUGCCAGG
(((((((.....)))))).))))) (-29.62)
>CE5_2_28420.-.chr19:9363452-9363556
GGUGUUUUGUCUGGGCAGAAGAUUCUCUGCUUACAGUGUCUGGGGGGAUCAUGCGGCAGCCCCGGUGACUGGAAGCAGCGUUGACUUCUGGGCAGUUCUGUCUCC
(((((((.....)))))).))))) (-35.39)
>CE7_1_1809.+.chr2:475529-475627
GAGUGCAGCUGGAGGCUACAGGGAGAUAGGAACUGAACUGGCUGCAUCUCUGCUGCUUUGGCUCUGUUCUUUCCGUCUCCUAGCAAUUCUC
(((((((.....)))))).))))) (-36.10)
>CE7_1_72831.-.chr2:1599962-1600053
UCCAGAGUGUGAGAGUUGUGAGAGUUGGACAUAGAGUAGAGACUUGGGUUGUUUUUUUUUUUUAACUUCUGCUUGCUACUAGCUGGA
(((((((.....)))))).))))) (-25.20)
>CE5_1_6191.+.chr2:1721333-1721406
UCUAUGGGUUUGACAUCAUCAUACUUGGGAUGUAUGACACAAAGUCCCAAGCAGGCUGAUGUCAGGCCCAAGA
(((((((.....)))))).))))) (-34.20)
>CE5_1_3512.-.chr2:3173519-3173591
CUGCUGCCAUAGCACUGAGCACAGGGGAUUUUUAAUUGGCCGCCUUGUGCAAGGUACGUUGGGUUAAUUCGG
.....(((((((.....)))))).))))) (-18.19)
>CE5_30_2849.-.chr2:3751022-3751096
GCUUGGUCGCCUCAUCUCUCUUCACUUUUUUUAUUGUGAGGUUUCGGUGUGGAGGUGGGAUGAGGUUCCCGAGC
(((((((.....)))))).))))) (-35.40)
>CE5_3_18486.+.chr2:6696726-6696800
GUCCAGUGAAAGUUCUGCUGUGUGGUUUAAGGAUACUCACUGAUUCUCCAGCAACUGCAAACAGAAUACUGCAC
(((((((.....)))))).))))) (-16.02)
>CE7_1_75167.+.chr2:14046709-14046786
UAUCAGCUCAUCAGCAUGACAUAUCCUCUGCUGCCUUGGGAGUUGUGAGCAGAGGAUUGUCGUGCUGAUGAGUUGAUA
(((((((.....)))))).))))) (-54.70)
>CE5_1_60076.-.chr2:19733986-19734047
ACUAGCAGAUUUUAGGAUUGGCCUUCUCAAACAAGAUACUUCUGGAAACUGCUGGU
(((((((.....)))))).))))) (-21.20)
>CE5_1_49189.-.chr2:22663908-22664001
GGAAGCUCUGCCAGUGGCAAGCUGAAGGCCAGGGAGCAGCCACAGCAGCUAACUCCUCUGAGCUCAGCUUCGCCUCUGCCAGUCUCUCUGUCC
(((((((.....)))))).))))) (-37.50)
>CE5_2_26375.+.chr2:24751265-24751360
GUUUUUUAGUGGCACAGUUGGAGUCACUACCAGUGCUGUGUUUGACUACGUUAUGUAACCACAGUAAUGGUUAUGAACUCAGAUGUGCUACAGAAAU
...(((((((.....)))))).))))) (-36.10)
>CE7_1_105455.-.chr2:32584270-32584371
GCCAGGAGCAGAUGUGUACACCGCAGUCCGACAGCAGCGCUCGCGUCUGCCUGUGCGCACCGUGCUGCUGCGGGCUGCCUGUUCUGUGUACAUACCGGC
(((((((.....)))))).))))) (-54.20)
>CE5_1_236122.-.chr2:40218774-40218871
GAGCAGGCAUAUGGCAGAGUUAGAUCUCUCUUGUGAGCGUGUGAUGCAUGACUACAUUAUGAUGAGUACUGAUGAGACGUGCCACAUGUGCACAUUC
```


Glazov EA et al. Supplemental_File_S3.pdf

[illegible]


```
>CE5_2_26263.-.chr4:92587437-92587539
UGGAUCGGGUUUGAAAGGAGAGCUCUGCUCUCCUCAUAACAUCAUCUUUUUCUAUGGAUAAGUAUGAGGAAAUGGAGCUCUCCUCCAUAUCCACCUGUUUUA
(((((((.....))))))))) (-47.70)
>CE5_1_5114.+ chr4:92718270-92718364
GAUGUCAGUAGAAAAAUUGAGGCUIUGCUGGUGGAGGGAGCUGAGCAUAGGCUCACUAUUAACCAGCAGUAGAAGUUUUGAUUUUAAGGGAUC
((((.....)))) (-29.20)
>CE5_1_5114.+ chrUn_random:26716755-26716849
GAUGUCAGUAGAAAAAUUGAGGCUIUGCUGGUGGAGGGAGCUGAGCAUAGGCUCACUAUUAACCAGCAGUAGAAGUUUUGAUUUUAAGGGAUC
((((.....)))) (-29.20)
