

TE	Position	Encode region	Chimp	Baboon	Rhesus	Callithrix jacchus (ma	Otolemur garnettii (ge	Rat	Mouse	Rabbit	Dog	Cow
Charlie3	chr11:5082889-5083164	ENm009	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Charlie3	chr21:39392024-39392662	ENr133	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
Charlie3	chr21:39392457-39393113	ENr133	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Charlie3	chr6:41735307-41735608	ENr334	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
Charlie3	chrX:152657940-152658514	ENm006	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Charlie5	chr22:31170994-31171242	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
HSMAR1	chr11:4846845-4847090	ENm009	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
HSMAR1	chr13:111309004-111309548	ENr132	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
HSMAR1	chr13:111309659-111310805	ENr132	n	n	n	y	n	n	n	n	n	n
HSMAR1	chr18:24065341-24066812	ENr213	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
HSMAR1	chr21:39649675-39650240	ENr133	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
HSMAR1	chr22:31124153-31124445	ENm004	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr14:52083148-52084539	ENr311	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr14:52084533-52084800	ENr311	y	n	n	y	y	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr16:148566-148729	ENm008	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr2:234782316-234783420	ENr131	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr2:234845037-234845524	ENr131	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr2:234845630-234846449	ENr131	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
HSMAR2	chr5:132004066-132005330	ENm002	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MADE1	chr21:32755726-32756005	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MADE1	chr7 116619747 116619784	ENm001	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
MADE1	chr7 116712699 116712775	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MADE1	chr7 117237787 117237835	ENm001	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
MADE1	chr7:115817328-115817400	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MADE1	chr7:116293773-116293808	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER107	chr11:116388530-116388874	ENm003	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER107	chr11:2251099-2251477	ENm011	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER107	chr13:111368425-111368815	ENr132	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER107	chr5:132042659-132042845	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER107	chr5:56187171-56187506	ENr221	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER107	chr6:132329503-132329904	ENr222	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr10:55000825-55001555	ENr114	n	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr11:64043194-64043881	ENr332	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr14:52281793-52282523	ENr311	n	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr14:97765900-97766514	ENr322	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr16:25957042-25957763	ENr211	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr16:26325702-26326421	ENr211	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr18:24175648-24176326	ENr213	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr2:235151057-235151743	ENr131	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:32697354-32697602	ENm005	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:32697693-32698305	ENm005	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:32864628-32865026	ENm005	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:32865166-32865653	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:33069429-33070156	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n

MER1A	chr21:33107214-33107938	ENm005	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:33223096-33223769	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:33688787-33689439	ENm005	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:34250216-34250915	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:34320388-34321078	ENm005	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr21:39381390-39382030	ENr133	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr22:30444295-30445019	ENm004	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr22:31320402-31321132	ENm004	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr22:31375067-31375374	ENm004	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr22:31375828-31376568	ENm004	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr4:118844073-118844801	ENr113	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr5:55882672-55883298	ENr221	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1A	chr6:41733406-41734140	ENr334	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1B	chr7:116073962-116074318	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1B	chr7:116598305-116598641	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER1B	chr7:116907455-116907774	ENm001	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER1B	chr7:116968928-116969252	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER1B	chr7:117077061-117077400	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2	chr5:131334183-131334522	ENm002	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
MER2	chr5:131834102-131834136	ENm002	n	y	n	y	y	n	n	n	n	n
MER2	chr5:131834445-131834541	ENm002	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2	chr5:132026367-132026674	ENm002	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2	chr7:116273571-116273937	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2	chr7:116770775-116771103	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2	chr7:117037530-117037864	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2B	chr21 33884375 33884471	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2B	chr21 33884687 33884845	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2B	chr21 33885138 33885205	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER2B	chr21:33257657-33257808	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER2B	chr22 30146694 30146875	ENm004	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr1:148780520-148780735	ENr231	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr10:55081585-55081805	ENr114	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr11:116410556-116410773	ENm003	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr11:2229702-2229923	ENm011	n	n	n	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr11:5174061-5174260	ENm009	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr11:63971250-63971418	ENr331	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr12:39011557-39011776	ENr123	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr14:52230819-52231028	ENr311	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr16:235576-235768	ENm008	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr16:26139105-26139242	ENr211	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr16:26139540-26139634	ENr211	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr2:118549259-118549458	ENr121	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr2:220656431-220656530	ENr331	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr2:220656833-220656936	ENr331	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr2:235086497-235086761	ENr131	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:33036874-33037115	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:33498003-33498085	ENm005	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:33498134-33498236	ENm005	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:33891413-33891623	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:33913906-33914051	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:33914342-33914434	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr21:34097462-34097675	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n