>CE9_1_855.-.chr5:996846-996937
CUAUUUGUGUCUUCAGGCUIUGUUGGGAUUGAAUACAUAUUGUUCUGCAAACACAUUAGGUCAAUUCCCCAUCACCUCUGAGGCAGACUAG
.....((((.....)))) ..... (-28.30)
>CE7_2_21491.+ chr5:2488502-2488591
GUGUAUGAGCUCUGAAUGCUUCGUGCAACAGGAAGACAAACAGGCUAAGCGAGUCCUCCUGUAGCCAGAAGAUUCUGAUCUCUGACAC
((((.....)))) (-31.01)
>CE7_1_38133.+ chr5:3878869-3878962
UGCAGUAUGCUGUUAUGGUAUCAGUCUAAACAGCAGGUGUGGCAUAAACACAUACCUCUGUCUGACUGAUUUUAUUGUCUCAGAAUACCGUGCA
.((((.....)))) (-35.20)
>CE5_1_124155.-.chr5:9074444-9074512
GCAACUGCCUUGUGAUGGGUGAGUUUUCACUUUUUUUCCUGGACUCAUAGAUCUGAAGGCAGGUAGC
((.....)) (-22.86)
>CE5_1_62990.+ chr5:16920986-16921088
UUCAGGAGGCCAGUGUUGGUUACCACUUGCCUGGUGGCCUGGCAGAGCUCGUGCACUGGCAUCCAGAACAGCGGUACCCAAGGUUGCUCACGUGCUACUGGA
((((.....)))) (-53.90)
>CE9_1_66263.-.chr5:18252172-18252252
CAAGUCACAGGGUGCAGUGACUGCUUUUGUGCUUAUACAGAGUAAAUAGCACAUUCUGUAUUCUUUAUUCUGUACUUG
((((.....)))) (-27.10)
>CE5_5_12404.-.chr5:25027901-25027970
UGCAACAUGCAGCUUAUAACUAUCCUACUAGAGAUAAAGUAUGAUUAAGUUAGAGCUGCUGCA
.((((.....)))) (-18.84)
>CE5_3_19336.+ chr5:30170144-30170224
AACCAGCUGCAUUUUAUCUGCUGCAUAACCAUCCAGUAUUUAUGCAUGGCUCUGCUGGCAGAGGAAUGGCAGUGAGGUU
((((.....)))) (-31.40)
>CE5_1_221605.+ chr5:30615450-30615539
CCCAACAGCUAGCACUCAGCAGUUCUAAGGCAGCUGAUUUCUCCUUGUGUUUCAGAGGCCUUCAGAUACUGUUUUGUGGCUGGCAUGGG
((((.....)))) (-36.44)
>CE5_3_23584.-.chr5:33777661-33777741
UGUAACUUUUGGCCAUGUCCUUUGCCCUAAGCUUUUCAGAAUUA AAAACUAAGGACAGAGGAACGGAGUCAAAAUACA
.((((.....)))) (-25.60)
>CE5_1_121959.-.chr5:40282494-40282575
GCAUCCACGGGGAAUGAGAGCCGCCGAGCCCCGAGGGAGCAGCCGAGCGGGACAGGACGGCUCUCGGAGCCCCGGGCUGC
((((.....)))) (-50.20)
```

```

>CE5_4_14341.+.chr5:41546680-41546766
GUCCCCAGUUUGGGAGGUAGCAGUGGUGGUGACAGUGGUGGUGGUGACACCCCCAACACUCACCCCCACUGCUCUCUCCCAGGGAU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-54.60)
>CE7_1_142926.+.chr5:41656799-41656892
GUGAGUUAUGCCAGUGCUGCCCCAGCUGGCUCUCCAUAGCCCCUUGGGCUGGCAAGCUCUCCACAGGACAGGUAGCCAGGCUGGGGUGCUCUUCAC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-44.40)
>CE7_1_109546.+.chr5:41996858-41996942
UAGUUGCAGUGUGGGUAGCAGCUCUCCUUCAGCCCCAGACCAGCAUGGUGGCUUCUGCUCUCCUCCAGAUUGUGUGCAGCUG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-28.80)
>CE9_1_56576.+.chr5:42365933-42366017
CUUAUUAGUUAGAUGUCAUUAUUUUACAAGCCGUAACUGAUCAAACAUGAGUACUGGCUGAAGUGAUGAUGCCUGAUUAGCAAG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-26.00)
>CE9_1_57518.+.chr5:47604930-47605006
CCUGCCGUGACUACGUGAUGCGAUCUGAUGGCUCAGAGGCUGAUUGCUGUCCUCUGCAUCCUGCUGGCUGCUCAGG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-22.90)
>CE7_1_84024.-.chr5:54133077-54133163
CAGCAGAGAGUCUCAGAGGCACUGAACCUUGGCAGGUUUUAAACCUGAGGGACCUCUAAAGGCUGUUUCCUCUGAAUUUUUGAUGCUG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-36.00)
>CE5_1_14330.-.chr5:57724750-57724817
CCAGUGUUUGUGUCCGAUAGCGCACCGCGUGCCGUGCAUCUGCUGUGCCGUUCUGACACAGCUCUGG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-27.00)
>CE5_1_32616.+.chr5:58712376-58712463
UUUUAGUACUUCUUUUGUGGUAGUUUGUGUUUGUUUACUAAUUAUCUUUAAUUAUAAACUUCACACAGAUUACAAAGGAUCUGGAA
.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-19.80)
>CE5_27_3132.-.chr5:58997735-58997835
CGAAGGAUGAACUCUCUGGGCCUGACUCAUCCCCUUGCUCUCCUCUGGCAGCACCGAGAGCGAAGUGGGUGGGAAUGUCCCCGGAGAUGCUUCCCACG
((.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-38.70)
>CE5_3_23115.-.chr5:60283967-60284072
GCUGCAUUUCCUGUGCCGAGAGCGGGGCGGCUGUGAGCUGCAGCGGUGACGGCCCGGCUUCCUGCCGCCCUGGCUGCGAGCUGGAAACCUCAACCGCGGC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-55.50)
>CE5_2_40433.-.chr5:60576032-60576121
AGCUUGCCGCAGGAUUCAGAGGCUGUAGGUCCGUGCUUUAAUUAAGAAACGAAGCUCGUGACUUCAGCUCCAGCAUCCGUGGCAGCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-36.60)
>CE5_1_145160.+.chr6:3677283-3677350
GCCGUGGCGGGAAGGGAUGGGCGCGUGCGCGGGCUCGCGCCUACCGCCGUCUGCCGCCCAGCCAGGC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-34.30)
>CE7_1_89524.-.chr6:11560477-11560546
CCGUGCUCGCCCCGUGCCAGCGGAGAACGAGUUGUGCCGUUCCUCGUUGUCUGUUCGGUGGCAGCGG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-32.30)
>CE5_4_15381.+.chr6:11797603-11797684
GGCUUGUUUAUGUCCAGUGAUGAAAGACUGAGGCAUAGAAGUCUGAUCAAUAAAAUAAGAUAGAGGUGGACAUGAUUAGCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-20.17)

```

```

>CE5_1_178539.-.chr6:13488311-13488410
UGGAUGGAAAUAGGUUAUCUCCAGAGAACAGUUUGUCCCACUUGUUUUUGACGUCUGUCGUAGCAAGGGACAAUUGCUCUCUGGAAGUACAUUUCUCCA
.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-46.30)
>CE5_1_239597.-.chr6:16899105-16899180
CUACUGCUGAACCCUGAUGGUGCCAGGUGAUGUCAGCAGGCAACAACACACCGCACUGGCAGGGAGCAGGAGUGG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-33.50)
>CE5_1_92799.+.chr6:24237812-24237908
GGUAAAGAGCAUUCUGCAGGGCUAUGAUGCGGUAUUUCUGAGCAAAGGGAUGCUGUUGGGAUGUUUCGGUGGGUUGGUGCUGGCAGGCUUUGGGCU
....((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-30.40)
>CE5_1_33014.+.chr6:29566733-29566810
UUGCUAACCUCCUUUUUAGGUUUUUAUGGUUUUUGUUUUUAAAACAAAACCCAAAAACCCAGAGAGCAGUUGUUUCCAA
.((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-21.30)
>CE5_5_13865.-.chr6:34084307-34084404
CGCUGUGGUGGAGCUGCUGGGCCAAACCCAUGAAAGCUCUCUGUGGGGAAGAGAAAAGCUUGUUGGGUUUGGUUUUGUUGGCUGCCAGCUCUCAUGGCG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-43.30)
>CE5_2_28639.+.chr7:10846-10929