MER30	chr21:34351490-34351742	ENm005	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr22:30970357-30970557	ENm004	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr22:31355362-31355588	ENm004	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr5:131509892-131510099	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr5:131516353-131516590	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr5:132280368-132280556	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr7:115392305-115392536	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr7:116087111-116087289	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr7:125927437-125927665	ENm014	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr7:26864981-26865206	ENm010	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr7:27068242-27068486	ENm010	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr7:89501320-89501537	ENm013	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr8:118833182-118833297	ENr321	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr8:118833609-118833709	ENr321	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr8:119024799-119025022	ENr321	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr8:119106498-119106705	ENr321	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER30	chr9:127251282-127251416	ENr232	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER30	chr9:127251713-127251787	ENr232	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER30B	chr7:116791959-116792151	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	y	y
MER44A	chr5:131771744-131772063	ENm002	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
MER44A	chr7:116453169-116453492	ENm001	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
MER44A	chr7:116863751-116864059	ENm001	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
MER44A	chr7:116887503-116887594	ENm001	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
MER44A	chr7:116887616-116887829	ENm001	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
MER44B	chr13 111460752 111461307	ENr132	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER44B	chr21 33829171 33829500	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER44B	chr22 31312249 31312693	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER44B	chr22 31413538 31414066	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER44B	chr7 26747412 26747935	ENm010	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER44C	chr15 41788904 41789526	ENr233	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER44C	chr2 52101316 52102029	ENr112	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER44C	chrX 152762444 152763133	ENm006	n	n	n	n	n	n	n	n	n	n
MER44D	chr7:116601987-116602567	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER46A	chr7:116103499-116103718	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER46A	chr7:116111225-116111456	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER46A	chr7:116312654-116312886	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER46B	chr11 116374824 116375016	ENm003	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER46B	chr22 30365261 30365382	ENm004	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER46B	chr22 30365678 30365775	ENm004	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER46B	chr22 30366436 30366578	ENm004	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER46B	chr7 26867002 26867337	ENm010	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER46B	chr7:115430816-115431164	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER46B	chr7:117032047-117032388	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6	chr20 34658011 34658227	ENr333	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6	chr20 34658236 34658473	ENr333	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6	chr4 119109932 119110703	ENr113	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER6	chr6 73868029 73868376	ENr223	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER6	chr6 73868399 73868428	ENr223	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER6	chr6 73868722 73868785	ENr223	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER6	chr6 73869103 73869552	ENr223	y	n	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6A	chr22:30222313-30222876	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
MER6A	chr22:30352974-30353529	ENm004	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n

MER6A	chr5:131960379-131960549	ENm002	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6A	chr5:131960589-131960944	ENm002	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6A	chr5:131963258-131963806	ENm002	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6B	chr11 5159833 5160034	ENm009	n	n	n	y	n	n	n	n	n	n
MER6B	chr13 111409879 111410065	ENr132	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
MER6B	chr2 118551842 118552018	ENr121	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
MER6B	chr5 142210467 142210663	ENr212	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER6B	chrX 152478474 152478690	ENm006	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
MER75	chr21:32810522-32810858	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER75	chr21:32810970-32811543	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER75	chr21:39380596-39381291	ENr133	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER75	chr6:132642021-132642258	ENr222	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER75	chrX:152218729-152219324	ENm006	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER75B	chr20:34892245-34892686	ENr333	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr10 55234037 55234244	ENr114	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr11 116426505 116426760	ENm003	y	n	y	n	y	n	n	n	n	n
MER8	chr11 131043859 131044035	ENr312	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr19 59477925 59478164	ENm007	n	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr19 59552475 59552544	ENm007	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr19 59795586 59795825	ENm007	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr19 59832343 59832575	ENm007	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr2 118824696 118824929	ENr121	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr21 32980406 32980629	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr22 31415124 31415300	ENm004	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER8	chr4 119130682 119130858	ENr113	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr5 142113499 142113680	ENr212	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER8	chr6 41578358 41578572	ENr334	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
MER8	chr7 114430620 114430791	ENm012	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER8	chr7 115704149 115704425	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr7 116397431 116397676	ENm001	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr7 117231337 117231517	ENm001	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
MER8	chr7 125794785 125795014	ENm014	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER8	chr7 125936496 125936745	ENm014	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER8	chr7 90277751 90277822	ENm013	y	y	y	n	y	n	n	n	y	n
MER82	chr11 5070759 5071050	ENm009	y	n	y	y	y	n	n	n	n	n
MER82	chr11 5072585 5072742	ENm009	y	n	y	y	y	n	n	n	n	n
MER82	chr21 32731220 32731446	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER82	chr22 31306730 31307340	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
MER82	chr7 113510208 113510830	ENm012	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr11:130818219-130818547	ENr312	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr11:130863469-130863792	ENr312	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr11:131136027-131136354	ENr312	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr14:52227613-52227939	ENr311	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr15:41453057-41453385	ENr233	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr15:41772252-41772573	ENr233	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
MER85	chr18:59825775-59826103	ENr122	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
MER85	chr2:235143650-235143973	ENr131	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr14 52312211 52312507	ENr311	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr14 52312889 52313616	ENr311	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Richsha	chr16 437925 438036	ENm008	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr2 234785512 234786010	ENr131	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr2 234786197 234786507	ENr131	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n