UCGCUGCUUUAGGACCCGAACUCCUUCGCCGUCCACCGUGGUGCGCCGUUACUGGAUCACGUCGGGGUCACCAUUUUGUAGGA
...((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-23.20)
>CE9_2_26248.-.chr7:1263806-1263894
CUUUUAUUGGGAACCUAGAUUAUACUGUAUACUGUGUCAAGGUUUAGAUGACAUACUUAUACAGUAUAUAUCUAGGUUUUCUAAUACAAG
...((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-46.60)
>CE5_170_752.-.chr7:1330063-1330139
UAGACUCCUUUCGAUGCUUGUAUGCUACUCCCAAGAAUGCUAACAGGAGUUAUGUAUGCAUCGAGCAGAGACUA
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-25.34)
>CE5_2_32519.-.chr7:5419754-5419852
AGCCUGCCUGCCUCCAGCCACGGCGCAUCCCGUCCUACACCGCGACCACGAGCGGGAGGACGAGGCUGCGAGCGGAGCUGGAGGAACGUGCCGCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-45.40)
>CE5_1_198157.-.chr7:11205573-11205660
UGCCUGGAGCUGCUUACAGCACGCAGUCCAGCCAGCUGGCAGGCGUCUCCAGUGGUUGGUUUUGGUGCUGUCGAGCUGUUCAGCA
..((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-48.10)
>CE5_1_58229.-.chr7:14764186-14764287
CACUAGUUUCAUAUCCAGAGGAAGACUUAUUUUUAUUUAAUGUUCUUAUUUCACUGAAUAGGGCAGAAUGAAGGAGUCCUGCCUGUGGUGAGUGACAGUG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-27.90)
>CE5_3_21487.-.chr7:17384288-17384387
CUUGAAAUACCCUCCCGGCCCGCCGUUGCCCGCUCAAAGUCUGUGACAAGUUGGCUCGGAGAGGGAAGAACGCGGUGCUCGGGAGGGAGAUGCCAAG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-44.10)
>CE5_1_127326.+.chr7:17931019-17931119
GGCAUCCUGAGCGCUCUCUUAUUUUUCUUAUCUCCUACUGCUAUGUGACACACAUCAGAAGGGUGUGCAGAAGAAUGUGAGAGAAGCACAUCAUCC
..((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-33.40)
>CE7_1_10712.-.chr7:20421061-20421145
GAGUGUGCUGAUGCAGAAGUACCACAGGCAACCCAGUAGUGGCACUCUGGAUGGCUGUGAAUUGUCUGAACGUGAGCAAACAUC
..((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
.)))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))))) (-29.10)

```

Glazov EA et al. Supplemental_File_S3.pdf

[illegible]

[illegible]

Glazov EA et al. Supplemental_File_S3.pdf

[illegible]

[illegible]

27


```

GCAGUGUGUGUGUGUGCCAUGAUGUAAUGUCAACACAUCAUUCUGAAGAGGAAUUGUGUGGAGACCUUCUGUAACUGAGCACAGCACCUGU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_37734.+.chr13:10699549-10699635
AAGGUUGCCUGCUCUGAGCUGUGACCACGGCACCAGAAAGUUGGCUUUUACUGCUGUGUGGAUUAUGGCUCUUCAGCAUACAACCUU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_3_22293.-.chr13:12564748-12564832
GAAGCACAGGAGCUGACCUAGCAAAAGCUUCUCUUUGUUUCUUAGCGGUGGGGUUUUUUGUUUUUGCUGUGUUUUUGUUUUUGUUUC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE9_1_33252.-.chr13:13542132-13542205
GGCUCUACACAGGGCAGAACCAGCGCUCAGAUUGGGGUAGCAGCGCCUGGAGCAGCCCAACAGCCCUACGAGCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_60866.-.chr14:275358-275425
CUCACCGCAUCCAUCUCUAUUACUGCUGAAAUUUUAUAAAAACUUUGAUAGGCUGGGUGUGAUUGGAG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_28042.+.chr14:7322984-7323082
GGAUGAGUGCGUCCCGCCGUGCUGCUCGCGCUCGCGCUGCUUUACGAGGCGGCUCGCGCGUGCGAGGCGGCGCUGCGGGCGGUUGGGCGACGUCC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_39907.-.chr15:276507-276613
UAGUAAUUUCUGAUGCAUGGGGUUGUUUAACAUCUCUCCAUCUAAUGGGUAAUUCUGUUGAAUUGGGAUUUAGAUGUAAACAAGUCCUUGUCAUCGUUAUCUGCUG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_109457.+.chr15:8008115-8008201
AGGGAUGGUAGCUGCCUGUAGGAUGGGAGGUGUGUGCUGAAAGUCAUGUCAGGCCUCACCCAUCCCUACAGAAGUGCCAUUUCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_180035.-.chr17:6190062-6190148
GUUUUUUAACCUCCUGCCUUAUCAGCAUCCUCCAGCGGGGCCAGACCCAGCCACGCUGUGUGGGAUGCUCCAGGGAACAGAGAC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_945.-.chr17:9089047-9089121
UUUGCCCCAAAGCUUUAGCAGCUGACAAAUGAUGCAGAUGCUUUGUGUGCUGCUGUGACUGUUGCCAGGUGGA
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_1_137695.-.chr18:1434719-1434790
GGCUUGUUUUAAGCAUACACGACCUUUAAGCAGAGGCACUGCUGUGAUGCUGGGCUGAGCAGUGCC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE7_1_102663.+.chr18:4614682-4614759
CUUCCCCUCGCUCCUGCACAGCCUGUGCCUGAUGUGGAUGGAUGGAUACAGGCAGAGCUGGCAGGGCUGGGGCAG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE5_2_25427.-.chr18:6974079-6974156
AUGAAUUACCUCUUGUUGGAACAGCUACAUCGCACUGCUUUGACUUACAGUGAUGGUUGUCUGAGUGAAGUCUUUAU
...((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE7_1_112290.-.chr18:9826939-9827038
GUCAGAGCAGCAAGGUGGGGAUCACCAAGGCUGGGUGCUGUGAGAGCCACAUGCAGAUCCGAGCAGCCAGCUUUGGGAUGGGGCCACUUUGCUGUGCAC
.....((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
>CE9_1_81625.-.chr19:493296-493351

```

GCGGGCAGAGAUUGAGCGUGUGUCUGCUGCUCGCGUGCGCUCAGCUGUGCCCGU
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-31.70)
 >CE7_1_139555.+.chr19:1696858-1696934
 AGCUCCAGACAUGUUGAGAGAGGCAUUCGACAUCCCAAGGAGACCACAGAGUAAAACCACCAUUUUUGGGACCU
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-15.40)
 >CE5_1_40746.+.chr19:3205685-3205759
 CCAUGAGUUGGAUCCUGGCUCUUGUAGACCUUGAAAGGUCUGAAUGAUGAAGAGAUUGAAUUGUUGGUGG
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-20.30)
 >CE7_1_28368.+.chr19:5992080-5992149
 AGCUUCUCUGGAUUGUUUAUAGUGAGGCUGAGCUUUUAUAGGUCUACCCUAAUAAACAUUCUGAUGAAGCU
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-28.10)
 >CE5_2_35001.+.chr19:7988522-7988612
 UGGGUGCUUAGGCAUGCAUAGUUUGAAUUGUGGUACAGCUUUUAUUCUGAAAGGAGAGCUCUAUGAUGAGAACUGGCUGAUGGACACCUA
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-27.90)
 >CE5_2_39796.+.chr2:4755393-4755485
 GCCCAGUGCUGGGAGCAGGAGGACAGUGCCUCUUGUAACUUAUAGGUGGAAACAAAGAGGGCUGUGAAUGUACUGCUCUUGAACCUGCUGC