Richsha	chr2 234786526-234786684	ENr131	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr2 234848543-234849052	ENr131	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr2 234849356-234849643	ENr131	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Richsha	chr2 234849688-234849848	ENr131	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:2052368-2054711	ENm011	n	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:5008275-5009218	ENm009	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:5026480-5027420	ENm009	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:5027731-5028698	ENm009	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:5029087-5029186	ENm009	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:5413750-5413954	ENm009	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr11:5413950-5414087	ENm009	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr13:28665867-28667618	ENr111	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr13:28667751-28668055	ENr111	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr13:28669373-28669522	ENr111	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr13:28670164-28670364	ENr111	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr16:121619-121995	ENm008	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr16:122305-122663	ENm008	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr16:122967-123222	ENm008	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr16:123656-124200	ENm008	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr2:52025364-52026603	ENr112	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr2:52026601-52026976	ENr112	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr21:32862747-32863585	ENm005	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr21:33565939-33566869	ENm005	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr21:33567174-33567848	ENm005	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr21:33568156-33568972	ENm005	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30217764-30218228	ENm004	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30218235-30218552	ENm004	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30218844-30218992	ENm004	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30219203-30219389	ENm004	n	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30220010-30220278	ENm004	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30220543-30220590	ENm004	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30220847-30220990	ENm004	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30221296-30221328	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30221636-30221715	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:30222009-30222109	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31216428-31216739	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31217051-31217694	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31218069-31218592	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31243475-31243771	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31244083-31245269	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31245565-31245966	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr22:31246266-31246806	ENm004	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr4:119185563-119185829	ENr113	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr5:131553388-131553568	ENm002	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr5:131553565-131553631	ENm002	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr5:131982291-131983207	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chr7:114377602-114377813	ENm012	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr7:114377813-114378487	ENm012	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr7:115517756-115519173	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr7:115519564-115520641	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr7:116153191-116153890	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger1	chr7:116201198-116202288	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n

Tigger1	chrX:151802622-151802909	ENm006	n	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chrX:151803214-151803226	ENm006	n	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger1	chrX:151803536-151804043	ENm006	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2	chr5:131524561-131524924	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2	chr5:131525229-131525795	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2	chr7:116223447-116223613	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2	chr7:116242428-116244480	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2	chr7:116244799-116245205	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2	chr7:116245512-116245646	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2	chr7:116749545-116750374	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2	chr7:116750370-116750537	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr5:132032561-132032969	ENm002	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr5:132066888-132067113	ENm002	y	y	n	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr7:116134803-116135172	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr7:116135395-116135462	ENm001	n	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr7:116772254-116772313	ENm001	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr7:116772692-116773128	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger2a	chr7:117184405-117184847	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chr21 33565718 33565939	ENm005	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chr22 30887369 30887450	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chr22 30887471 30887771	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chr7:115372360-115372741	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chr7:115920083-115920307	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chr7:115920619-115920690	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chrX 152459449 152459714	ENm006	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chrX 152459994 152460516	ENm006	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chrX 152460507 152460611	ENm006	y	n	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chrX 152745734 152745879	ENm006	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3(Golem)	chrX 152746189 152746647	ENm006	y	n	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr11:4966794-4967978	ENm009	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr11:5395997-5396094	ENm009	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr21:33067391-33067887	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr21:33068302-33068322	ENm005	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr21:33068621-33068979	ENm005	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr21:33070056-33070270	ENm005	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr21:33070553-33070630	ENm005	y	n	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr22:30757901-30758091	ENm004	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr22:30758529-30759260	ENm004	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr22:30759376-30759528	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr22:30759660-30759936	ENm004	y	n	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr7:115390177-115390516	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr7:115390550-115391377	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr7:115625434-115626562	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr7:116176235-116176539	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger3b	chr7:116551571-116552729	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger4(Zombi)	chr21:33115149-33115494	ENm005	y	y	n	n	n	n	n	n	n	n
Tigger4(Zombi)	chr21:33115812-33115872	ENm005	y	y	n	y	n	n	n	n	n	n
Tigger4(Zombi)	chr21:33116964-33117461	ENm005	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger4(Zombi)	chr21:33117464-33117607	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger5	chr11 116368087 116368124	ENm003	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger5	chr11 116368130 116368218	ENm003	n	y	y	n	y	n	n	n	n	n

Tigger5	chr21 33627801 33627841	ENm005	y	y	y	n	n	n	n	n	n	n
Tigger5	chr21 33647097 33647164	ENm005	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
Tigger5	chr21 33892710 33892764	ENm005	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:115816137-115816213	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:115816217-115816438	ENm001	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:115816436-115816793	ENm001	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:116380052-116380200	ENm001	y	y	y	n	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:116380507-116380600	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:116380609-116381186	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:116609783-116610259	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:116912039-116912201	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:116912199-116912260	ENm001	y	y	y	y	y	n	n	n	n	n
Tigger7	chr7:117044760-117044833	ENm001	y	y	y	y	n	n	n	n	n	n