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-36.90)
 >CE5_1_115404.-.chr2:6510493-6510551
 GUUGCAGAUGCCUGCAGGAUUGGAGCAUUGUCACAACCCAGCAGGAUCAAUUAAC
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-17.30)
 >CE7_1_64444.+.chr2:32128111-32128188
 CGCGGGGUGCGGCCGACCCCCACACCCCUUAGCGCGGGCGGCCGCGGGAGGAGUGGGCAUGGCGGGAGGGCCCCGCG
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-42.60)
 >CE7_1_22422.-.chr2:69538749-69538838
 GCUGAGUUUGGACAAGAUUUUUUUGUUUUUGUUUUUCUUGUUUGUCUUAUAAUAGUCCAAGAUAAAAAGCCUUGUAGAAUACUGAAGU
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-19.10)
 >CE5_1_55057.+.chr2:77238479-77238585
 CUGUCAGAAGAUGCACACGGCUUUGUUUCACACUUGUCCAGGCCUGUUCGGACCUCUCCUGAAGCAGGCUUUCUCCUGCUGCAGCAAGCUGUUGUUUGGGGGCGG
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-33.72)
 >CE5_1_52258.-.chr22:524332-524412
 AUGCGUGAGGAGGGCUCAGGCACAGCAAACACAGCACUGCUGGAAGCAUUGUGUUCGUUGUGAGCCUUUACACAUGUAU
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-29.30)
 >CE5_10_7112.+.chr22:2228160-2228256
 GUAAGCUAGCAAGAACACUAAUUAAGCAAUAGAAAGAACUUGAUGCUGGCCUCUGUUUCAGUCCUGAUUUAUUGCUAUCUCUUGCCAUAGUCUGC
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-22.30)
 >CE5_1_244916.-.chr23:132343-132443
 AUAAGAAUUUAAGUAUCUUAAGUUCAGAUAAUUAACUCUGUUUUUAUUCACAAGUGGAAAGCAGGAUUUUUAUUAUCUAAGAGCUAGAUAAAGGUAACCUUGU
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-21.00)
 >CE5_1_176931.-.chr23:5178360-5178418
 CGCGCAGCGCUGAGCGGGCGGUGCUGCAGUCGGAGCGCUGCCAUCCCCAGCCUGGGCG
 ((((((((((((.....)))))))).)))))) (-28.30)
 >CE5_4_15747.+.chr23:5679175-5679286

```

GGUCUAUUGAGGGCUGGCUGGGGCGCAGCAGAUGAUGUGUGGAGCAGCUGACGCUCGCGAGCUCGCCGCGUAUUUUCUUCUCCUGCCUGCAGACAGCCCUGGCUCUGACC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
47.70)
>CE5_1_8776.-.chr26:675492-675585
CCAGCUUGGGAUGUUCAGGCUGUAGCACAGGGCUGGAUCUGCUGCCGUGGUUCUGCUGCAGCCCUGUGCUCAGCCUGAUGGAGCCCCCGCAGG
(((((.....((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-51.50)
>CE5_1_191049.-.chr26:4137501-4137559
GGGCUCUUUCCUGAGUUGAAUCAUUGCUAUGAGGUGGUAUCUUAGGAGCUCGUGCCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-17.00)
>CE5_1_247609.-.chr3:1509701-1509768
AGGCAUGACACAGGGCUGAAGCUUUGCGAGCUCAGAAACUCUAAGGCAAACGGCUGUGGUUUGGCUU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-21.30)
>CE5_1_21731.-.chr3:16033717-16033794
GGAAGCGGUGGCUCUCUUUGAAGUCCACCUACGUGAACAUAGUGGCAGGACUUAAGGGAAGCUGCUAUUUUCC
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-39.60)
>CE5_1_69918.-.chr3:66516238-66516304
AGGGCUGUGACUCAGUUCUUAUAAAUGCAAUCACAGAAGUUUAGUUAGAACUGAGUCACAUUCCU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-33.20)
>CE5_1_115523.-.chr3:74096959-74097021
UCCUGAAGAAAGCCUCUCUCAGAAUCCAGCCUUGUUGGAUGAUGAUGAGAAACUGAGUGGGA
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-20.40)
>CE5_1_44246.+.chr3:82335196-82335273
UCUGGAGGGAAGAUCUGCACCGAAGGAAAGACUGUAGAAAUAGCAGUUGUGUGUACAGUAGUAGAGUGAUUUUUGGA
(((.....((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-19.87)
>CE5_2_40246.+.chr3:85117884-85117980
CCCCAGGGCUGGCUGCAGGACUGUGUUUGUUCAGAGUUAGUUGGGAGACUCCUUCAGCAGAGGAAUUGGGCUGUUCUGUAUGAGCUCUUGCUGG
..((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-30.70)
>CE9_1_25364.+.chr3:99617047-99617123
GCCCAGGUGGUUCUGCUAGGAGGCUGUGUAUCCUGGGUGCCAGCAGGAUAGCAGUGCCCUAGUAGUGGCAUUGGGU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-38.10)
>CE5_2_26160.-.chr4:8572362-8572438
GCUCUCUCCUGGCUUUCCAUGACAGGUUGGUACCUCUCAUCCUUCUUAUCUGUCCUUGUGAGCCCCAGAGUGAGU
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-25.44)
>CE9_1_59652.+.chr4:8763100-8763176
CGGCGAAAAACCGUCCCGCCGCCGGAUCCGCGCCCCGAGCCGCGACGGAUUAGGGAUGCAGACGCUCAUCCCCGCCG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-29.14)
>CE5_1_134316.+.chr4:23140253-23140353
CAGAAAUAGCUGAUUUAGAAGCCUUAUCCUGAACAUUGUGCCUGCUUUCUCAUUGCAUCAGCAGGUCGUGGCUGGGGUAGCUGUACAAUCCAAGCUAACUG
((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-34.42)
>CE5_1_155570.+.chr4:51521949-51522020
CAUCAGACACGAGACGUAUGGAAUUGGAGGUAAGGAGACCCUUGUAGUCUUUAUUGUCCAGAUUCUGUG
...((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((((
(-15.50)

```

```

>CE7_1_91203.+.chr4:62764655-62764725
GCGCCCCGAGCGGAGCGGAGAGCGGCGGCCGAGAGCGCUGCGGACGGCGAGCCGUGCGCCUGAGGGAGC
(((.....(((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-35.50)
>CE5_1_151721.-.chr5:377976-378053
GCAGGGAUUUGGAUCGGAAGAGCCUGCAGCAUGCAGGGUUUGCUGCUUCCCGGCAUCUGCUCAGCCAGACGCCUGU
((((.....(((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-29.20)
>CE5_1_119099.+.chr5:24013504-24013566
GAAGAAAAGCUUCACCCUAGGCAGCUGCGGUGAGCACAGAGGCUGUGGUGAUGCUUUUUUUUU
((((((((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-26.10)
>CE5_1_2832.+.chr5:28624208-28624287
CAAAGACUGGGGAUUUAGAUGAUGAAGGCUGAGGAGAGAUCCTAAGCUCUUCUUGGGUUUGCUGCUUUUGGGUUUUUG
((((((((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-20.70)
>CE5_1_13292.+.chr5:37142729-37142821
UUACUGCUGUGUCAUGGGGAAAUACUGACAGCAUUCUGGGCUUGGUGUGUGUCUGUGUGCGUGUUUCCUUCUGAAUGCUACUAGCUUUAG
.....((((((((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....))..... (-23.60)
>CE5_1_148318.+.chr5:51078862-51078935
GCUGUCGCGAGCGGAGCGACUCCGGCGCCUCUCAGGUAGUGGCGGGUGCGGGCGGCUGAGGGUUUGGGGCAGC
((((.....(((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-32.00)
>CE5_1_31777.-.chr5:55556520-55556597
CAUUAAGAAUGGAUCAGACAAAGAUACAGCAGUCUACAAGUAGGGUGGUUGGUUUUGGUUUUGUGUUUUUGCCUUG
...((((.....(((.....(((.....)))))).....))))))..... (-17.50)
>CE5_1_2044.+.chr7:915651-915732
GUACUGGCUUGAUUUUCUGUGAUGGCAAUUCUGAGAAGUGAAGCUAAGAAUAGAAGAAGUUUAUUAAGAAUUUGGGCUUUUAC
(((.....(((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-16.20)
>CE5_1_29620.-.chr8:5425604-5425698
GAGAUCUGCAAAGCUGCCUGAAGGAUUUUGAUGCCUGAAAUGAAGGGAAAGAAAGGGCUGUCUGAGUCCUCCAGGCCGGGUUUUGUUUAUCUC
((((.....(((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-42.33)
>CE7_1_52388.+.chr8:20524357-20524426
GCUGUGGUGGAUACUGCCGGAGUCUUCUGUUUGGACUGUUGGCUCACGAGGGGUUUUUCAGAACAGC
((((.....(((.....(((.....)))))).....))))))..... (-30.00)
>CE5_1_182386.-.chr8:27139923-27140022
GUGCCAGUCACGCAGGUUCACAAGGAGACAAGGGGGGACGUAGCAUGAAUCCUUCUUAUUAUCCAUUGUCCAUUUUGAGGAUCGAGCCUGACAUGGGGC
(((.....(((.....(((.....(((.....)))))).....)))))).....)) (-32.70)
>CE5_1_158481.-.chr8:27514900-27514981
UUGGUGUUCUCCUGAGGUGCAGUGGAAGCUUUUGCAUAGUGAGAAACUGCCUGUGCUUUGGCCACAGCUGUUUCAGAGCAUGGA
(((.....(((.....(((.....)))))).....))))))..... (-26.30)
>CE5_1_194886.+.chr9:4629547-4629643
GUGUCUGAUGUCUGUUGCCAUAGGUAGUGCAGAGCUUGCGAGUCUCCUUGCUGUCUGAUCUCCUGCCUUGGCAAGUACCAGCUGCGAUCAGGGGC
(((.....(((.....(((.....)))))).....))))))..... (-34.10)
>CE5_1_204769.-.chr9:18331860-18331926
GUAGGCUUAGAGGAUGUUCACAUAAAUCAGAUUGGAAGAAUGUGAACAUUUUCUGUGGUUACUCUGC
((((.....(((.....(((.....)))))).....))))))..... (-21.70)

```

Glazov EA et al. Supplemental_File_S3.pdf

```
>CE5_1_127060.-.chr9:20981620-20981696
GAAGACUGUGGGUCCCUAAGGUUCGUUUGCACAUUUCUUGUGCAGAAGUCUGGAGAAGUGGUGGGAUCAGGUCAUC
...(((((((.....((((((((((((.....)))))))))).....)))))).... (-25.50)
>CE5_2_25613.-.chrE22C19W28_E50C23:404562-404636
GCAGGCAGUGUGGGCUCAGGGGAUGAAUUGCUCUCCUCCAAGGGCUGCAGUUCUCUCCUAUGAGCACAGAGCCUGC
(((((((..(((..((((((((((..(((((((..((.....)))..))))))))))))..)))))).... (-37.60)
>CE5_4_17223.+.chrZ:38058520-38058581
ACUGUGAUGUUUAUGGCUGAGAUGUUUAAAUGUGCAGAUUCAGGCCAGUCAAAAGUUUAUAGU
((((((((.....((((..((((((((.....))))))))..)))))).....)))))) (-17.80)
>CE5_1_43581.+.chrZ:64354893-64354988
UGCACAGUUGGCAAGACUUCUGUCAACAGUGAACAUUCUUUGUGAAUAGGUUAUGUCUUGAAGAUGCCACUGCCUGCAGAAGUGCACCCAACAGUCA
.....(((((((.....((((((((.....((((..((((((((((..(((((((..((.....)))..))))))))))))..)))))).... (-30.20)
>CE5_4_15086.+.chrZ:70766802-70766908
UGCUGAAUGACUCCCGUCAGAUUGGUGAUAGAGGAGAGCACAGAGCAGGAGUGCCCUCUGUCCCUUCUGCUGUGUGCUCUCCCAUUGAACCUCUCACAUUCACCA
((.(((((((.....((((..((((((((.....(((((((((((..(((((((..((.....)))..))))))))))))..)))))).... (-45.21)
```